

7

โคม่าโทกราฟีแบบแอดฟินิตี้

บทนำ

- ประโยชน์ของโคม่าโทกราฟีแบบแอดฟินิตี้
- ขั้นตอนการทำโคอม่าโทกราฟีแบบแอดฟินิตี้
- ชนิดของตัวกลาง
- คุณสมบัติของตัวกลาง
- คุณสมบัติของลิแกนด์
- วิธีการชำระสารออกจากตัวกลางแบบแอดฟินิตี้

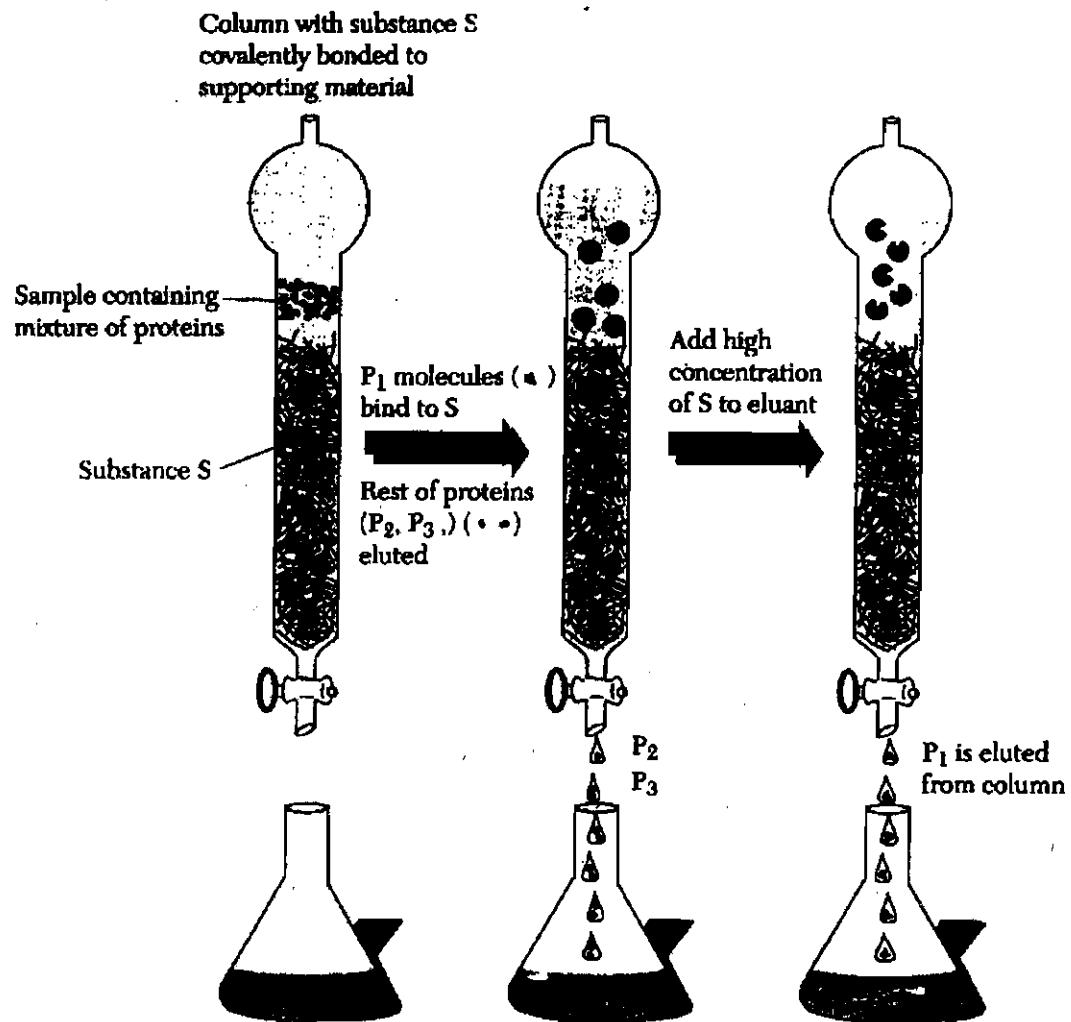
บทนำ

โคอม่าโทกราฟีแบบแอดฟินิตี้ (affinity chromatography) เป็นเทคนิคที่ใช้ในการแยกสาร โดยอาศัยความจำเพาะทางชีวภาพระหว่างโมเลกุลของสารที่ต้องการแยกกับตัวเรื่อง โดยที่เรียกว่าลิแกนด์ (ligand) เนื่องจากในธรรมชาตินั้นสารบางชนิดมีการจับกันอย่างจำเพาะ (specific affinity) เช่น การจับกันระหว่างเอนติบอดีกับเอนติเจน เอนไซม์กับสับสเตรท หรือเอนไซม์กับโคแฟคเตอร์ เป็นต้น จึงใช้คุณสมบัตินี้ในการแยกสารชีวโมเลกุลที่ต้องการด้วยระบบโคอม่าโทกราฟีแบบแอดฟินิตี้ ยกตัวอย่างการแยกเอนไซม์ lactate dehydrogenase (LDH) โดยใช้สับสเตรทหรือโคเอนไซม์เป็นลิแกนด์ เช่น lactate, pyruvate, NAD^+ หรือ NADH

ลิแกนด์ที่นำมาใช้ในการแยกสารจะถูกตรึงไว้กับตัวกลางที่ไม่ละลายน้ำ (insoluble matrix) และบรรจุไว้ในคอลัมน์ ทำหน้าที่เป็นตัวค้ำจุน เมื่อใส่สารละลายผสมที่ต้องการแยก และปล่อยให้ไหลผ่านตัวค้ำจุน สารที่ต้องการจะจับกับลิแกนด์ ในขณะที่สารปนเปื้อนอื่นๆ จะไหลออกมากจากคอลัมน์ จนน้ำเปลี่ยนสภาพเพื่อทำให้สารที่ต้องการหลุดออกจากลิแกนด์ และเก็บสารที่ต้องการนั้น ดังรูปที่ 7.1 แสดงการแยกโปรตีนชนิดที่ 1 (protein1; P1) ซึ่งเป็นโปรตีนที่ต้องการที่ผสมอยู่กับโปรตีนปนเปื้อน คือโปรตีนชนิดที่ 2 (protein2; P2) และโปรตีนชนิดที่ 3 (protein3; P3) คอลัมน์บรรจุด้วยตัวค้ำจุนชื่นมีสาร S เป็นลิแกนด์ (S) ที่สามารถจับอย่างจำเพาะกับโปรตีนชนิดที่ 1 เมื่อทำการชะลอคอลัมน์ โปรตีนที่ไม่จับกับ S ลิแกนด์ คือโปรตีนชนิดที่ 2 และโปรตีนชนิดที่ 3 จะหลุดออก ในขณะที่โปรตีนชนิดที่ 1 ยังคงจับอยู่กับ S ลิแกนด์ เมื่อชะลอคอลัมน์ด้วย S อิสระ (S₀) ในปริมาณมาก โปรตีนชนิดที่ 1 จะหลุดจาก S ลิแกนด์ มาจับกับ S อิสระ และไหลออกมากจากคอลัมน์

ประโยชน์ของโภคภารต์

เทคนิคโภคภารต์เป็นการแยกสารชีวโมเลกุลที่มีประสิทธิภาพสูงมาก เป็นวิธีการทำให้สารบริสุทธิ์โดยใช้ขั้นตอนน้อย บางกรณีไม่สามารถใช้วิธีอื่นแยกได้เนื่องจากสารมีคุณสมบัติที่ใกล้เคียงกันมาก แต่เมื่อใช้คุณสมบัติที่จับกันอย่างจำเพาะ ทำให้สามารถแยกสารที่ต้องการได้ โภคภารต์เป็นเทคนิคที่นำมาใช้แยกสารชีวโมเลกุลที่มีปริมาณน้อยออกจากสารเจือนอื่นๆ ที่มีปริมาณมาก และสามารถแยกสารที่มีสภาพธรรมชาติเดียวกันที่เสียสภาพธรรมชาติได้



รูปที่ 7.1 แสดงขั้นตอนการแยกโปรตีนโดยโครงการพัฒนาชุมชน

โภคภาระแบบแอฟฟินิตี้ สำหรับชีวโมเลกุลขนาดใหญ่ เช่น เอนไซม์, แอนติบอดี, โปรตีนชนิดต่างๆ, โปรตีนที่ทำหน้าที่เป็นรีเซปเตอร์ของฮอร์โมน (hormone receptor proteins) โปรตีนที่ทำหน้าที่เป็นสารสื่อประสาท (neurotransmitter proteins) หรือกรดนิวคลีอิก การแยกจึงเลือกสารซึ่งเป็นโมเลกุลขนาดเล็กเป็นลิแกนด์ซึ่งถูกตรึงไว้กับตัวกลาง เช่น แยกเอนไซม์โดยใช้สับสเตรท โคแฟคเตอร์ (cofactor) หรือตัวขับยั้ง (inhibitor) เป็นลิแกนด์ของเอนไซม์ แยกแอนติบอดีโดยใช้แอนติเจนเป็นลิแกนด์ แยกฮอร์โมนโดยใช้รีเซปเตอร์เป็นลิแกนด์ หรือแยกกรดนิวคลีอิกโดยใช้เบสคู่สน (complementary base) เป็นลิแกนด์ เป็นต้น

เทคนิคโภคภาระแบบแอฟฟินิตี้บังคับนำไปใช้ในอุตสาหกรรม เช่น การตรึงเอนไซม์ (immobilized enzyme) โดยตรึงไว้กับตัวกลาง ทำให้เอนไซม์ที่ถูกตรึงมีความเสถียร ทนความร้อนและทำหน้าที่ได้ดีกว่าเอนไซม์อิสระ อีกทั้งได้ผลิตผลที่ต้องการโดยไม่ต้องเสียเวลาในการแยกเอนไซม์ออก และเอนไซม์สามารถนำกลับมาใช้งานได้อีก

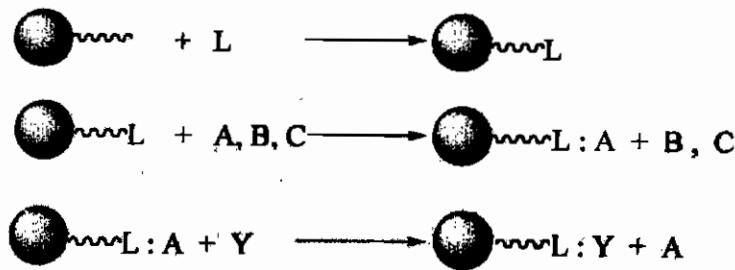
ขั้นตอนการทำโภคภาระแบบแอฟฟินิตี้

การแยกสารด้วยโภคภาระแบบแอฟฟินิตี้ มีขั้นตอนในการทำดังนี้ ได้แก่ ลำดับในข้างต้น โดยอาศัยหลักการที่ลิแกนด์สามารถจับกับสารที่ต้องการแยกอย่างจำเพาะและแข็งแรง แต่สามารถผันกลับได้ (reversible) สามารถแบ่งขั้นตอนในการทำโภคภาระแบบแอฟฟินิตี้ได้ 3 ขั้นตอน ดังรูปที่ 7.2

1. ขั้นตอนการเตรียมตัวค้าจูน (coupling) คือการเตรียมตัวกลางให้จับกับลิแกนด์ (ligand; L)

2. ขั้นตอนการทำให้สารที่ต้องการจับกับลิแกนด์อย่างจำเพาะ (specific adsorption) เริ่มต้นจากการเตรียมคอลัมน์ และการใส่สารที่ต้องการแยกลงสู่คอลัมน์ สาร A เป็นสารที่ต้องการซึ่งผสมอยู่กับสาร B และสาร C สาร A สามารถจับอยู่กับลิแกนด์ได้อย่างจำเพาะ

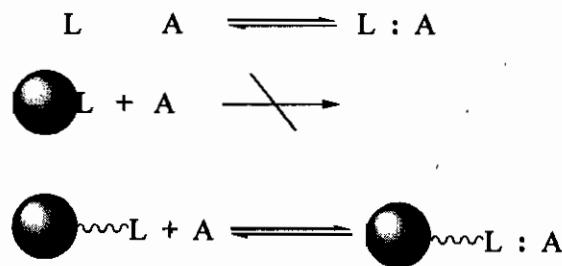
3. ขั้นตอนการชะคอลัมน์ (elution หรือ desorption) เป็นการชะด้วยสาร Y ซึ่งสามารถดึงสาร A ออกจากลิแกนด์



รูปที่ 7.2 ขั้นตอนในการทำโปรแกรมไกกราฟแบบแอฟฟินิตี้ สัญลักษณ์ต่างๆ ที่ใช้มีความหมายดังนี้ L คือลิแกนด์ A คือสารที่ต้องการแยกให้บริสุทธิ์ B และ C คือสารอื่นที่ผสมอยู่ Y คือสารที่ใช้ช่วยคงอันนี้

\bullet
 ตัวกลาง $\sim\sim$
 spacer arm

โดยทั่วไปบริเวณที่มีความจำเพาะของเชื้อไวโอลეกุลในการจับกับสารอื่น เช่น บริเวณเร่ง (active site) ของเอนไซม์ซึ่งเป็นที่จับกับสับสเตรท มักอยู่ภายในไวโอลেกุล เมื่อต้องการแยกเชื้อไวโอลেกุลโดยวิธีโปรแกรมไกกราฟแบบแอฟฟินิตี้ทำให้ไวโอลेकุลเข้าจับกับลิแกนด์ได้ยาก จึงทำการดัดแปลงให้มี spacer arm ต่อเข้ากับตัวกลางก่อนเชื่อมกับลิแกนด์ ทำให้การจับกันระหว่างลิแกนด์กับเชื้อไวโอลेकุลที่ต้องการแยกมีประสิทธิภาพมากขึ้น ดังรูปที่ 7.3

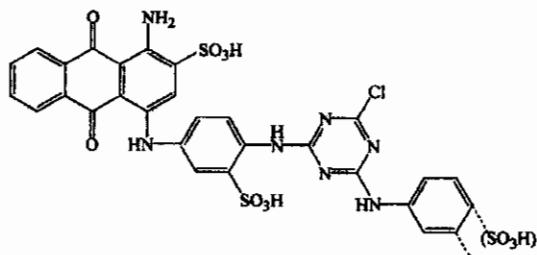


รูปที่ 7.3 แสดงการใช้ spacer arm ต่อเข้ากับตัวกลาง

- (1) ปฏิกิริยาจำเพาะระหว่างลิแกนด์กับสาร A
- (2) ลิแกนด์ที่เชื่อมกับตัวกลางไม่สามารถจับกับสาร A
- (3) spacer arm ช่วยให้ไวโอลेकุลของสาร A เข้าจับกับลิแกนด์ได้ดี

ชนิดของตัวกลาง

ตัวกลางที่ใช้ในโปรแกรมยาแบบแผนพิเศษเป็นสารพอลิเมอร์ที่มีลักษณะเป็นเจลซึ่งมีรูปร่างกลม (spherical beads) มีความแข็งแรง (rigid) เช่น เด็กซ์แทรน อะก้าโรส พอลิอะคริลามิด พอลิไวนิล หรือไบแก้วที่ควบคุมขนาดของรูพรุน (controlled porosity glass; CPG) พอลิเมอร์เหล่านี้สามารถจับอยู่กับลิแกนด์ด้วยพันธะโควาเดนท์ เช่น Cibacron Blue Sepharose นี่ Sepharose เป็นตัวกลาง และนี่ Cibacron Blue เป็นลิแกนด์ รูปที่ 7.4 แสดงโครงสร้างของ Cibacron Blue 3G ซึ่งเป็นลิแกนด์ที่เหมาะสมในการแยกเออนไซม์ชนิดที่มีนิวคลีโอไทด์เป็นโคแฟกเตอร์ เช่น เอนไซม์ในกลุ่ม kinase, dehydrogenase, DNA polymerase เป็นต้น



รูปที่ 7.4 โครงสร้างของ Cibacron Blue 3G

คุณสมบัติของตัวกลาง

ตัวกลางที่นำมาใช้ในการทำโปรแกรมยาแบบแผนพิเศษต้องมีคุณสมบัติดังนี้

1. มีหมุนเคมีที่เหมาะสมซึ่งสามารถต่อเข้ากับลิแกนด์ด้วยพันธะโควาเดนท์
2. มีความเสถียรแม้จะเปลี่ยนแปลงสภาพแวดล้อม เช่น สภาพที่ทำให้เกิดการจับกันระหว่างตัวกลางกับลิแกนด์ สภาวะที่ทำให้ไม่เกิดข้อขัดข้องสารที่ต้องการต่ออยู่กับลิแกนด์ และสภาวะที่ทำการชะสารออกจากลิแกนด์
3. ตัวกลางต้องไม่ทำปฏิกิริยากับสารที่ไม่ต้องการ ทั้งนี้เพื่อลดการปนเปื้อน
4. ตัวกลางต้องไม่ขัดขวางการไหลผ่านของน้ำฟเฟอร์

คุณสมบัติของลิแกนด์

การเลือกลิแกนด์ที่จะนำมาต่อ กับตัวกลางเพื่อแยกสารที่ต้องการนั้น ลิแกนด์ต้องมีคุณสมบัติสำคัญดังนี้

1. ลิแกนด์ต้องมีความจำเพาะต่อสารที่ต้องการแยก และสามารถผันกลับได้

2. ลิแกนด์ต้องมีหมู่เคมีที่เหมาะสมในการต่อ กับตัวกลาง โดยหมู่เคมีนี้ต้องไม่ทำปฏิกิริยากับสารที่ต้องการแยก หรือมีผลในการจับกันระหว่างลิแกนด์กับสารที่ต้องการ

การแยกสารแต่ละประเภทต้องทำการตึงลิแกนด์เข้ากับตัวกลางก่อนนำมาใช้แยกสาร ปัจจุบันมีบริษัทที่ผลิตสารประกอบของตัวกลางและลิแกนด์ขึ้น ดังตารางที่ 7.1 ทำให้ประหยัดเวลาในการเตรียม แต่บางชนิดมีราคาแพง จึงต้องพิจารณาถึงความเหมาะสมในการเลือกนำไปใช้

วิธีการชะสารออกจาก columน์แบบแอฟฟินิตี้

ตัวกลางที่ต้องอยู่กับลิแกนด์ซึ่งรวมเรียกว่าตัวดูดซับ (adsorbing material) นั้น จะถูกบรรจุลงใน columน์ โดยวิธีทำโภชนาสาขาวิชาเคมีและพิพิธภัณฑ์ที่ว่าไว้ คอลัมน์จะถูกฉีดด้วยน้ำฟเฟอร์ที่มี pH และ ionic strength ค่าหนึ่ง เพื่อให้เกิดสภาพที่เหมาะสมในการจับกันระหว่างลิแกนด์กับสารที่ต้องการแยก เมื่อใส่สารที่ต้องการแยกที่ละลายอยู่ในน้ำฟเฟอร์ลงสู่ columน์ โนเลกุลของสารที่ต้องการแยกจะถูกดูดซับหรือจับกับลิแกนด์ จากนั้นล้าง columน์ด้วยน้ำฟเฟอร์อีกชนิดหนึ่ง เพื่อไล่สารที่ไม่จำเพาะออกไป ในขั้นตอนสุดท้ายจึงชะสารที่ต้องการออกจาก columน์ วิธีการชะสารออกจาก columน์มี 2 แบบ

1. ชะสารที่มีความจำเพาะ (affinity elution) โดยการชะ columน์ด้วยสารอิสระที่จับกับสารที่ต้องการแยกอย่างจำเพาะ สามารถใช้สารที่เป็นลิแกนด์หรือสารที่มีโครงสร้างคล้ายลิแกนด์เป็นตัวชะ เมื่อใช้ความเข้มข้นของสารที่ชะสูง ทำให้มีการดึงสารที่ต้องการออกจากลิแกนด์มาจับกับตัวชะ หรือสามารถใช้สารที่จับกับลิแกนด์ได้ดีว่าสารที่ต้องการสารนั้นจึงเข้าแทนที่และทำให้สารที่ต้องการหลุดออกมาก

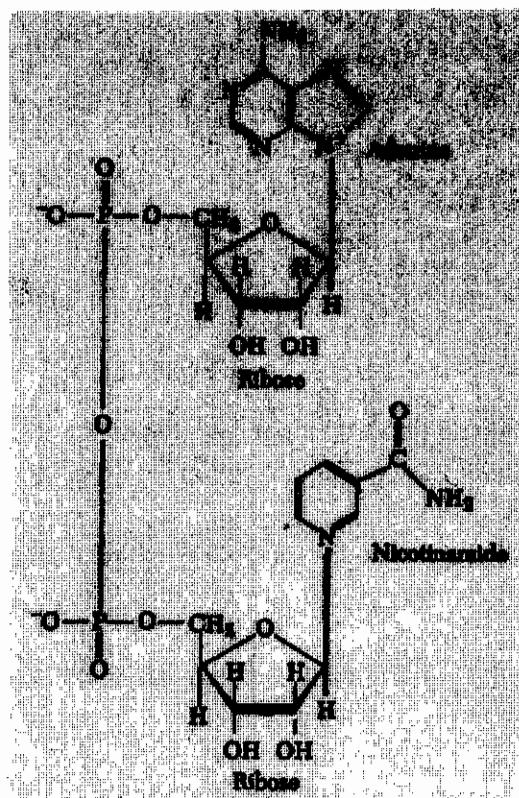
2. ใช้ด้วยสารละลายของเกลือที่มีความเข้มข้นสูง (high-salt elution) เป็นการทำให้ค่า ionic strength เพิ่มสูงขึ้น ซึ่งจะทำลายพันธะที่จับกันระหว่างสารกับลิแกนด์ ในบางกรณีสามารถใช้สารละลาย กรดซิตริกหรือแอมโมเนียมไนเตรต ไอโอดีน หรือโซเดียมนิติข่องไม่เลกุลของสารเปลี่ยนแปลงไป สารจึงหลุดออกจากลิแกนด์

ตารางที่ 7.1 ชนิดของตัวคั่มจุนที่ใช้แยกสารตัวบวชิโภรนาไทกราฟิแบบแอกฟินิต

ชนิดของตัวคั่มจุน	ชนิดของสารที่ต้องการแยก
Concanavalin A–agarose	Glycoproteins and glycolipids
Cibacron Blue–agarose	Enzymes with nucleotide cofactors
Boronic acid–agarose	Compounds with Cis-diol groups
Protein A–agarose	IgG – type antibodies
Poly(A)– agarose	Nucleic acids containing poly(U) sequences
Poly(U)–agarose	Nucleic acids containing poly(A) sequences
Iminodiacetate–agarose	Proteins with heavy metal affinity
5'-AMP–agarose	Enzymes with NAD ⁺ cofactors, ATP-dependent kinases
Gibacron Blue–Sepharose	Enzymes with nucleotide cofactors
Benzamidine–Sepharose	Serine proteases
Lysine–Sepharose	Nucleic acids
Heparin–Sepharose	Nucleic acid-binding proteins, restriction endonucleases, lipoproteins
Lentil lectin–Sepharose	Detergent – soluble membrane proteins
Thiopropyl–Sepharose	–SH containing proteins

การแยกเอนไซม์ LDH โดยโคมาราฟิกราฟฟิโนติ

เอนไซม์ lactate dehydrogenase (LDH) เป็นเอนไซม์ที่พบในไซโตซอล (cytosol) เนื้อเยื่อที่พบเอนไซม์ในปริมาณมาก คือเนื้อเยื่อหัวใจ การทดลองนี้ใช้โคมาราฟิกราฟฟิโนติ เพื่อแยกเอนไซม์ LDH โดยใช้ Cibacron Blue-Sepharose เป็นตัวคั่นชัน ทำการทดสอบแอคติวิตี้ของ LDH โดยใช้ NAD^+



โครงสร้างของ NAD^+

อุปกรณ์และสารเคมี

อุปกรณ์

คอลัมน์ขนาด 1.5×15 เซนติเมตร

หลอดทดลอง

เครื่องสเปกโทโรฟโทมิเตอร์

สารเคมี

Cibacron Blue-Sepharose

0.02 M sodium phosphate, pH 6.0

0.02 M sodium phosphate, pH 6.0 ใน NaCl เช่นเดียวกัน 0.2 M, 0.4 M, 0.6 M, 0.8 M และ 1.0 M

0.14 M CAPS buffer, pH 10.0

6 mM NAD⁺

0.15 M lactate

วิธีการทดสอบ

1. การเตรียมคอลัมน์ Cibacron Blue-Sepharose

1.1 เตรียม Cibacron Blue-Sepharose ในบัฟเฟอร์ 0.02 M sodium phosphate, pH 6.0

1.2 นำ Cibacron Blue-Sepharose ไปดูดฟองอากาศออก โดยใช้ water suction

1.3 เตรียมคอลัมน์โดยใส่สำลีที่ปลายคอลัมน์ จากนั้นใส่บัฟเฟอร์ 0.02 M sodium phosphate pH 6.0 ลงในคอลัมน์ และไล่ฟองอากาศที่ปลายคอลัมน์และในสายยาง ออกให้หมด

1.4 บรรจุ Cibacron Blue-Sepharose ลงคอลัมน์ ให้ความสูงของ Cibacron Blue-Sepharose อยู่ที่ประมาณ 10 เซนติเมตร

2. การแยก LDH

2.1 คุณสารละลายน้ำที่ต้องการแยกเอนไซม์ LDH ปริมาณ 0.5 มิลลิลิตร ใส่ลงในถ้วยดัมນ์

2.2 ชั้นดัมมน์ด้วยบัฟเฟอร์ 0.02 M sodium phosphate pH 6.0 เก็บสารละลายน้ำที่ไหลออกจากการดัมมน์ใส่หลอดทดลองหลอดคละ 2 มิลลิลิตร นำไปวัดค่า A_{280} ชั้นดัมมน์จนกระทั่งค่า A_{280} ที่วัดได้เป็นศูนย์

2.3 ชั้นดัมมน์ด้วยบัฟเฟอร์ 0.02 M sodium phosphate pH 6.0 ใน NaCl ความเข้มข้น 0.2 M, 0.4 M, ... 1.0 M ตามลำดับ หรือชั้นด้วย 0.14 M CAPS buffer pH 10.0 โดยใช้ปริมาณของบัฟเฟอร์ที่จะเป็น 10 มิลลิลิตร เก็บสารละลายน้ำที่ไหลออกจากการดัมมน์หลอดคละ 2 มิลลิลิตร นำไปวัดค่า A_{280}

2.4 นำสารละลายน้ำหลอดทดลองที่ให้ค่า A_{280} สูงสุดมาทดสอบแอกซิวิตของเอนไซม์ LDH โดยใช้ NAD^+ และ lactate บันทึกผลการทดลองลงในตาราง นำข้อมูลจากตารางไปเขียนกราฟเพื่อวิเคราะห์ผลการแยก

ตารางบันทึกผลการแยก LDH

หลอดที่	ปริมาณของสารละลายน้ำที่ได้จากการดัมมน์	ชนิดของบัฟเฟอร์	A_{280}	แอกซิวิตของ LDH

คำถาม

1. Cibacron Blue-Sepharose มีลักษณะอย่างไร นำมาใช้ในการแยกเอนไซม์ LDH ได้อย่างไร

2. เมื่อทำการแยก LDH การชะลอตัวน้ำตาลที่มีเกลือ NaCl มีผลอย่างไรต่อ สภาวะของกอตัมัน

3. การนำสารละลายที่ได้จากกอตัมันแต่ละหลอดมาหาค่า A_{280} มีประโยชน์อย่างไร

4. จงอธิบายการทดสอบแยกตัวของเอนไซม์ LDH

5. จงออกแบบการทดลองเพื่อแยก mRNA ออกจาก RNA ชนิดอื่นๆ
