

บทที่ 13

ชีวโมเลกุล

สาระสำคัญ

ชีวโมเลกุลเป็นสารจำเป็นสำหรับชีวิตทุกรูปแบบ ได้แก่โมเลกุลที่มีขนาดใหญ่มาก เช่น โปรตีน พอลิแซคคาไรด์ (polysaccharides) และกรดนิวคลีอิก ผิวหนังและเส้นผมของมนุษย์ เป็นกลุ่มโปรตีนซึ่งเป็นพอลิเมอร์ที่เกิดจากการประกอบของนิวคลีอิก เป็นพอลิเมอร์ของนิวคลีอิก โปรตีน และนิวคลีอิโไทด์ แต่ละโมเลกุลประกอบด้วยส่วนสำคัญสามส่วนคือ เบสในโครงสร้าง น้ำตาล และหมู่ฟอสเฟต นอกจากชีวโมเลกุลที่เป็นพอลิเมอร์เหล่านี้ยังมีโมเลกุลสารอินทรีย์ขนาดเล็กที่ ถูกคุณชื่มหรือถูกสังเคราะห์ขึ้นในระบบของสิ่งมีชีวิตด้วยเช่นกัน

ชีวโมเลกุลอาจแบ่งตามขนาดหรือน้ำหนักโมเลกุล เป็นโมเลกุลขนาดเล็ก ซึ่งมีน้ำหนักโมเลกุลน้อยกว่า 100 Dalton¹ ขนาดกลาง (ระหว่าง 100-1000 Dalton) และชีวโมเลกุลขนาดใหญ่ หรือ แมโครโมเลกุล (macromolecules) เกินกว่า 1000 Dalton โมเลกุลเหล่านี้คือโปรตีน หรือพอลิ펩ไทด์ (polypeptides) กรดนิวคลีอิก หรือพอลินิวคลีอิโไทด์ (polynucleotides) และ คาร์บอไฮเดรต หรือพอลิแซคคาไรด์ (polysaccharides) สำหรับลิพิดเป็นโมเลกุลขนาดกลาง บางชนิดประกอบด้วยหน่วยย่อยคล้ายชีวโมเลกุลขนาดใหญ่

¹ Dalton เป็นหน่วยของน้ำหนักโมเลกุล

จุดประสงค์การเรียนรู้

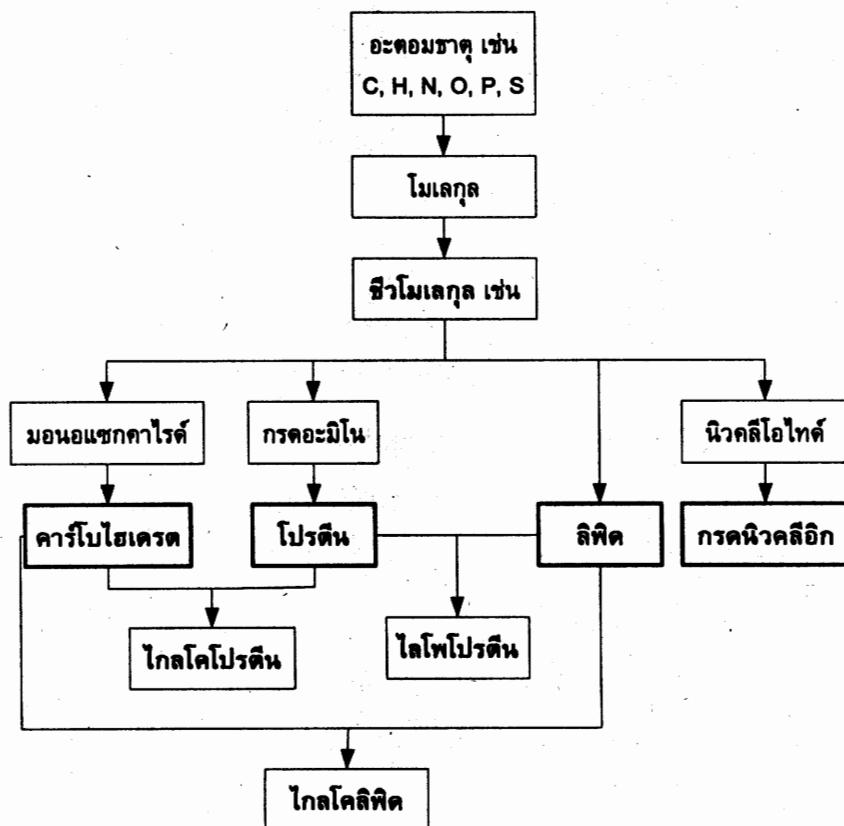
เมื่อได้ศึกษาบทเรียนบทนี้แล้วนักศึกษามีความสามารถ

1. จำแนกประเภทสารไปใช้เดรดตามลักษณะโครงสร้าง หมู่พังก์ชัน ส่วนประกอบ และยกตัวอย่างได้
2. บอกความแตกต่างของโครงสร้างแบบ D และ L
3. เยี่ยนโครงสร้างแบบวงปิดของน้ำตาลเชิงเดียว เปลี่ยนโครงสร้างวงปิดเป็นโครงสร้างแบบโช่เปิด และบอกความแตกต่างของโครงสร้างแบบ α และ β -anomer ได้
4. อธิบายสมบัติทางเคมีของน้ำตาลเชิงเดียว บอกรูปแบบการเข้มพันธะไกลโคไซด์ได้
5. อธิบายความหมายต่างๆที่เกี่ยวข้องได้
6. จำแนกประเภท และอธิบายความแตกต่างของโครงสร้างทางเคมีของลิพิดแต่ละชนิด และยกตัวอย่างได้
7. จากโครงสร้างทางเคมี สามารถบอกได้ว่าลิพิดนั้นๆ จัดอยู่ในกลุ่มใด
8. อธิบายสมบัติทางเคมีของไขมันและน้ำมันได้
9. ระบุชนิดของเทอร์พีนว่าเป็น มอนอเทอร์พีน เชสกิเทอร์พีน ไดเทอร์พีน หรือไทรเทอร์พีน
10. จำแนกประเภทกรดอะมิโน อธิบายสมบัติเฉพาะ ลักษณะโครงสร้างที่สำคัญ และยกตัวอย่างได้
11. อธิบายความหมายต่างๆ ที่เกี่ยวข้อง เช่น zwitterions และ isolectric point ได้
12. จำแนกประเภทโปรตีนตามองค์ประกอบ รูปร่าง และอธิบายระดับโครงสร้างของโปรตีนทั้ง 4 ระดับ และยกตัวอย่างได้
13. บอกส่วนประกอบพื้นฐานของกรดนิวคลีิก และความแตกต่างส่วนประกอบของ DNA และ RNA ได้
14. อธิบายความแตกต่างของนิวคลีโอไฮค์ นิวคลิโอไทด์ และกรดนิวคลีิกได้
15. อธิบายระดับโครงสร้างของกรดนิวคลีิกได้

บทนำ

ชีวโมเลกุล (Biomolecules) หมายถึงสารเคมีที่พบตามธรรมชาติ มีในสิ่งมีชีวิต เป็นโมเลกุลสารอินทรีย์ ประกอบด้วยการบอนและไฮโดรเจนเป็นส่วนใหญ่ มีในโตรเจน ออกซิเจน พอฟฟอรัส และชัลเฟอร์ อาจมีชาตุอื่นด้วยเล็กน้อย

ส่วนใหญ่ชีวโมเลกุลเหล่านี้เป็นโมเลกุลขนาดใหญ่ที่สร้างจากโมเลกุลขนาดเล็ก หรือ มองอเมอร์ (monomer) มาต่อรวมกันเป็นโซ่ยาวจนกล้ายเป็นพอดีเมอร์ หรือแม่โคโรโนเมกุล (macromolecules) กระบวนการเชื่อมต่อกันอาจมีการเสียห้าออกไปจากปฏิกิริยา ในทางตรง ข้ามเมื่อโมเลกุลขนาดใหญ่หรือพอดีเมอร์เหล่านี้ถูกไฮดรอลิกส์จะได้สารโมเลกุลขนาดเล็ก กลับคืน ถึงแม่โมเลกุลของอินทรียสารในเซลล์จะมีมากมายหลากหลาย แต่ที่เป็นพื้นฐานสำคัญ มี 4 ชนิด ทำหน้าที่เป็นหน่วยสร้างโมเลกุลขนาดใหญ่ขึ้นซ้อน ซึ่งมีลักษณะและสมบัติเฉพาะตัว ทั้งในขณะที่เป็นมองอเมอร์และเมื่อกลายเป็นโมเลกุลขนาดใหญ่ ชีวโมเลกุลพื้นฐานเหล่านี้ได้แก่ การโนไไซเดรต์ ลิพิด โปรตีน และกรดนิวคลีอิก



รูปที่ 13.1 แผนภาพแสดงความเกี่ยวข้องของชีวโมเลกุลพื้นฐาน และที่มาของชีวโมเลกุลขนาดใหญ่บางชนิด

13.1 คาร์บอไฮเดรต

คาร์บอไฮเดรต เป็นสารอินทรีย์ที่ประกอบด้วยคาร์บอน ไฮโดรเจน และออกซิเจน ที่มาของคำนี้มาจากอัตราส่วนของชาตุองค์ประกอบซึ่งเป็นสูตรเอมเพริคอล (empirical formula) เป็น $C_x(H_2O)_y$, ซึ่งตรงกับ "carbon hydrate" เช่น น้ำตาลกลูโคสซึ่งเป็นน้ำตาลในเลือดและแหล่งพลังงานสำคัญของเซลล์ มีสูตรโมเลกุล $C_6H_{12}O_6$ ซึ่งเขียนได้เป็น $C_6(H_2O)_6$ เป็นต้น

นอกจากนี้ คาร์บอไฮเดรตยังเรียกได้อีกอย่างหนึ่ง คือ แซกคาไรด์ (saccharide) มาจากภาษาละติน *saccharum* ซึ่งหมายถึงน้ำตาล คาร์บอไฮเดรตหน่วยเล็กที่สุดจึงเรียกว่า น้ำตาล เชิงเดียว (simple sugar) หรือมอนอแซกคาไรด์ (monosaccharide) เมื่อน้ำตาลเชิงเดียว 2 โมเลกุล เชื่อมต่อกันเรียก ไดแซกคาไรด์ (disaccharide) ถ้าเชื่อมต่อกัน 3 โมเลกุลเรียก ไทรแซกคาไรด์ (trisaccharide) น้ำตาลเชิงเดียว 2-10 โมเลกุลต่อกันเป็นสายยาวเรียก โอลิโกแซกคาไรด์ (oligosaccharide) และถ้าไม่เลกุลขนาดใหญ่มากๆ เป็นพอลิแซกคาไรด์ (polysaccharide)

13.1.1 น้ำตาลเชิงเดียว หรือมอนอแซกคาไรด์

คาร์บอไฮเดรตเป็นพอลิไฮดรอกซิแอลดีไฮด์ (polyhydroxyaldehyde) หรือ พอลิไฮดรอกซิกโทน (polyhydroxylketone) หรือสารประกอบที่ถูกแยกชายด้วยน้ำแล้วได้สารเหล่านี้ มีหมู่ฟังก์ชันที่สำคัญ 2 หมู่ คือ หมู่ไฮดรอกซี (OH) และหมู่คาร์บอนิลของแอลดีไฮด์ หรือคิโทน

13.1.1.1 ประเภทของน้ำตาลเชิงเดียว

ขึ้นของน้ำตาลส่วนใหญ่เป็นข้อเฉพาะ และมักลงท้ายด้วย -ose ในกรณีของน้ำตาล เชิงเดียวอาศัยเกณฑ์จำแนกประเภทได้ 3 แบบ ดังนี้

(1) จำแนกตามหมู่ฟังก์ชัน มี 2 ชนิดคือ

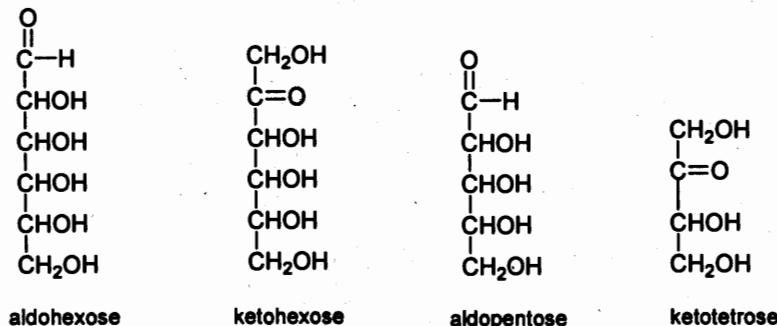
- ออลโคล (aldose) เป็นน้ำตาลเชิงเดียวที่มีหมู่แอลดีไฮด์เป็นหมู่ฟังก์ชัน
- คิโทส (ketose) เป็นน้ำตาลเชิงเดียวที่มีหมู่คิโทนเป็นหมู่ฟังก์ชัน

(2) จำแนกตามจำนวนคาร์บอนในโพลี เช่น

- ไธโอล (tetrose) เป็นน้ำตาลเชิงเดียวที่มีคาร์บอน 3 อะตอม
- เทตโรส (tetrose) เป็นน้ำตาลเชิงเดียวที่มีคาร์บอน 4 อะตอม
- เพนโทส (pentose) เป็นน้ำตาลเชิงเดียวที่มีคาร์บอน 5 อะตอม
- เฮกโซส (hexose) เป็นน้ำตาลเชิงเดียวที่มีคาร์บอน 6 อะตอม
- เอปโตส (heptose) เป็นน้ำตาลเชิงเดียวที่มีคาร์บอน 7 อะตอม

(3) จำแนกความสเตอริโอะเคมี ตามการจัดตัวในสามมิติที่ไครัลคาร์บอนอะคอมชีงอยู่ห่างจากหมุนкар์บอนมากที่สุด

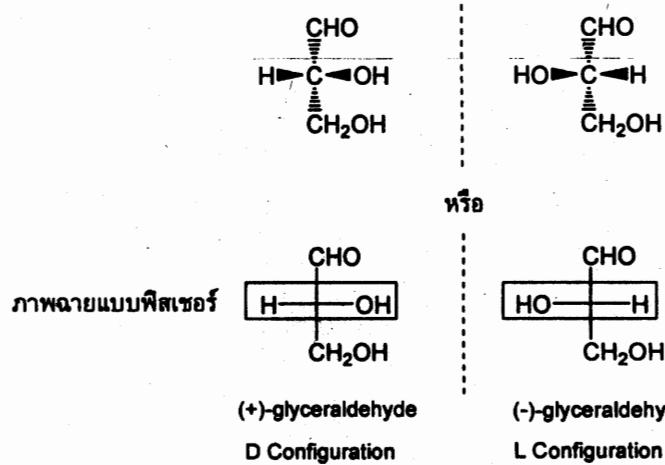
ประเกทของน้ำตาลมักจะท้อนลักษณะสองข้อแรก เช่น กลูโคส (glucose) เป็นแอลไดไฮด์ไซส์ เนื่องจากมีหมุนอะล็อกไซด์ และมีคาร์บอนทั้งหมด 6 อะคอม และฟรักโทส (fructose) เป็นคิวไฮด์ไซส์ เพราะมีหมุนอะก็อกไซด์ และมีคาร์บอน 6 อะคอม น้ำตาลคิวโทสส่วนใหญ่มีหมุนอะก็อกไซด์ C2 น้ำตาลในธรรมชาติส่วนใหญ่เป็นแอลไดไฮด์ไซส์ และแอลไดเพนโทส



รูปที่ 13.2 ตัวอย่างแอลไดส์และคิวไฮด์ไซด์

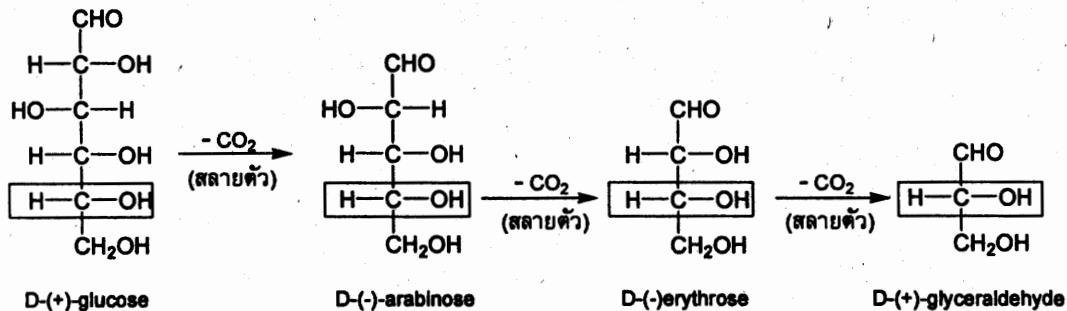
13.1.1.2 โครงสร้างแบบ D และ L ของโมเลกุลน้ำตาล (D/L-Configuration)

น้ำตาลเชิงเดียวที่ง่ายที่สุด คือ กลีเซอรอลดี้ไฮด์ (glyceraldehydes) เป็นแอลไดไฮด์ไซส์ ซึ่งมีชนิดเดียว กลีเซอรอลดี้ไฮด์มีหมุนอะล็อกไซด์ มีคาร์บอนสามอะคอม และมีไครัลคาร์บอน 1 แห่ง จึงมีการจัดอะคอมที่แท้จริงในที่ว่าง 3 มิติ (absolute configuration) ส่องแบบซึ่งเป็นภาพ เงาในกระจกซึ่งกันและกัน โครงสร้างทั้งสองแบบนี้ใช้เป็นมาตรฐานการจัดอะคอมสำหรับ น้ำตาลเชิงเดียวทุกชนิด



รูปที่ 13.3 โครงสร้างแบบ 3 มิติ และภาพฉายแบบพิสเซอร์ของกลีเซอรอลดี้ไฮด์

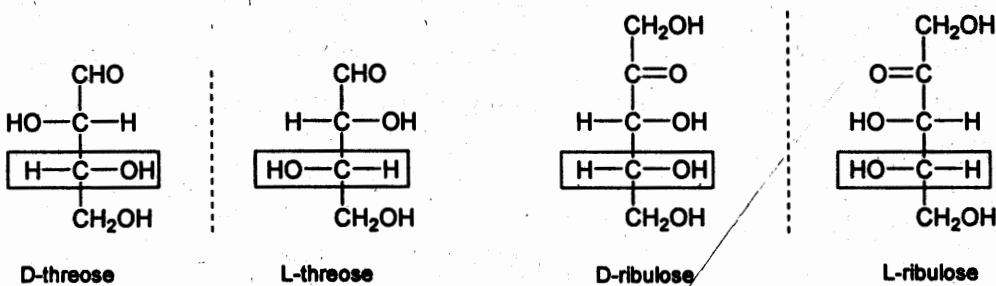
ตามโครงสร้างแบบฟิ舍อร์ (Fischer projection formula) นั้น เส้นแนวนอนหมายถึง พันธะที่ชี้เข้าหาผู้มอง และแนวตั้งเป็นพันธะที่ชี้ออกไปจากผู้มอง และจุดตัดคือไครัลคาร์บอน โมเลกุลน้ำตาลธรรมชาติทุกชนิดถูกจัดอยู่ให้ (+)-glyceraldehyde ซึ่งการจัดดัวที่ไครัลcarbon มี หมู่ OH อยู่ทางขวา



รูปที่ 13.4 ตัวอย่างการถ่ายดัวของน้ำตาลซุค D ซึ่งได้ (+)-glyceraldehyde

โครงสร้างแบบ D และ L

โมเลกุลน้ำตาลทั่วไปมีไครัลcarbonหลายแห่ง ที่ไครัลcarbonจะมีการจัดดัวแบบ D และเมื่อหมู่ OH อยู่ทางซ้ายจะเป็นการจัดดัวแบบ L เช่น



หมายเหตุ: โครงแบบในระบบ D, L ไม่มีความสัมพันธ์กับการหมุนระนาบแสงโพลาไรซ์ d, l หรือ (+), (-) แต่อย่างใด

13.1.1.3 โครงสร้างวงปิดของน้ำตาลเชิงเดียว (Cyclic Structures of Monosaccharides)

จากตัวอย่างโครงสร้างของน้ำตาลเชิงเดียวข้างต้นที่เป็นโฉมเด่นนี้ น้ำตาลที่มีcarbon 5 หรือ 6 อะตอม ในธรรมชาติจะอยู่ในรูปวงปิดมากกว่า โดยเกิดปฏิกิริยาภายในโมเลกุลระหว่าง หมู่carbon นิด กับหมู่ไฮดรอกซี ให้วงแหวนที่มีออกซิเจนในวง เป็นวงขนาด 5 อะตอม (furanose ring) หรือ 6 อะตอม (pyranose ring)

ไฮมิอะซีทัลชนิดเป็นวงของกลูโคส (Glucose cyclic hemiacetal)

ปฏิกิริยาระหว่างหมู่คาร์บอนิล ($C=O$) กับหมู่ไฮดรอกซี (OH) ภายในโมเลกุลเดียวกัน เกิดไฮมิอะซีทัลชนิดวง ซึ่งเสถียรมากกว่าแบบใช้เปิด ถ้าเป็นวงขนาด 5 หรือ 6 อะตอม

ผลโดยเฉลี่ย เช่น กลูโคส เกิดไฮมิอะซีทัลชนิดวงได้ทั้ง แบบวง 5 และ 6 อะตอม แบบแรกเป็นปฏิกิริยาระหว่างหมู่แอลดีไฮด์กับหมู่ OH ที่ C4 และแบบหลัง (รูป 13.5) เป็นปฏิกิริยา กับหมู่ OH ที่ C5 ปฏิกิริยานิดแรกเกิดง่ายกว่า แต่ชนิดหลังมีเสถียรภาพมากกว่า

ปฏิกิริยาระหว่างหมู่แอลดีไฮด์กับหมู่ OH ที่ C5 ในกลูโคส จะให้วง 6 อะตอม 2 แบบ ซึ่งต่างกันที่ทิศทางการจัดตัวของหมู่ OH ที่ C1 ในวง (ตามรูป 13.5) ถ้าหมู่ OH ซึ่งจะเป็น แบบแอกฟ่า (α) และถ้าซึ่งจะเป็นแบบมีตา (β)

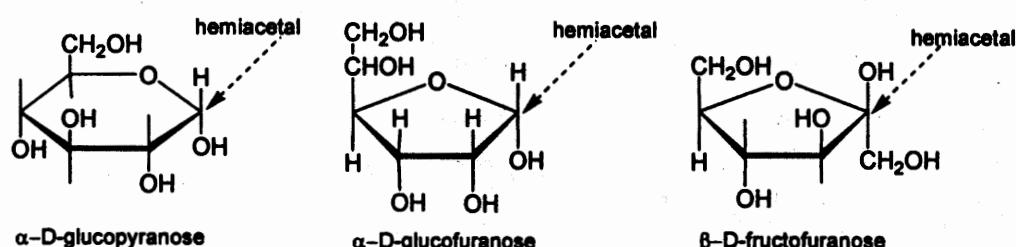
13.1.1.4 การเรียนรู้ต้าลเชิงเดียวเมื่อโครงสร้างเป็นวง

เรียกตามชื่อใช้เปิด โดยตัดอักษร -ose ท้ายชื่อ และแทนด้วย furanose หรือ pyranose ตามขนาดของวง เช่น D-glucopyranose, D-glucofuranose และ D-fructofuranose เป็นต้น

13.1.1.5 การเขียนสูตรโครงสร้างวงปิดของน้ำตาลเชิงเดียว

(1) ภาพฉายแบบชาเวิร์ท (Haworth² projection)

วง pyranose ของน้ำตาลเชิงเดียวชนิดต่างๆ มักเขียนเป็นแบบวงแบบที่เรียก ภาพฉาย แบบชาเวิร์ท เช่น



² Sir Walter Norman Haworth (คศ. 1883-1950): ท่านมีผลงานทุ่มเทในการใบไอยเดรต เป็นผู้เสนอโครงสร้าง เป็นวงที่ถูกต้องของกลูโคส ในปี คศ. 1925 และโครงสร้างของน้ำตาลเชิงเดียวอื่นๆ (เช่น แมนโนส แกแลกโกลฟ์ พร็อกโกลฟ์) ต่อมามีงานโครงสร้างของไดแซกคาไรต์ (เช่น นอลโกล แซกโนโลส และโกลโกล) พอดิแซกคาไรต์ (เช่น แป้ง แซกโนโลส อินูลิน ไกโอลโคเจน และไซลอน) รูปแบบการระบุสูตรกลูโคสและสารใบไอยเดรตอื่น ในปัจจุบันรู้จักในชื่อ Haworth formula หรือ Haworth projection นอกจากนี้ท่านได้สังเคราะห์และเสนอ โครงสร้างที่ถูกต้องของวิตามิน-ซี ซึ่งท่านให้ชื่อ ascorbic acid ท่านได้รับรางวัลโนเบลสาขาเคมี ปี คศ. 1937 (ร่วมกับ Paul Karrer) ในงานวิจัยที่เกี่ยวกับการใบไอยเดรตและวิตามิน-ซี ท่านเป็นนักเคมีอินทรีย์อัจฉริยะคนแรกที่ได้รับรางวัลนี้

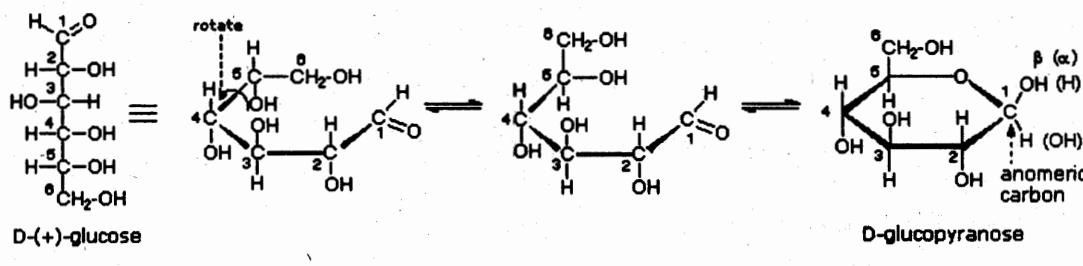
การเปลี่ยนสภาพแบบฟิสเซอร์ เป็นสภาพแบบชาเวิร์ก

1. วัดวงแหวนดามานาดที่ถูกต้องเหมาะสม:

pyranose = วง 6-อะตอน

furanose = วง 5-อะตอน

2. C-1 ของวงน้ำตาล เป็นแอนโมเรติกคาร์บอน (anomeric carbon: คาร์บอนที่มี O เกาะสองอะตอน) ออยู่มุมด้านขวาของวง การกำหนดเลขตำแหน่งให้เวียนตามเข็มนาฬิกา
3. น้ำตาลซุต D หมู่ CH₂OH ชี้ขึ้น และน้ำตาลซุต L หมู่ CH₂OH ชี้ลง
4. การจัดตัวที่ C1 แบบแอลfa (α) หมู่ OH อยู่ตรงข้ามกับ CH₂OH และแบบบีตา (β) หมู่ OH อยู่ด้านเดียวกับ CH₂OH
5. โครงสร้างที่ตำแหน่งอื่น: หมู่ OH ที่อยู่ทางขวาจะชี้ลง และที่อยู่ด้านซ้ายชี้ขึ้น



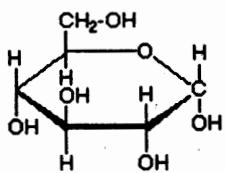
รูปที่ 13.5³ การเปลี่ยนสูตรโครงสร้างสภาพแบบฟิสเซอร์เป็นสภาพแบบชาเวิร์กของกลูโคส

จากรูป 13.5 เมื่อวงปิดจะทำให้เกิดโครงสร้างเดอร์เพิ่มขึ้น 1 แห่ง คือที่ C1 ได้โครงสร้างสองแบบที่ตำแหน่งอื่นๆเหมือนกัน ยกเว้นการจัดอะตอนในสามมิติที่ C1 โครงสร้างทั้งสองเป็นแอนโมเรติก (α และ β anomer) และ C1 เป็นแอนโมเรติกคาร์บอน เมื่อยื่นในรูปทรงกระบอกโครงสร้างแต่ละแบบเปลี่ยนเป็นอีกแบบหนึ่งได้โดยผ่านโครงสร้างแบบไขว่เปิด ความแตกต่างของแอนโมเรติกทั้งสองคือได้จากการเปลี่ยนแปลงของชาเวิร์ก

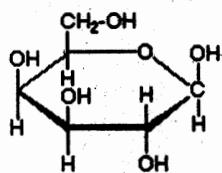
(2) โครงรูปแบบเก้าอี้

เนื่องจากโมเลกุลเหล่านี้เป็นวงแหวนเจิงบิดพับให้อยู่ในโครงรูปที่เสถียร ซึ่งเป็นโครงรูปแบบเก้าอี้เช่นเดียวกับไข่โคสเซกเซน โดยหมุนแกนที่ตำแหน่งต่างๆส่วนใหญ่อยู่ในแนวอน (equatorial)

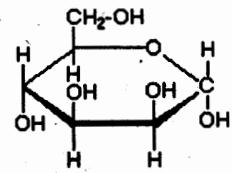
³ จาก <http://www.cem.msu.edu/~reusch/VirtualText/carbyd.htm>



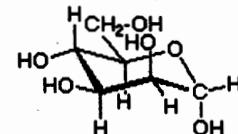
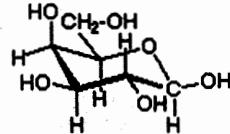
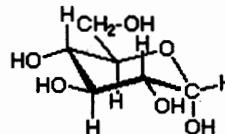
α -D-glucopyranose



β -D-galactopyranose

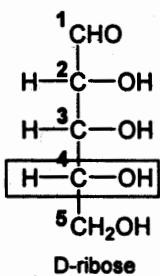


α -D-mannopyranose

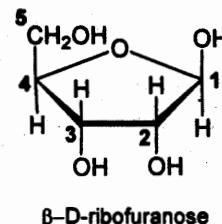


รูปที่ 13.6 เปรียบเทียบโครงสร้างของน้ำตาลเชิงเดียวบางชนิด แบบชาเวิร์ก (ແກວນ) กับโครงรูปแบบเก่าอี (ແກວສ່າງ)

สำหรับน้ำตาลที่เป็นส่วนหนึ่งในโครงสร้างของโมเลกุลสารพันธุกรรมจะมีการบอน 5 อะตอน และเป็นแอลด์เพนโทส (aldopentose) มี 2 ชนิดคือ D-ribose และ D-2-deoxyribose ซึ่ง เป็นส่วนของโครงสร้าง RNA (ribonucleic acid) และ DNA (deoxyribonucleic acid) ตามลำดับ



D-ribose



β -D-ribofuranose

13.1.1.6 สมบัติทางเคมีของน้ำตาลเชิงเดียว

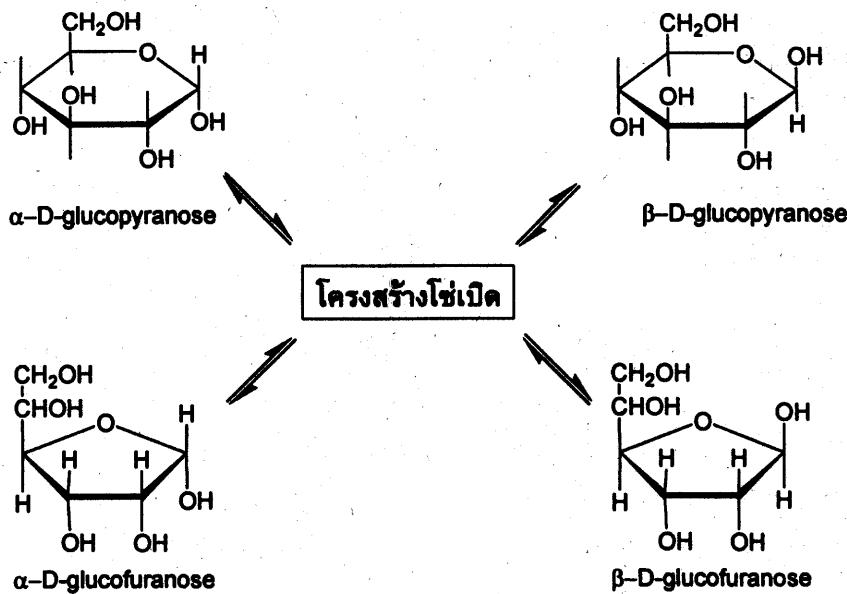
น้ำตาลเชิงเดียวที่อยู่ในสารละลายจะอยู่ในสมดุลระหว่างโครงสร้างแบบวง และแบบโซ่ เปิด ซึ่งเกิดปฏิกิริยาแบบต่างๆได้ เช่น ปฏิกิริยาของเขมิอะซีทอล ปฏิกิริยาของหมู่ไฮดรอกซิ และปฏิกิริยาของหมู่คาร์บอนิล

(1) *Isomerization* เป็นการเปลี่ยนแปลงทางเคมีที่สารประกอบถูกเปลี่ยนให้โครงสร้างที่เป็นไอโซเมอร์แบบต่างๆ ได้แก่

— Anomerization หรือ mutarotation

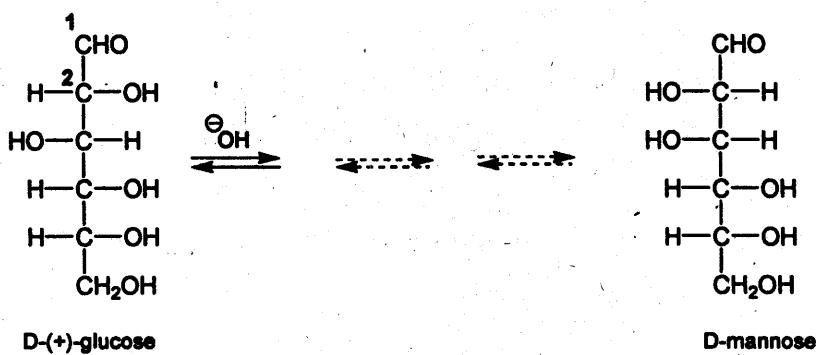
เนื่องจากน้ำตาลเป็นสารประกอบที่มีสมบัติเชิงแสง สามารถเปลี่ยนรูปแบบและโพลาริตี้ได้ เมื่อน้ำตาลเชิงเดียว เช่น กูลโคส ละลายน้ำ โครงสร้างสามารถเปลี่ยนเป็นวงปิดได้ทั้งแบบ furanose และ pyranose โดยผ่านโครงสร้างโซ่เปิด และเกิดแอนิเมอร์ได้ทั้งแบบแอลฟ้าและบีตา

โครงสร้างทุกแบบมีสมบัติเชิงแสงต่างกัน ดังนั้นค่าการหมุนจ้าเพาะที่ภาวะสมดุลจึงเป็นค่าที่เป็นผลลัพธ์ที่มาจากการสร้างทุกแบบ

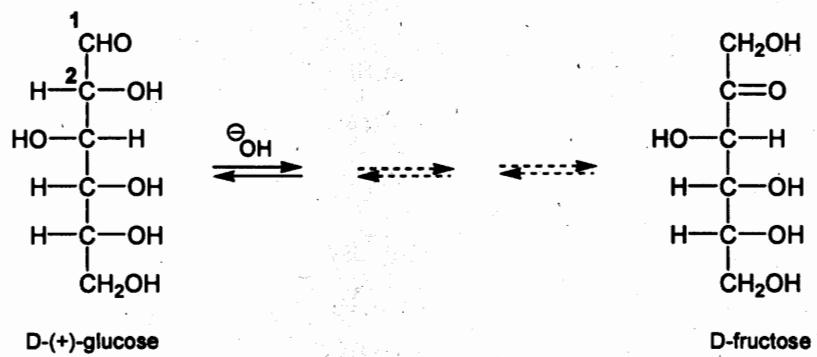


— Epimerization

Epimer เป็นไอโซเมอร์เชิงแสงที่มีการจัดตัวของขั้นกันที่โครงสร้างบนเพียงแห่งเดียว (โครงสร้างบนตำแหน่งอื่นเหมือนกันหมด) น้ำตาลเชิงเดียวที่มีโครงสร้างแบบซีเปิดเปลี่ยนให้ epimer ได้เมื่อยื่นในสารละลายเบส ปฏิกิริยาเกิดผ่านการแบบไออกอนและอินไอกอต (enediol) ตัวอย่างเช่น การเปลี่ยนกลูโคสให้แ曼โนส

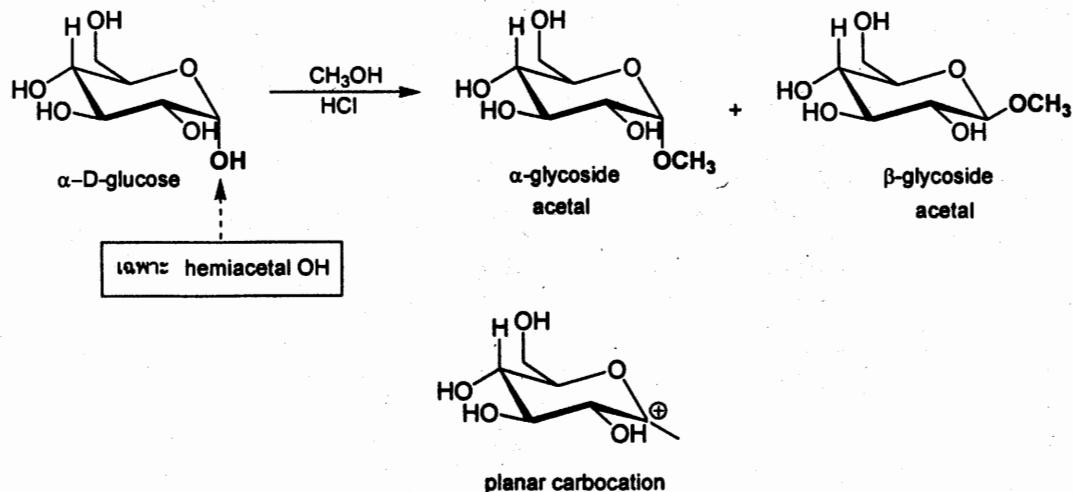


นอกจากนี้ในสารละลายเบส กลูโคสยังจัดตัวใหม่ให้ฟรากไทส มีการเปลี่ยนตำแหน่งหมู่ คาร์บอนนิลไปมาระหว่าง C1 (แอลโคลส) และ C2 (คิโไทส) เกิดผ่านการแบบไออกอนที่ C2 และอินไอกอต เช่นกัน ดังนั้นในสารละลายเบสแก่จึงเกิดทั้งการจัดตัวใหม่และ epimerization และได้เป็นสารผสม



(2) ปฏิกิริยาการเกิดไกลโคไซด์ (Glycoside formation)

น้ำตาลเชิงเดี่ยวมีหมู่ไฮดรอกซี 2 ชนิด คือหมู่ OH แบบแอลกอฮอล์ทั่วไป และหมู่ OH ที่แอลกอฮอล์ที่ไม่ใช่ไฮดรอกซี (anomeric OH) ซึ่งเป็นเขมิอะซีทิก และไวต่อปฏิกิริยามากกว่า สามารถทำปฏิกิริยากับแอลกอฮอล์โดยมีกรด เช่น HCl ที่แห้งเป็นตัวเร่ง เปลี่ยนเขมิอะซีทิกเป็นอะซีทิก เรียกว่า ไกลโคไซด์ ซึ่งมีหมู่แอลกอฮอล์ -OR เกาะที่แอลกอฮิคาร์บอน



รูปที่ 13.7 ปฏิกิริยาการเกิดอะซีทิกจาก $\alpha\text{-D-glucose}$ กับ CH_3OH และ HCl ให้ไกลโคไซด์สองชนิด และอินเตอร์เมดิเอตในปฏิกิริยา

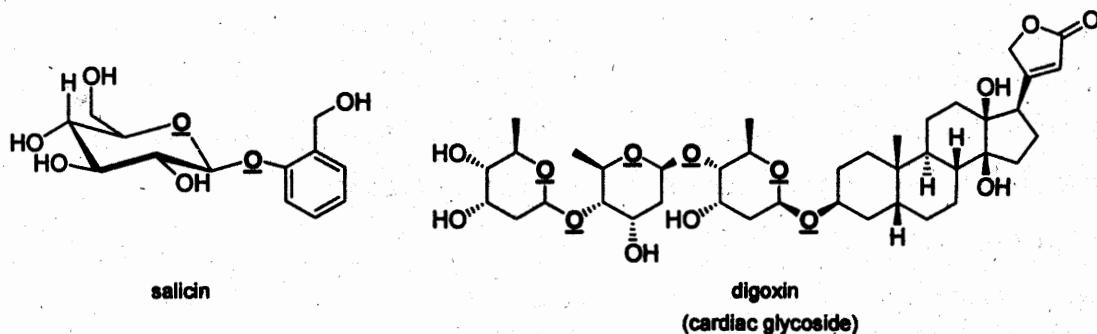
ปฏิกิริยาเกิดผ่านการใบเคนด์ไออ่อน ซึ่งมีโครงสร้างแบบราวน์ แอลกอฮอล์เข้าทำปฏิกิริยาได้ทั้งสองด้าน จึงได้ทั้ง α - และ β -glycoside ไม่ผ่าน mutarotation เนื่องจากไกลโคไซด์เป็นอะซีทิก วงเปิดมากกว่า เมื่อละลายน้ำจะไม่อญံในภาวะสมดุลและของ α - และ β -glycoside ต่างจากน้ำตาลเชิงเดี่ยวซึ่งเป็นเขมิอะซีทิกที่ผ่านโครงสร้างแบบวงเปิด

การไฮโดรไอลิโกลโคไซด์

เนื่องจากไกลโคไซด์เป็นอะซีทอล จึงถูกแยกสลายด้วยน้ำในสภาวะกรด ให้เขมิอะซีทอล และแอลกอฮอลล์กลับคืนได้ ปฏิกิริยาไม่เกิดในสารละลายที่เป็นกลางหรือเป็นเบส

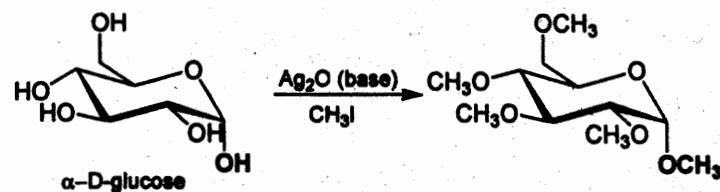
ไกลโคไซด์ในธรรมชาติ

ไกลโคไซด์พบได้ทั่วไปในธรรมชาติ เช่น ไดแซกคาไรต์และพอลิแซกคาไรต์ เกิดจาก การเชื่อมกันของน้ำตาลเชิงเดียวด้วยพันธะไกลโคไซด์ (glycosidic bond หรือ glycosidic linkage) เช่น salicin และ digoxin เป็นสารธรรมชาติที่มีสมบัติทางยา ยกตัวอย่างเช่น salicin ในต้น willow และใบต้น foxglove ตามลำดับ อะคอม U ในโครงสร้างเป็นของพันธะไกลโคไซด์

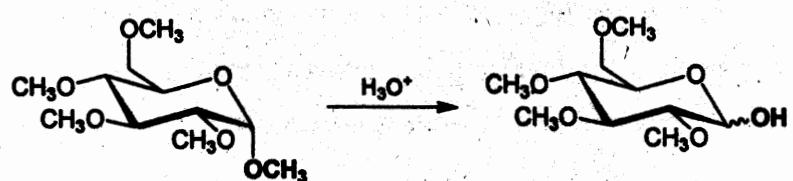


(3) ปฏิกิริยาการเกิดอีเทอร์

หมู่ OH ในน้ำตาลเชิงเดียวแบบวงปิด เปลี่ยนเป็นหมู่อีเทอร์ได้ทุกหมู่เมื่อให้ทำปฏิกิริยากับเบสและแอลกิลแซลิคิล ผลิตผลที่ได้มีพันธะอีเทอร์สองแบบ คือ อีเทอร์ทั่วไป และ อีเทอร์ที่เป็นไกลโคไซด์

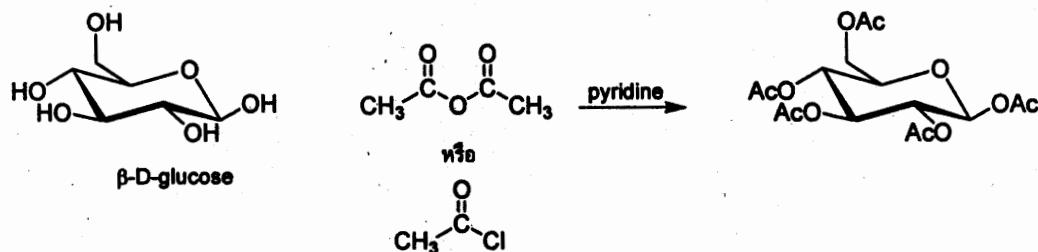


เฉพาะพันธะอีเทอร์ที่เป็นไกลโคไซด์เท่านั้นที่ถูกแยกสลายด้วยน้ำเมื่อมีกรดเป็นตัวเร่ง อิกซ์แทงก์ที่เหลือไม่เกิดปฏิกิริยานี้



(4) ปฏิกิริยาการเกิดเอสเทอร์

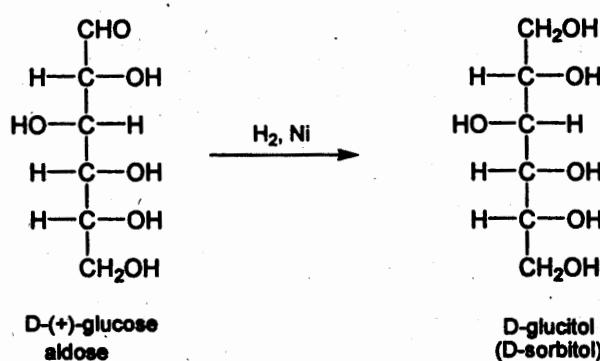
เอสเทอร์ได้จากปฏิกิริยาระหว่างหมู่ OH ของแอลกอฮอล์กับการดีบบองซิลิกหรืออนุพันธ์ของการดีบบองซิลิก เช่น acetic anhydride หรือ acetyl chloride โดยมีดัวเร่ง หรือเบส เช่น ไพริดินอยู่ด้วย ได้สารที่เรียกว sugar ester

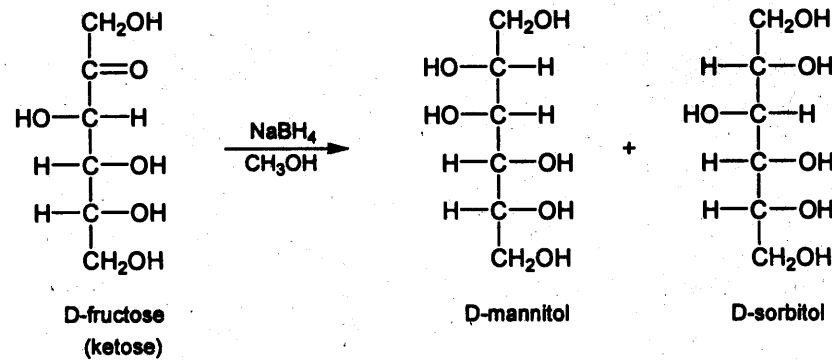


เอสเทอร์ของน้ำตาลกับกรดไขมัน มีสมบัติเป็นสารลดแรงตึงผิวน้ำไม่มีประจุที่ย่อยสลายได้โดยวิธีทางชีวภาพ ใช้ในอุตสาหกรรมอาหาร เครื่องสำอาง ยา และสารซักฟอก เตรียมจากน้ำตาลหรือแอลกอฮอล์น้ำตาล (sugar alcohols) กับกรดไขมัน โดยมีดัวเร่งชีวภาพซึ่งมีสมรรถนะการเลือกเข้าทำปฏิกิริยาที่หมู่ OH บางตำแหน่งได้

(5) ปฏิกิริยาตัดกัชัน

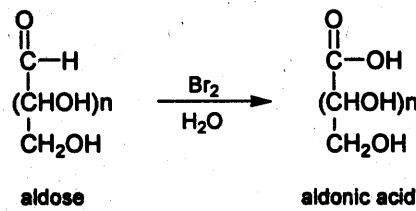
หมู่คาร์บอนของน้ำตาลเชิงเดียวถูกตัดโดยสารตัดกัชัน เช่น NaBH_4 หรือไฮโคลเจน กับโลหะดัวเร่งซึ่งใช้ในอุตสาหกรรม ให้พอลิแอลกอฮอล์ หรือ แอลกอฮอล์น้ำตาล ซึ่งเรียก แอลดิทอล (alditol) น้ำตาลแอลดิทอลจะสามารถได้แอลกอฮอล์น้ำตาลชนิดเดียว แต่ถ้ามาจากน้ำตาลคีโตจะให้ แอลดิทอล 2 ชนิด เนื่องจาก carbon C2 ของหมู่คาร์บอนจะเปลี่ยนเป็นไฮดรอลิก carbon จึงได้ เป็นสเตอโริโไอโซเมอร์ เช่น ปฏิกิริยานองกลูโคส และฟรักโทส





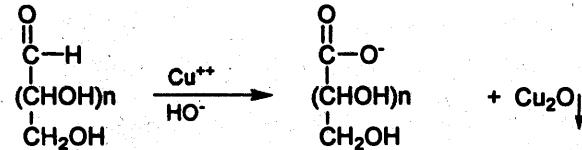
(6) ปฏิกิริยาออกซิเดชัน และน้ำตาลรีดิวส์

หมู่แอลดีไฮด์ในน้ำตาลแอลโดยถูกออกซิเดส์เป็นหมู่คาร์บออกซิล ด้วยด้าวออกซิเดส์ชนิดต่างๆ ได้กรดน้ำตาล (sugar acid) เรียก กรดแอลดอนิก (aldonic acid) เช่น การออกซิเดส์ด้วยน้ำบอร์มีน



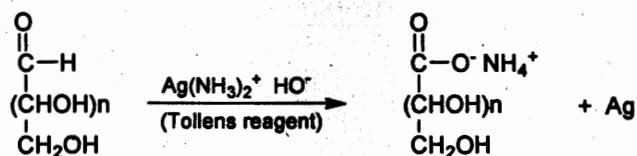
น้ำตาลเชิงเดียวทุกชนิดที่อยู่ในรูปโช่เปิดถูกออกซิเดส์ได้ เพราะมีหมู่แอลดีไฮด์ และถ้ามีหมู่คิโหนจะมีหมู่ OH อยู่ที่ carbon ตำแหน่งติดกัน (α -hydroxyketone) จึงมีสมบัติเป็นด้ารีดิวส์ ดังนั้นจึงเรียกน้ำตาลเหล่านี้วาน้ำตาลรีดิวส์ (reducing sugars) ปฏิกิริยาที่ใช้ทดสอบน้ำตาลรีดิวส์ได้แก่

- ปฏิกิริยากับสารละลายเบนเดกต์ (Benedict solution) หรือสารละลายเฟลลิง (Fehling solution) ซึ่งเป็นสารละลายในสภาวะเบส มี CuSO_4 ปฏิกิริยานี้ Cu^{2+} เป็นด้าวออกซิเดส์ ซึ่งจะถูกรีดิวส์ให้ตัดก้อนเส้นเดงของ Cu_2O



- ปฏิกิริยากับทอลเลนส์เรอเจนต์ (Tollens reagent) ซึ่งเป็นสารละลายของไอออนเชิงช้อนของ AgNO_3 และแอมโมเนียในเบส NaOH ปฏิกิริยานี้น้ำตาลถูกออกซิเดส์

ให้การน้ำตาล ในทางกลับกันจะเป็นตัวเร็วสีเงินของเงินให้เป็นโลหะเงิน เกาะที่ผิวด้านในหลอดทดลองคล้ายกระจกเงา การทดสอบนี้จึงเรียกว่า silver mirror test

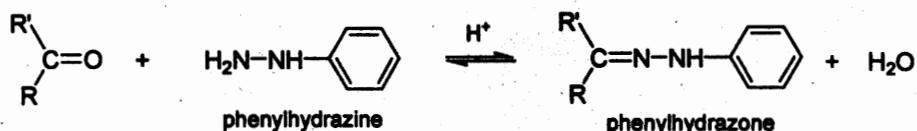


นอกจากนี้น้ำตาลแอลด์อย่างถูกออกซิไดส์ตัวยาร์ดในตริกซึ่งเป็นตัวออกซิไดส์ที่แรงกว่าสามารถออกซิไดส์ทั้งหมู่แอลด์ไฮด์ และหมู่ $-\text{CH}_2\text{OH}$ ที่อยู่ปลายสุดอีกด้านซึ่งเป็นแอลกอฮอล์ชนิดปูนภูมิ ได้เป็นกรดไดคาร์บอนออกซิลิก เรียกรวมแอลดาเริก (aldaric acid)

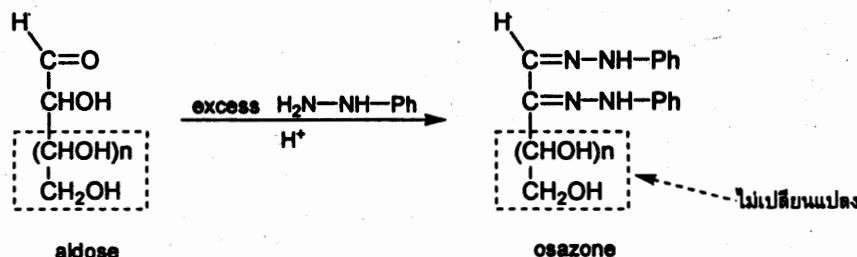


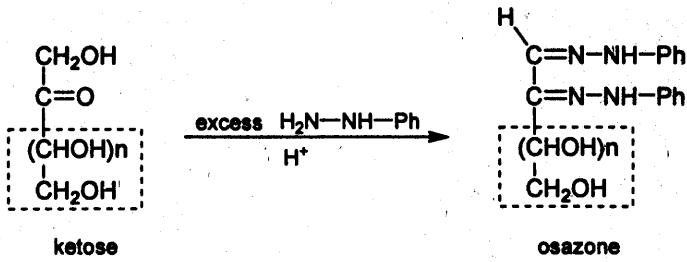
(7) ปฏิกิริยากับเพนิลไฮดรานีน

หมู่คาร์บอนีลของแอลด์ไฮด์และคิโตกาทำปฏิกิริยากับเพนิลไฮดรานีน (phenylhydrazine) ให้เพนิลไฮดรากไซน์ (phenylhydrazone) ซึ่งใช้พิสูจน์เอกลักษณ์ของแอลด์ไฮด์และคิโตกาได้



ปกติน้ำตาลเชิงเดี่ยวไม่เกิดอนุพันธ์เพนิลไฮดรากไซน์ได้ง่ายๆ เมื่อมันแอลด์ไฮด์/คิโตกาที่ไปต้องใช้เพนิลไฮดรานีนมากเกินพอ โดยทำปฏิกิริยาทั้ง C1 และ C2 ของน้ำตาล เปลี่ยนให้เพนิลไฮดรากไซน์ ซึ่งเรียกว่าโอซากไซน์ (osazone) ที่ส่วนใหญ่คงผลึกได้ มีรูปผลึกและจุดหลอมเหลวเฉพาะตัว ใช้พิสูจน์เอกลักษณ์และเปรียบเทียบน้ำตาลชนิดต่างๆ ได้ เป็นวิธีที่พัฒนาโดย Emil Fischer





13.1.2 ไดแซกคาไรด์

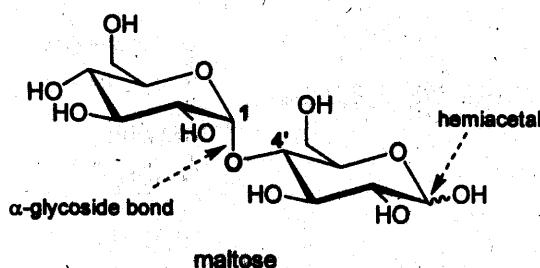
ไดแซกคาไรด์ เป็นการบูริเดครที่เกิดจากน้ำตาลเชิงเดียวสองโมเลกุล อาจเป็นวงขนาด 5 หรือ 6 อะตอม เชื่อมด้วยพันธะไกลโคลโคไซด์ ซึ่งเกิดจากปฏิกิริยาระหว่างเขมิอะซีทอลของน้ำตาลเชิงเดียวโมเลกุลหนึ่ง โดยหมู่ OH ที่แยกในเมอริการ์บอนเชื่อมกับหมู่ OH ของน้ำตาลเชิงเดียวอีกโมเลกุลหนึ่งและเสียน้ำ เกิดเป็นอะซีทอล ซึ่งอาจเป็นแบบ α หรือ β ได้

การเชื่อมพันธะไกลโคลโคไซด์ โดยทั่วไปมี 3 แบบ คือ

- แบบ 1,4' เป็นการเชื่อมระหว่างหมู่ OH ตำแหน่งที่ 1 (ที่แยกในเมอริการ์บอนในวงหนึ่ง) กับ OH ตำแหน่ง 4' ของอีกววงหนึ่ง เช่น มอลโทส (maltose) และแลกโทส (lactose)
- แบบ 1,6' แยกในเมอริการ์บอนของวงแรกเชื่อมกับ OH ของ C6 ของวงที่สอง เช่น gentiobiose
- แบบ 1,1' แยกในเมอริการ์บอนของวงแรกเชื่อมกับ OH ของแยกในเมอริการ์บอนจากวงที่สอง

13.1.2.1 มอลโทส (α -1,4'-glycosidic linkage)

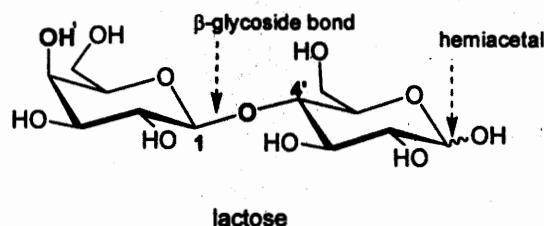
มอลโทส หรือน้ำตาลมอลต์ (malt sugar) เป็นไดแซกคาไรด์ที่ได้จากการย่อยสลายแป้งในเมล็ดข้าวบาร์เลย์ที่กำลังอกหรือข้าวมอลต์ด้วยน้ำ มอลโทสประกอบด้วยกลูโคสสองหน่วยเชื่อมต่อกันด้วยพันธะไกลโคลโคไซด์แบบ α -1,4'-glycoside เมื่อยแยกสลายมอลโทสด้วยน้ำจะได้กลูโคสสองโมเลกุล



จากโครงสร้างของмолโทสจะเห็นว่ามีโครงสร้างที่เป็นเอมิอะซีกาลอยู่ในทางขวาด้วย ดังนั้นจึงเกิด mutarotation ได้ และแสดงสมบัติของน้ำตาลรีดิวส์ด้วย

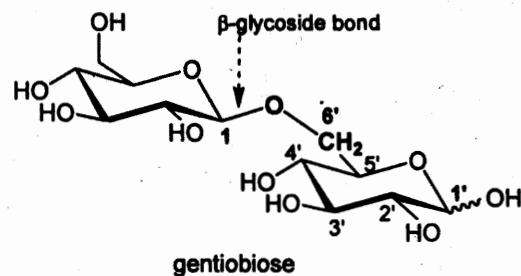
13.1.2.2 แลกไกส์ (β -1,4'-glycosidic linkage)

แลกไกส์เป็นไดแซกคาไรด์หลักที่พบในนมทั้งของคนและวัว จึงเรียกว่าน้ำตาลนม (milk sugar) แลกไกส์ประกอบด้วยแ甘แลกไกส์ (galactose) และกลูโคสอย่างละหนึ่งหน่วยเชื่อมกันโดยพันธะไกลโคลไซด์แบบ β -1,4' จากแอลโโนเมอริกการ์บอนของแ甘แลกไกส์ไปยัง C4' ของกลูโคส ในทำนองเดียวกันแลกไกส์มีส่วนที่เป็นเอมิอะซีกาลอยู่ด้วย จึงเกิด mutarotation และแสดงสมบัติของน้ำตาลรีดิวส์ด้วย



13.1.2.3 เจนทิโอไบโอด์ (β-1,6'-glycosidic linkage)

เจนทิโอไบโอด์ (gentiobiose) เป็นไดแซกคาไรด์ที่ประกอบด้วยหน่วยย่อยกลูโคสสองหน่วยเชื่อมกันโดยพันธะไกลโคลไซด์แบบ β -1,6' และโอลิเมอริกการ์บอนของวงแรกเชื่อมกับ OH ของ C6 จากรวงที่สอง ซึ่งไม่ได้เป็นส่วนของวงแรก การเชื่อมแบบนี้ไม่ค่อยพบในไดแซกคาไรด์แต่พบทั่วไปตรงกับแยกในพอลิแซกคาไรด์

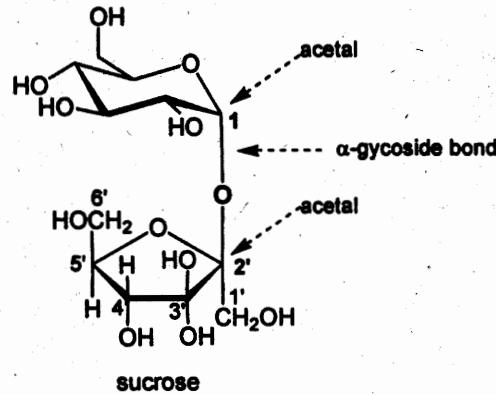


13.1.2.4 ชูไครส์ (การเชื่อมระหว่างแอลโโนเมอริกการ์บอนสองอะตอม)

ชูไครส์เป็นไดแซกคาไรด์ที่พบในพืชหลายชนิด เช่น อ้อย หัวบีท และดันเมเปิลประกอบด้วยกลูโคสและฟรักโทสอย่างละหนึ่งหน่วย ต่างจากmolโทสและแลกไกส์ ดังนี้

- ประกอบด้วยวงขนาด 6 อะตอม และ 5 อะตอมของกลูโคสและฟรักโทสตามลำดับ

- เชื่อมกันโดยพันธะไกลโคลไซด์แบบ α -1,2'
- การกำหนดตำแหน่งในวง furanose ต่างจาก pyranose คือแองโนเมอริกการ์บอนของฟรักโตสเป็น C2' ซึ่งเป็นตำแหน่งที่เกิดพันธะไกลโคลไซด์ ในชีวิตรูปจิงมีอะซีทอลสองแห่ง ไม่มีอะซีทอลดังนั้นจึงไม่เป็นน้ำตาลรีดิวส์และไม่เกิด mutarotation

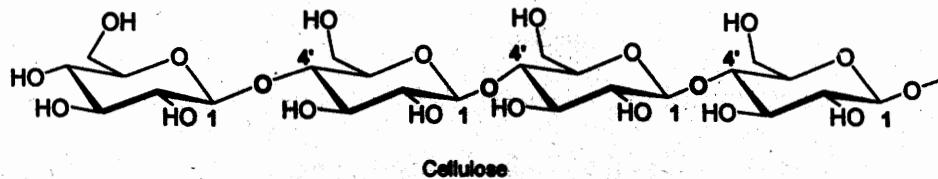


13.1.3 พอลิแซกคาไรต์

พอลิแซกคาไรต์ เป็นพอลิเมอร์ชีวภาพที่เกิดจากมอนแซกคาไรต์หลายร้อยหน่วยหรือ พันหน่วยมาเชื่อมกันเป็นโมเลกุลขนาดใหญ่ ส่วนใหญ่ด้วยพันธะไกลโคลไซด์แบบ 1→4 และ 1→6 แองโนเมอริกการ์บอนทุกแห่ง เชื่อมเป็นพันธะไกลโคลไซด์ของอะซีทอล ยกเว้นหน่วยย่อย สุดท้าย เนื่องจากขนาดโมเลกุลใหญ่มากจึงไม่เห็นปฏิกิริยาของน้ำตาลรีดิวส์ และไม่เกิด mutarotation พอลิแซกคาไรต์ที่พบมากในธรรมชาติ ได้แก่ เชลลูโลส แบป และไกลโคลเจน

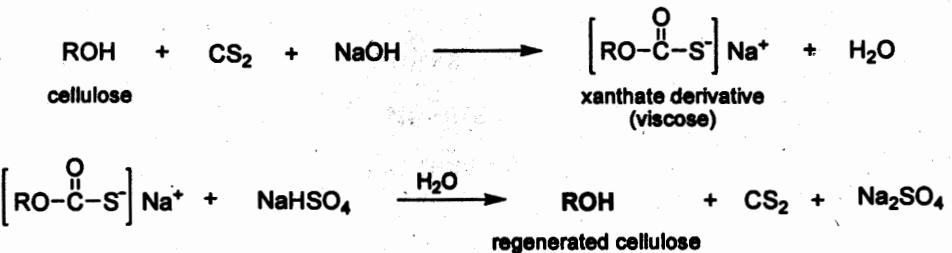
13.1.3.1 เชลลูโลส (Cellulose)

เชลลูโลส พับในแผ่นเชลล์ของพืชเกือบทุกชนิด สร้างความแข็งแรงให้กับโครงสร้างพืช เป็นพอลิเมอร์ไซด์ของ D-glucose ที่เชื่อมกันด้วยพันธะไกลโคลไซด์แบบ β -1→4' ให้โซเดียมของเชลลูโลส ซึ่งจัดเป็นกาและข้อนกันเป็นแผ่น โดยมีพันธะไฮโดรเจนระหว่างกัน



เซลลูโลสอะเซตेट (Cellulose acetate) เป็นอนุพันธ์ของเซลลูโลสที่เตรียมจากปฏิกิริยาระหว่างเซลลูโลสกับอะซีทิกแอซิด หมู่ OH ของเซลลูโลสเปลี่ยนเป็นหมู่เอสเทอร์ อะซีเตต ซึ่งปั้นเป็นเส้นใยใช้เป็นเส้นใยสังเคราะห์มีลักษณะคล้ายไหม

วิสโคส (Viscose) เป็นเอสเทอร์ xanthate ของเซลลูโลส มีลักษณะหนืด ได้จากการเปลี่ยนเซลลูโลสธรรมชาติ โดยให้น้ำโซเดียมีดีเจชัลไฟฟ์ (CS₂) และโซเดียมไฮดรอกไซด์ เพื่อเปลี่ยนหมู่ OH เป็นหมู่ xanthate ซึ่งละลายน้ำ และใช้ปฏิกิริยาเปลี่ยนให้เซลลูโลสกลับคืน ทำเป็นเส้นใยเรยอน (Rayon) และแผ่นฟิล์มเซลโลฟาน (cellophane)

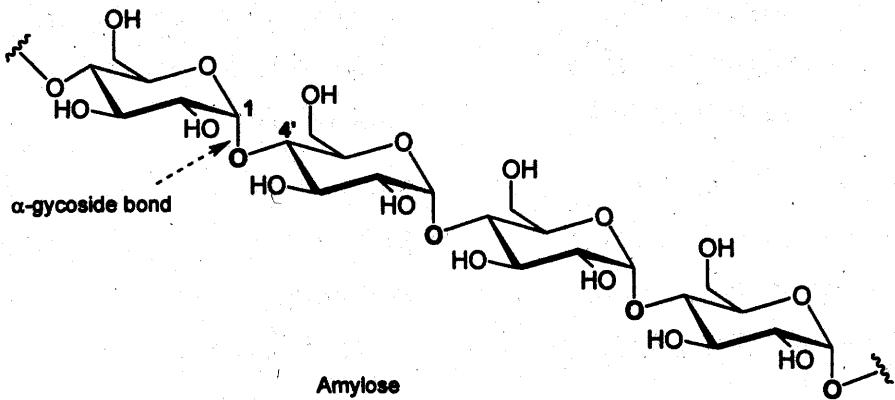


เรยอน (Rayon) เป็นเส้นใยเซลลูโลสที่เตรียมขึ้นใหม่จากเซลลูโลสธรรมชาติ จัดเป็นเส้นใยกึ่งสังเคราะห์ เรยอนและฝ้ายเป็นเซลลูโลสทั้งคู่ แต่เส้นใยเรยอนแข็งแรงกว่า เส้นยวาน้ำสมอมากกว่าฝ้าย

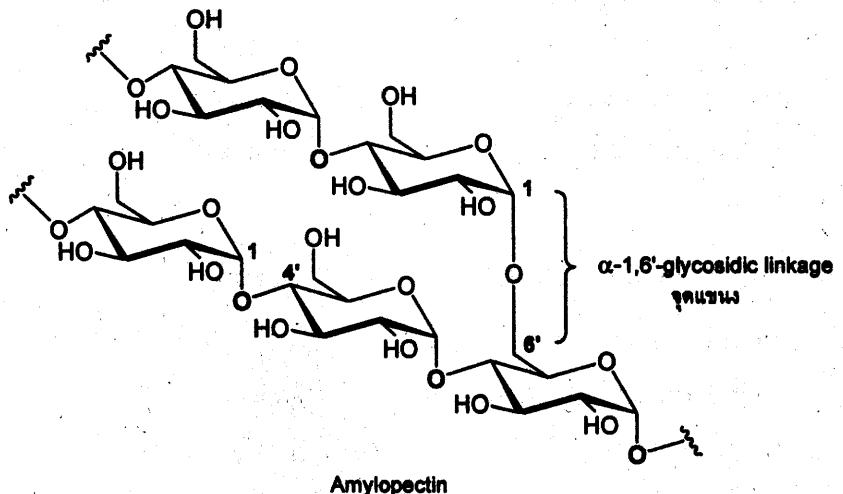
13.1.3.2 แป้ง (Starch: Amylose, Amylopectin และ Glycogen)

แป้ง เป็นคาร์โบไฮเดรตหลักที่พบในพืช จากเมล็ด ราก หัว ใน หรือผล เป็นพอลิเมอร์ของกลูโคสที่เชื่อมกันด้วยพันธะไกลโคไซด์แบบแอลfa (α -glycosidic linkage) ขณะที่เซลลูโลส เป็นแบบบีตา แป้งเป็นพอลิแซกคาไรด์ผสม ประกอบด้วยแอลfa ไอโซ (amylose) ประมาณร้อยละ 20-30 และแอลฟาก็เพกติน (amylopectin) ประมาณร้อยละ 70-80 แล้วแต่ชนิดพืช แป้งที่ได้จากพืชต่างชนิดจะมีโครงสร้างและอัตราส่วนของพอลิเมอร์ทั้งสองต่างกัน เมื่อถูกย่อยสลาย ด้วยน้ำโดยใช้กรดหรือเอนไซม์เป็นตัวเร่ง จะได้มอลโทสและในที่สุดได้กลูโคส

ไอโซโลส เป็นพอลิเมอร์ของกลูโคส (α -D-glucose) 300-3000 หน่วย ต่อเป็นโซเดียม ด้วยพันธะไกลโคไซด์แบบ $\alpha-1 \rightarrow 4'$ การเชื่อมต่อแบบนี้ทำให้สายโซ่ของไอโซโลสม้วนเป็นเกลียว สมบดีทางกายภาพและเคมีจึงต่างจากโซ่ตรงของเซลลูโลส ทำให้เกิดพันธะไอยโครเจนกับน้ำและไอโซโลสละลายน้ำได้ ส่วนเซลลูโลสไม่ละลายน้ำ ขณะที่เซลลูโลสแข็งและเหนียวแต่ไอโซโลสไม่เป็นเช่นนั้น พันธะไกลโคไซด์แบบ $\alpha-1 \rightarrow 4'$ ถูกไฮโดรไลส์ง่ายโดยเอนไซม์ α -glucosidase ซึ่งพบในสัตว์ทุกชนิด



โครงสร้างที่ม้วนเป็นเกลียวของแอลูไนโอลูตัน ทำให้เกลียวต้านในมีขนาดและสภาพข้าพอดีมากกับโนเรกูลไอโอดิน (I_2) ซึ่งเมื่อไอโอดินเข้าไปอยู่ภายในจะให้สารเชิงช้อนที่มีสีน้ำเงินเข้มเกิดขึ้น จึงเป็นปฏิกิริยาสำคัญที่ใช้ทดสอบแป้ง



แอลูไอลูตัน เป็นโพลิเมอร์ของกลูโคสแบบโซเดียม มีขนาดใหญ่กว่าแอลูไอลูตัน เป็นส่วนของแป้งที่ไม่ละลายน้ำ ในส่วนโซเดียมเชื่อมต่อด้วยพันธะไกลโคไซด์แบบ $\alpha-1 \rightarrow 4'$ และต่ำกันที่อยู่ในไอลูตันมีโซเดียมแยกออกไปทุกๆ 20-30 หน่วยกลูโคส ที่จุดแข็งเป็นการเชื่อมต่อด้วยพันธะแบบ $\alpha-1 \rightarrow 6'$ การย่อยสลายจึงต่างจากแอลูไอลูตันแบบ $\alpha-1 \rightarrow 6'$ ไม่ถูกย่อยสลาย และได้เป็น limit dextrin แทนที่จะเป็นกลูโคสทั้งหมด อย่างไรก็ได้ยังมีเอนไซม์ตัดแข็ง (debranching enzyme) สามารถย่อยพันธะไกลโคไซด์ชนิดนี้ เมื่อแอลูไอลูตันถูกย่อยสลายอย่างสมบูรณ์จะได้มอลิโกสและกลูโคส

ไกลโคเจน (Glycogen) เป็นโพลิแซกคาไรด์ที่ต่างกันในคนและสัตว์ เป็นโพลิเมอร์ของกลูโคสที่มีพันธะไกลโคไซด์แบบแอลฟ่า ไกลโคเจนส่วนใหญ่จะอยู่ในกล้ามเนื้อพร้อมที่จะถูกแยกสลายด้วยน้ำได้ในทันทีที่ต้องการพลังงาน โดยถูกแยกสลายจากด้านปลาย นอกเหนือจากนี้จะอยู่ที่ดับชีบพร้อมที่จะถูกย่อยและปล่อยกลูโคสสู่กระแสเลือด โครงสร้างไกลโคเจนครั้งๆ ไม่ໄสเพกติน แต่ใช้แขนงมากกว่า ทำให้มีพื้นที่สำหรับมวลมากกว่าพร้อมจะถูกแยกสลายและให้พลังงานได้อย่างพอเพียง

13.2 ลิพิด (Lipids)

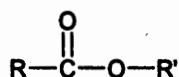
ลิพิด เป็นสารอินทรีย์ในธรรมชาติที่ต่างจากสารอินทรีย์อื่น คือถูกจำแนกโดยสมบัติทางกายภาพ ไม่ได้แบ่งตามลักษณะทางโครงสร้าง ลิพิดจึงมีลักษณะทางเคมีคล้าย มีหมู่ฟังก์ชันต่างๆ ที่ทำหน้าที่ในเซลล์ต่างกันไป ลิพิดมีสมบัติเหมือนกันอย่างหนึ่งคือไม่ชอบน้ำ (hydrophobic) จึงละลายในด้วน้ำได้ยาก แต่เมื่อตัดเป็น 2 กลุ่ม คือ ลิพิดที่ถูกแยกสลายโดยน้ำได้ และลิพิดที่ไม่ถูกแยกสลายด้วยน้ำ

13.2.1 ลิพิดที่แยกสลายได้ด้วยน้ำ (Hydrolyzable Lipids)

ส่วนใหญ่ลิพิดที่ถูกแยกสลายด้วยน้ำได้จะมีหมู่เอสเทอร์ ซึ่งได้แก่ ไขทรีอิฟิง (waxes) ในมันและน้ำมัน (fats and oils) และฟอสฟอลิพิด (phospholipids)

13.2.1.1 ไข

ไข เป็นสารที่มีลักษณะคล้ายไขมันแต่แข็งกว่า จุดหลอมเหลวสูงกว่า พบทึบในสัตว์และพืช ในธรรมชาติประกอบด้วยสารหล่ายชนิด ส่วนใหญ่เป็นเอสเทอร์ของกรดไขมันโซเดียม กับแอลกออลโซลโซเดียม มักพบเป็นสารเคลือบผิวน้ำ บนสัตว์ บนนก ผิวน้ำไม้และผลไม้ ใช้ทำเครื่องสำอาง กาว น้ำมันขัดเงา สารกันน้ำและกันสนิม เป็นต้น สรุตรโนเมเลกุลทั่วไปเป็น

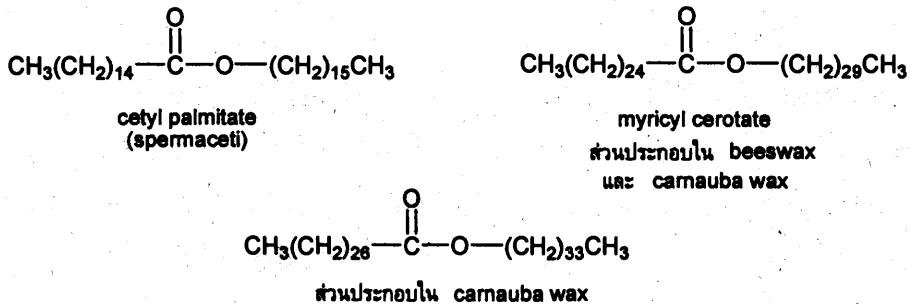


ทั้ง R และ R' เป็นไขโครคาร์บอนโซเดียม ส่วนที่เป็นกรดและแอลกออลมีคาร์บอนเป็นเลขคู่ ไขไม่ละลายเป็นเนื้อเดียวกับน้ำ ละลายในแอลกออลและด้วน้ำได้โดยอิสระ อินทรีย์ ด้วยอย่างเช่น

ไขวัวพ (spermaceti) ส่วนใหญ่เป็น cetyl palmitate ซึ่งเป็นเอสเทอร์ของ cetyl alcohol และกรดพาล์มิติก (palmitic acid)

ชีฟ์ (beeswax) เป็นไข่จากรังผึ้ง เป็นสารผสมของเอสเทอร์จากการด้วยมัน เช่น กรดพาร์มิติก, กรดพาร์มิโทเลอิก (palmitoleic acid), กรดโอเลอิก (oleic acid) กับแอลไฟฟิดิกแอลกอยด์ที่มีคาร์บอน 30-32 อะตอม

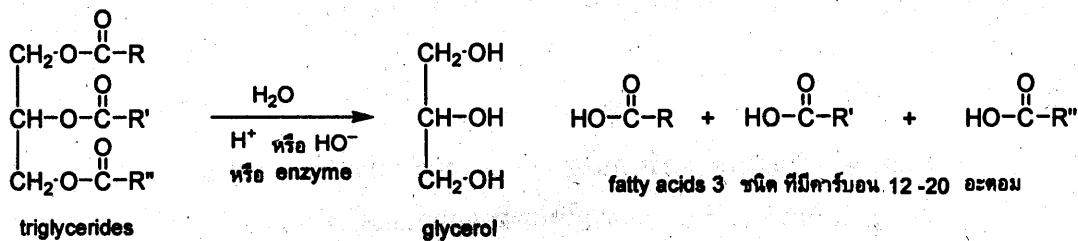
ไข่การโนบานา (carnauba wax) เป็นไข่จากพืช เคลื่อนไปปาร์ส์ที่ขึ้นในประเทศบราซิล ส่วนใหญ่เป็นเอสเทอร์ เช่น แอลไฟฟิดิกเอสเทอร์ของกรดที่มีคาร์บอน 24 ถึง 28 อะตอม และแอลกอยด์ใช้ตรง (C30 ถึง 34 อะตอม)



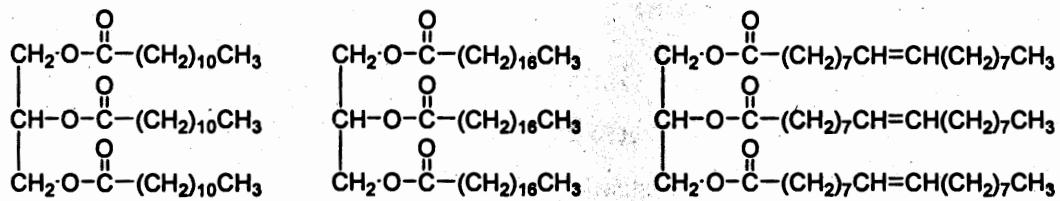
13.2.1.2 ไข่มันและน้ำมัน

ไข่มันและน้ำมัน เป็นเอสเทอร์ของกรดไข่มัน กับกลีเซอรอล (glycerol) เรียก ไทรกลีเซอไรต์ (triglycerides) หรือไทรอีซิกลีเซอรอล (triacylglycerols) เมื่อถูกแยกลายด้วยน้ำจะได้กลีเซอรอล (glycerol) และกรดไข่มันใช้ยาวสามโมเลกุล

ไข่มันและน้ำมันเป็นลิพิดที่พบมากที่สุด ไข่มันมีสถานะเป็นของแข็งหรือกึ่งแข็งที่อุณหภูมิห้อง ส่วนใหญ่พบในสัตว์ ถ้าเป็นของเหลวเรียกว่ามันส่วนใหญ่ได้จากพืช ยกเว้นน้ำมันปลา ร่างกายไม่สามารถสร้างไข่มันชนิดไม่อิ่มตัว จึงต้องได้จากอาหารที่รับประทานเข้าไป ในปริมาณที่พอเหมาะสม ส่วนไข่มันชนิดอิ่มตัวสร้างได้จากสารอาหารอื่น เช่น คาร์โนไฮเดรต



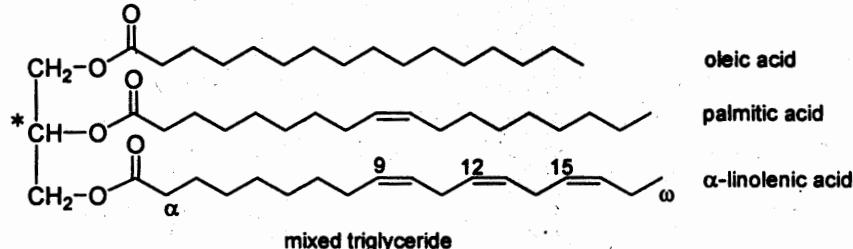
ไทรกลีเซอไรต์แบบธรรมชาติ (simple triglycerides) เป็นเอสเทอร์ของกรดไข่มันชนิดเดียวกัน ส่วนแบบผสม (mixed triglycerides) เป็นเอสเทอร์ที่มาจากการด้วยมันต่างชนิดกัน



trilaurin
(simple triglyceride)
mp 45°C

tristearin
(simple triglyceride)
mp 71°C

triolein
(simple triglyceride)
mp -4°C



การไขมันธรรมชาติในไทรกลีเซอไรด์มีลักษณะทั่วไปดังนี้

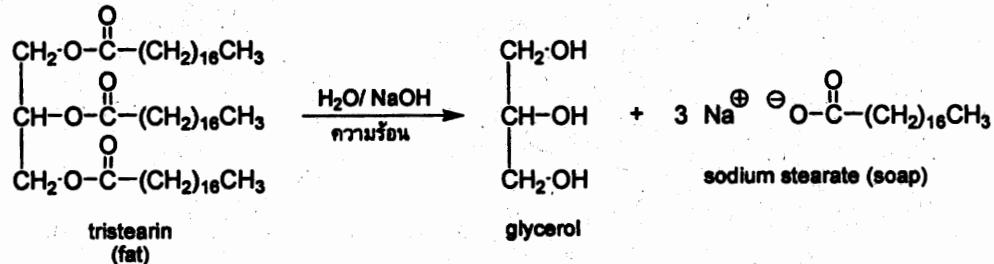
- จำนวนครั้งบอนเป็นเลขคู่
- เป็นโซ่อร์ อาจเป็นกรดชนิดอิมตัวหรือไม่อิมตัว ชนิดอิมตัวได้แก่ กรดพาส์มิติก และกรดสเตียริก (stearic acid) และชนิดไม่อิมตัวส่วนใหญ่เป็นกรดโอเลอิก
- พันธะคู่ของกรดชนิดไม่อิมตัวเป็นแบบ Z หรือชีส
- จุดหลอมเหลวของกรดไขมันขึ้นกับจำนวนพันธะคู่

ตารางที่ 13.1 ส่วนประกอบของกรดไขมันจากการแยกถ่ายไขมันและน้ำมันบางชนิดด้วยน้ำ

แหล่ง	กรดไขมันอิมตัว (%)					กรดไขมันไม่อิมตัว (%)			
	C10 (≥)	C12 lauric	C14 myristic	C16 palmitic	C18 stearic	C16 palmitoleic	C18 oleic	C18 linoleic	C18 linolenic
ในมันสัตว์									
เนย	1-4	2-5	8-15	25-29	9-12	4-6	18-33	2-4	
มันหมู			1-2	25-30	12-18	4-6	48-60	6-12	0-1
ไขมันวัว			2-5	24-34	15-30		35-45	1-3	0-1
ตับปลาcot น้ำมันพืช			5-7	8-10	0-1	18-22	27-33	27-32	
มะพร้าว	1-9	40-50	15-20	9-12	2-4	0-1	6-9	0-1	
ข้าวโพด			1-2	7-11	3-4	1-2	25-35	50-60	
มะกอก			0-1	5-15	1-4		67-84	8-12	
ถั่วเหลือง			1-2	6-10	2-4		20-30	50-58	5-10
ถั่วถิง				7-12	2-6		30-60	20-38	
ตอกคำฝอย				3	3		19	76	-

ปฏิกิริยาของไขมันและน้ำมัน

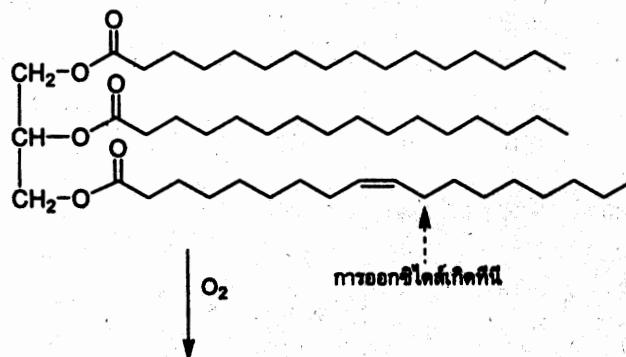
(1) ปฏิกิริยา saponification หรือปฏิกิริยาการทำสบู่ เป็นการแยกสลายหมู่ऐสเทอร์ในไขมันหรือน้ำมันด้วยน้ำ โดยมีเบสเป็นตัวเร่ง ได้กลิเซอรอลและเกลือของกรดไขมัน หรือสบู่สามโมเลกุล เช่นปฏิกิริยาการทำสบู่จาก tristearin

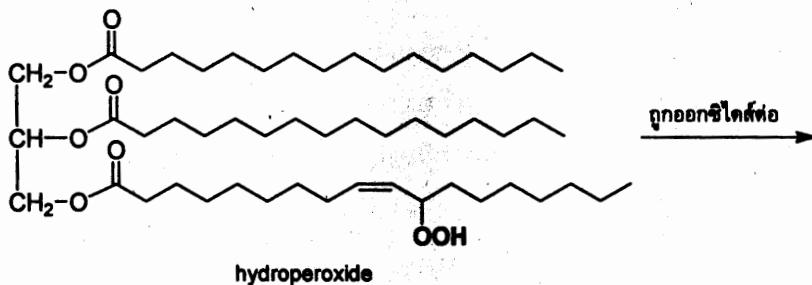


(2) ปฏิกิริยาการเติมไฮโดรเจนในน้ำมัน (Hydrogenation of Oils) เป็นการเติมไฮโดรเจนเข้าไปพัฒนาระบุของไฮดร์คาร์บอนไฮเดรตในส่วนกรดไขมันของน้ำมันพิช เกิดพัฒนาเดียวทำให้พัฒนาระบุน้อยลง จุดหลอมเหลวสูงขึ้น สถานะเปลี่ยนเป็นของแข็งหรือกึ่งแข็ง ช่วยยืดอายุไขมัน หรือน้ำมัน เนื่องจากไวต่อปฏิกิริยาออกซิเดชันน้อยลง

การเติมไฮโดรเจนบางส่วน จะเกิดปฏิกิริยาที่พัฒนาบางแห่ง ไม่เกิดทุกแห่ง ตัวเร่งที่ใช้ทำให้พัฒนาระบุบางแห่งเปลี่ยนเป็นแบบทรานส์ได้ trans fat ซึ่งไม่มีในไขมันธรรมชาติที่เป็นอาหาร พัฒนาระบุเช่นนี้มีส่วนทำให้เกิดผลเสียต่อร่างกาย เช่น โรคหัวใจและหลอดเลือด เชื่อว่าทำให้คอเลสเทอรอลชนิดไมดี (LDL) เพิ่มขึ้น และคอเลสเทอรอลดี (HDL) ลดลง

(3) ปฏิกิริยาออกซิเดชัน ไตรกลิเซอไรต์ที่มีพัฒนาระบุที่ใช้ไฮดร์คาร์บอนจะถูกออกซิเดต ง่ายด้วยออกซิเจนในอากาศ ปฏิกิริยาเกิดที่ carcbon ซึ่งติดกับพัฒนาระบุ ได้สารไฮโดรเพอร์อ๊อกไซด์ (hydroperoxides) ซึ่งเป็นสาเหตุในการสลายตัวของน้ำมันและทำให้เหม็นหืน

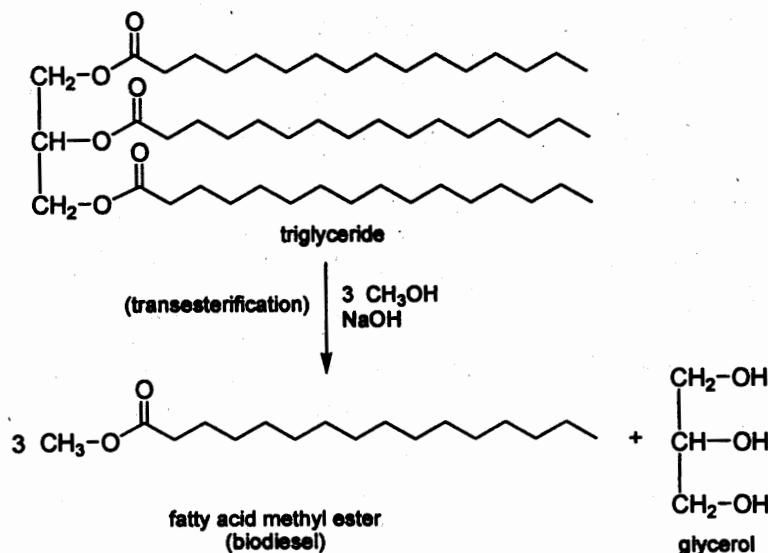




การเหม็นหืน (rancidity) เกิดจากปฏิกิริยาเชิงชีวเคมีของไขมันและน้ำมัน อาจเกิดโดยปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำ หรือปฏิกิริยาออกซิเดชัน หรือทั้งสองแบบ โดยส่วนของกรดไขมันโซเดียมที่มีพันธะคู่ถูกย่อยสลายเป็นสารประกอบโซเดียม ผ่านปฏิกิริยาออกซิเดชันที่พันธะคู่ และมีการแตกหักพันธะให้กรดไขมันที่มีน้ำหนักโมเลกุลต่ำ เช่น กรดบิวไทริก (butyric acid) และกรดคาพรอิก (caproic acid) ซึ่งมีกลิ่นเหม็นหืน

(4) ปฏิกิริยาการเปลี่ยนหมู่แอลกอฮอล์ (Transesterification of Fats and Oils) ปฏิกิริยานี้เป็นการเปลี่ยนส่วนของแอลกอฮอล์จากกลีเซอรอลในไขมันสัตว์หรือน้ำมันพืชเป็นหมู่แอลกอฮอล์อื่น (เช่น CH_3 , CH_2CH_3 หรือ $\text{CH}_2\text{CH}_2\text{CH}_3$) ได้ไบโอดีเซล (biodiesel) ซึ่งเป็นแอลกอฮอล์เชื้อเพลิงดีเซลเทอร์นของกรดไขมันโซเดียมจากไขมันหรือน้ำมันจากสัตว์หรือพืช ไบโอดีเซลใช้เป็นเชื้อเพลิงดีเซลโดยตรง หรือผสมกับเชื้อเพลิงดีเซลที่มีไฮโดรคาร์บอนก็ได้

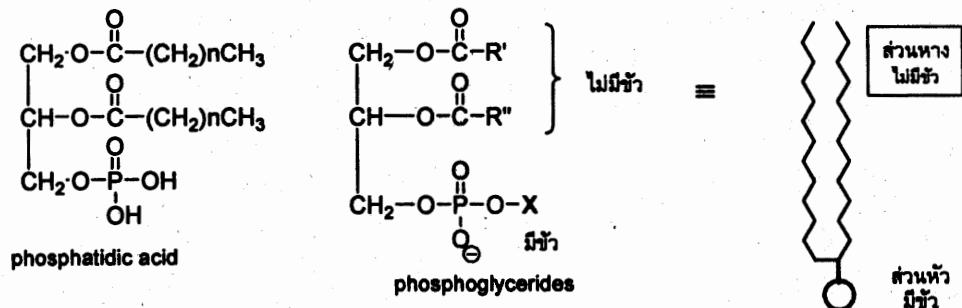
เช่น ปฏิกิริยาของไขมันหรือน้ำมันกับแอลกอฮอล์ CH_3OH โดยมี NaOH เป็นตัวเร่ง



13.2.1.3 ฟอสโฟลิพิด (Phospholipids)

ฟอสโฟลิพิด หรือ ฟอสไฟกลีเซอไรต์ (phosphoglycerides) มีโครงสร้างคล้ายไขมันและน้ำมัน โดยมีหมู่กรดฟอสฟอริก 1 หมู่ แทนที่หมู่กรดไขมัน โครงสร้างแกนหลักของลิพิด กลุ่มนี้เป็น phosphatidate ซึ่งเป็นเอสเทอร์ของกลีเซอโรลกับกรดไขมัน และกรดฟอสฟอริก เช่น กรดฟอสฟາทิติก (phosphatidic acid) เป็นฟอสไฟกลีเซอไรต์ซึ่งเป็นเอสเทอร์ของกลีเซอโรล กับกรดไขมันสองโมเลกุลและหมู่กรดฟอสฟอริกหนึ่งหมู่

ฟอสโฟลิพิดมีส่วนที่ไม่มีข้าวและส่วนที่มีข้าวอยู่ด้วยกันคือ ส่วนของกรดฟอสฟอริกซึ่งแตกตัวมีข้าว และใช้ไฮโดรคาร์บอนสองสาย เป็นหัวและหางตามลำดับ ซึ่งแทนด้วยแบบจำลองดังนี้



ฟอสไฟกลีเซอไรต์ หลายชนิดเป็นอนพันธุ์ของกรดฟอสฟາทิติก มีโครงสร้างต่างกันที่ X โดยหมู่ OH มาเกิดเอสเทอร์กับหมู่กรดฟอสฟอริกได้ เช่น

phosphatidyl choline หรือ lecithin ($\text{X} = \text{choline}$)

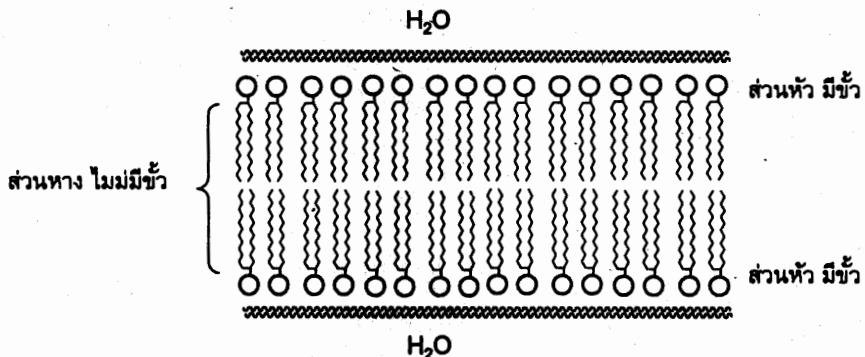
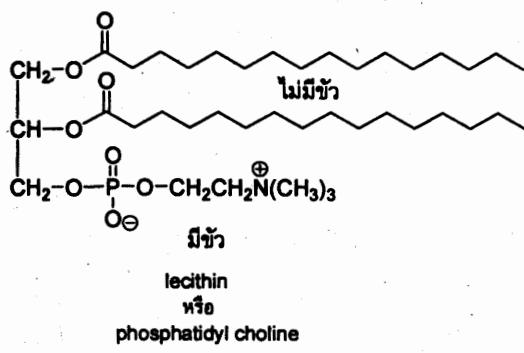
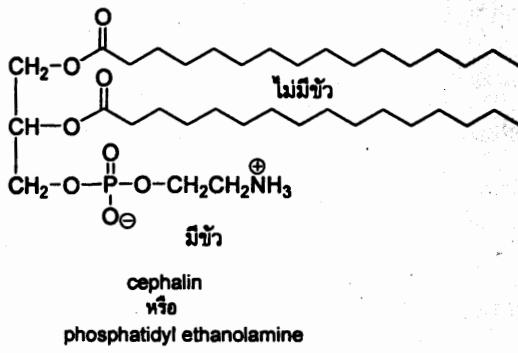
phosphatidyl ethanolamine หรือ cephalin ($\text{X} = \text{ethanolamine}$)

phosphatidyl serine ($\text{X} = \text{serine}$)

phosphatidyl glycerol ($\text{X} = \text{glycerol}$)

phosphatidyl inositol ($\text{X} = \text{inositol}$)

เลซิทิน (lecithin) และเซฟาลิน (cephalin) เป็นส่วนประกอบของเยื่อชีวภาพ เลซิทิน เป็นเอสเทอร์ของกรดฟอสฟາทิติกกับโคลีน (choline) และเซฟาลินเป็นเอสเทอร์ของกรดฟอสฟາทิติกกับเอทานอลอะมีน (ethanolamine) มีการจัดตัวเป็นแผ่นลิพิดประกับสองชั้น (lipid bilayer) โดยหันส่วนหัวที่มีข้าวของแต่ละแผ่นออกสู่ด้านที่มีน้ำ และส่วนหางที่ไม่มีข้าวเข้าหากัน

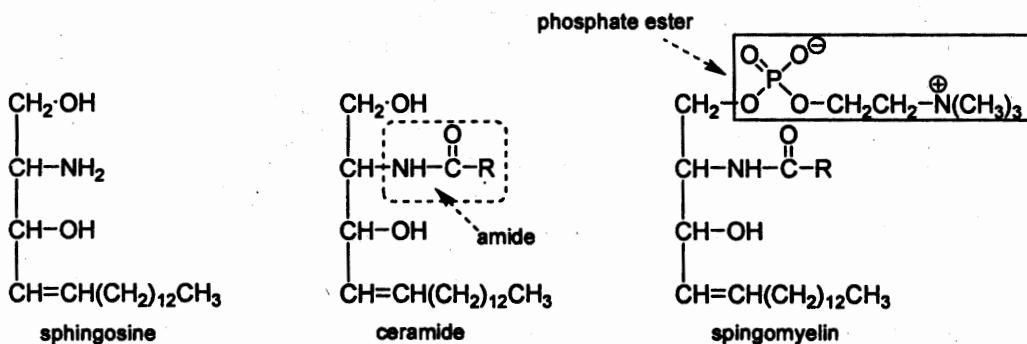


รูปที่ 13.8 แบบจำลองการจัดตัวของฟอสโฟลิพิด แบบ lipid bilayer ในเยื่อชีวภาพ

13.2.1.4 สฟิงโกลิพิด (Sphingolipids)

ลิพิดกลุ่มนี้มีแอลกอฮอล์สฟิงโกลิซิน (sphingosine) ในโครงสร้าง สฟิงโกลิซินเป็นอะมิโนแอลกอฮอล์ที่มีไนโตรคาร์บอนไม่拥มดัวโซ่ยาว หมู่อะมิโน (-NH₂) ในสฟิงโกลิซิน สร้างพันธะอะไมด์กับกรดไขมัน เรียกว่าไมร์ (ceramide) ซึ่งเป็นอนุพันธ์อะไมด์ของสฟิงโกลิซิน

สฟิงโกลิพิดบางชนิดมีส่วนเชื่อมกับหมู่ฟอสเฟต เช่น สฟิงโกลไมอีลิน (sphingomyelin) ซึ่งมีหมู่อะมิโน (-NH₂) เชื่อมกับกรดไขมันโดยพันธะอะไมด์ และหมู่ OH เป็นเอสเทอร์ของกรดฟอฟอริก สฟิงโกลิพิดอื่นๆ ไม่มีหมู่ฟอสเฟต แต่เชื่อมกับคาร์โบไฮเดรต เป็น glycosphingolipids

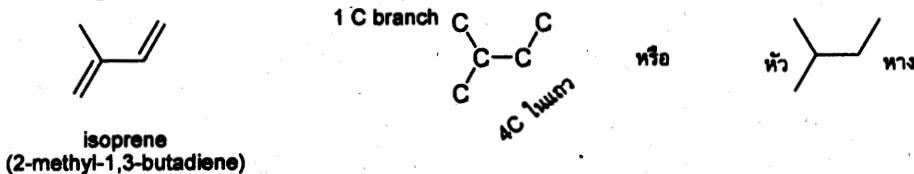


13.2.2 ลิพิดที่ไม่ถูกแยกสลายด้วยน้ำ (Nonhydrolyzable Lipids)

ลิพิดกลุ่มนี้ไม่ถูกแยกสลายด้วยน้ำให้โมเลกุลที่ขนาดเล็กกว่า เป็นลิพิดที่มีโครงสร้างทางหกเหลี่ยม เช่น เทอร์พิน (terpenes) สเตียรอยด์ (steroids) วิตามินที่คล้ายในไขมัน และไอกซานอยด์ (eicosanoids)

13.2.2.1 Isoprenoid lipids

ลิพิดชนิดนี้เกิดจากหน่วยไอโซพรีน (isoprene) หรือ 2-methyl-1,3-butadiene ซึ่งมีคาร์บอน 5 อะตอม โครงสร้างเป็นไอโซเพนเทน (isopentane) โดยสืบทอดอุณหภูมิในแวดวงและอิกหนึ่งอะตอมเป็นกิงอยู่ในโซ-



รูปที่ 13.9 โครงสร้างของไอโซพรีน และโครงสร้างของ

บางชนิดจะเห็นหน่วยไอโซพรีนซัดเจนในโครงสร้าง เช่น เทอร์พิน แต่ชนิดอื่นๆ หน่วยไอโซพรีนอาจเป็นส่วนหนึ่งในการบวนการชีวสังเคราะห์ เช่น สเตียรอยด์ ซึ่งเป็น Isoprenoid lipids ที่สำคัญอีกประเภทหนึ่ง

(1) เทอร์พิน (Terpenes)

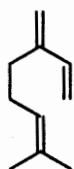
เป็นสารธรรมชาติ ส่วนใหญ่พบในพืช ประกอบด้วยหน่วยไอโซพรีน ที่เชื่อมต่อกันเป็นพอลิเมอร์ แบบหัวต่อหาง (head to tail) หรือหางต่อหาง (tail to tail) เทอร์พิน แบ่งตามจำนวนหน่วยเทอร์พินในโมเลกุล (เป็นชุดของ C₁₀) เทอร์พิน 1 หน่วยมาจากการไอโซพรีน 2 หน่วย คำนำหน้าในประเภทแสดงถึงจำนวนหน่วยเทอร์พินที่ต่อกันในโมเลกุล

ตารางที่ 13.2 เทอร์พินและตัวอย่าง

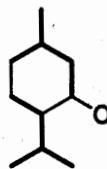
ประเภท	Isoprene unit	จำนวน carbons	ตัวอย่าง
hemiterpene	1	5	prenol, valeric acid
monoterpene	2	10	myrcene, menthol, citral
sesquiterpene	3	15	farnesene, α -selinene
diterpene	4	20	retinol
triterpene	6	30	squalene
tetraterpene	8	40	lycopene, carotene
Polyterpene	มาก	มาก	ยางพารา, ยาง gutta percha

เทอร์พีน มีโครงสร้างหลายลักษณะอาจเป็นโซ่อิเด เป็นวง มี 1 วง หรือกว่า 1 วง อาจมีเฉพาะ
การบอนและไฮโดรเจน หรือมีไฮเดโรอะตอมด้วยก็ได้ซึ่งส่วนใหญ่เป็นออกซิเจน ดังนี้

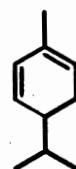
モノเทอร์พีน (monoterpene) เช่น



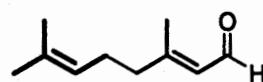
myrcene
จาก bayberry oil



menthol
จาก peppermint

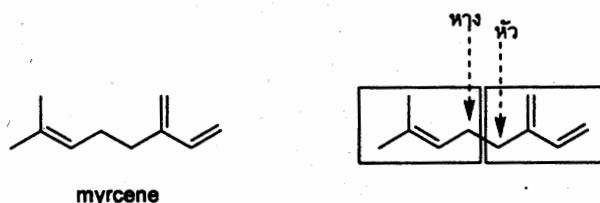


α-phellandrene
จาก eucalyptus



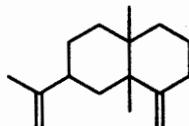
citral
จากกระเพรา

การเชื่อมหน่วยไอโซพրีนใน myrcene เป็นแบบหัวต่อหาง



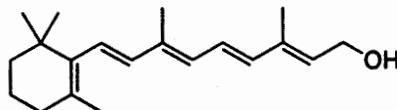
myrcene

เซสกิเทอร์พีน (sesquiterpene) เช่น α-selinene



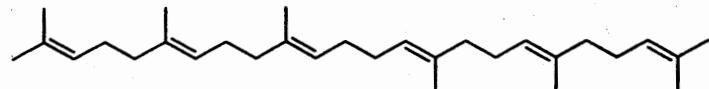
α-selinene
จาก celery

ไดเทอร์พีน (diterpene) เช่น วิตามิน-เอ (retinol)



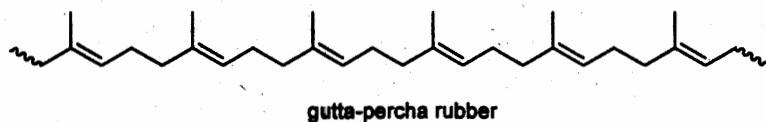
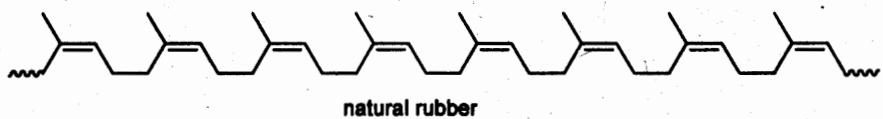
retinol

ไทรเทอร์พีน (triterpene) เช่น squalene



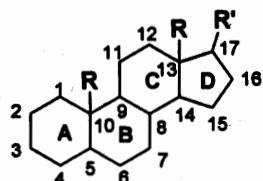
squalene
จาก shark liver oil

พอลิเทอร์พีน (polyterpene) เช่น ยางพารา, ยาง gutta-percha



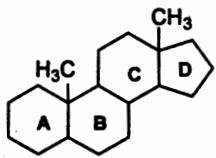
(2) สเตียรอยด์

สเตียรอยด์ เป็นสารที่พบในพืชและสัตว์ ทำหน้าที่หล่ายอย่าง ทั้งข้อมรโนน ตัวกระจาด เนื้อเดียวกัน (emulsifier) และองค์ประกอบของเยื่อ โครงสร้างมีวงแหวนสี่วง คือ A, B, C และ D เชื่อมติดกัน บางชนิดมีวง A เป็นแอโรเมติก เช่น ในข้อมรโนนเพคทูน สเตียรอยด์หลายชนิด มีหมู่เมทธิล (R) สองหมู่ เรียก angular methyl group อยู่ที่จุดเชื่อมระหว่างวงแหวน ดังโครงสร้างพื้นฐานด่อไปนี้

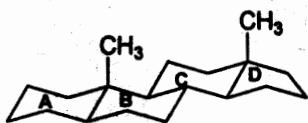


จากโครงสร้างทั่วไปจะเห็นโครงสร้างเดอร์ 7 แห่ง (C5, C8, C9, C10, C13, C14 และ C17) นั้นหมายความว่าอาจมีสเตียรอยด์มากถึง 2^7 หรือ 128 แบบ

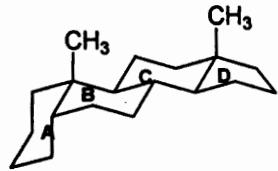
วงแหวนทั้งสี่ที่เชื่อมกันของสเตียรอยด์มีส่วนเชื่อมสามแห่ง (A-B, B-C และ C-D) โครงรูปที่ส่วนเชื่อม A-B เป็นไดทั้งกรานส์และซิส สำหรับส่วนเชื่อมวง B-C และ C-D ในสเตียรอยด์ธรรมชาติเป็นแบบกรานส์ โดยทั่วไปโครงรูปของสเตียรอยด์ส่วนใหญ่เป็นแบบกรานส์ทั้งหมด ทำให้โครงสร้างตายตัว วงเกือบแบบราบโดยมีหมู่เมทธิลทั้งสองอยู่ในแนวตั้งจากกันระหว่างแหวน แต่บางชนิดส่วนเชื่อมของ A กับ B ก็เป็นแบบซิส ทำให้วง A มวนลงด้านล่างของระหว่างส่วนใหญ่องวง



A-B ring fusion
อาจเป็น cis / trans



trans A-B steroid



cis A-B steroid

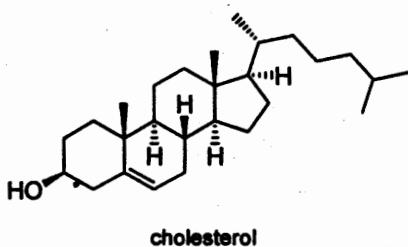
สเตียรอยด์ส่วนใหญ่มีหมุนฟังก์ชันของออกซิเจน ($=O$ หรือ $-OH$) ที่ C3 หมุนแทนที่ C17 มีหลากหลาย ถ้าเป็นไซโตรคาร์บอนจะขนาดใหญ่กว่าหมู่เมทิล และหลายชนิดมีพันธะคู่ที่ C5 กับ C4 หรือ C6

คอเลสเตอโรล (Cholesterol)

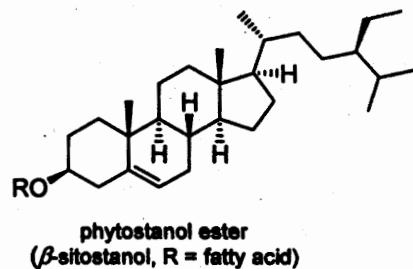
คอเลสเตอโรล เป็นสเตียรอยด์ที่พบมากชนิดหนึ่ง สถาดแยกได้จากเนื้อเยื่อสัตว์แทบทุกชนิด น้ำน้ำดีในคนเป็นแหล่งหนึ่งที่พบมาก คอเลสเตอโรลมีทั่วไปในร่างกาย เป็นอินเตอร์มีเดียตในการสังเคราะห์สเตียรอยด์ทุกชนิด ตามโครงสร้างของคอเลสเตอโรลมีไครลัคตานอยด์ 8 แห่ง นั่นหมายความว่ามีสเตรอโนไซด์เมอร์ที่เป็นไปได้ถึง 2^8 หรือ 256 แบบ แต่มีเพียงแบบเดียวเท่านั้นที่เป็นคอเลสเตอโรล

ข้อให้สังเกตว่าในความหมายทั่วไปของคอเลสเตอโรล ไม่จำเป็นต้องหมายถึงสารบริสุทธิ์ ตามแบ่งทางเคมี แต่หมายรวมถึงสารผสมที่มีคอเลสเตอโรล ลิพิดอื่น และโปรตีน ซึ่งอยู่รวมกันเป็น high-density lipoproteins (HDL) หรือคอเลสเตอโรลดี และ low-density lipoproteins (LDL) หรือคอเลสเตอโรลไมดี

สารประกอบสเตียรอยด์บางชนิดที่ได้จากพืช เรียก phytostanols และ phytosterols สามารถลดคอเลสเตอโรลในเลือด โดยยับยั้งการดูดซึมคอเลสเตอโรลในอาหารจากลำไส้เล็ก ได้รับการยอมรับและใช้ในอาหารรูปแบบต่างๆ



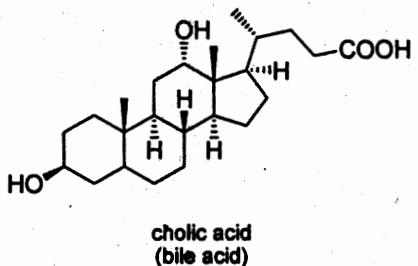
cholesterol



phytostanol ester
(β -sitostanol, R = fatty acid)

กรดโคลิก (Cholic acid)

กรดน้ำดี (bile acid) ในร่างกายมนุษย์สร้างขึ้นที่ดับจากคอลเลสเตอรอล กรดน้ำดีมีหน้าที่ช่วยย่อยไขมัน ชนิดที่สำคัญ คือ กรดโคลิก ซึ่งมีโครงสร้างคล้ายคอลเลสเตอรอล แต่ไม่มีพันธะคู่ทิวง B มีหมู่ OH เพิ่มขึ้น 2 หมู่ และจำนวนคาร์บอนที่ใช้ข้างลงและมีหมู่кар์บอฟิล (-COOH) ด้วย



กรดน้ำดี มีสมบัติเป็น amphipathic ซึ่งหมายความว่ามีทั้งส่วนที่ละลายน้ำ และไม่ละลายน้ำ (หรือละลายในไขมันได้) จึงเป็นตัวเชื่อมหรือ emulsifying agent ให้ไขมันกับน้ำกระจายตัวในกันและกัน เพื่อให้ระบบของเอนไซม์ที่ย่อยถ่ายไขมันซึ่งละลายอยู่ในน้ำสามารถทำงานได้

สเตียรอยด์อื่นๆ (Other Steroids)

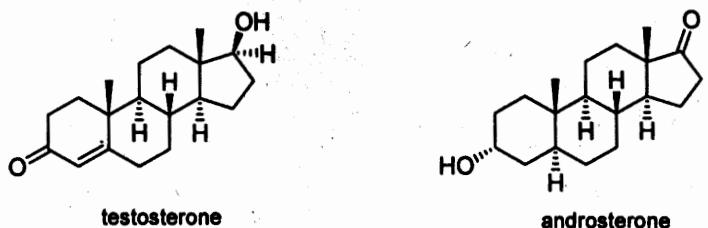
สเตียรอยด์สำคัญอื่นๆ เป็นฮอร์โมนจากต่อมไร้ท่อ ที่สำคัญได้แก่ ฮอร์โมนเพศ และ สเตียรอยด์ของรูมจากการเปลือกต่อมหมวกไต (adrenal cortical steroids)

ฮอร์โมนเพศหญิง มีสองชนิด คือ เอสโตรเจน (estrogen) และ โพรเจสทริน (progesterins)

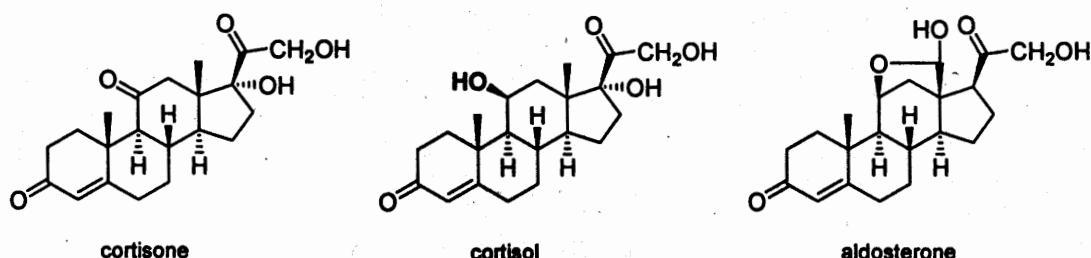
- Estradiol และ estrone เป็นเอสโตรเจน สังเคราะห์ที่รังไข่ หน้าที่ควบคุมรอบประจำเดือน
- Progesterone หรือ ฮอร์โมนการตั้งครรภ์ (pregnancy hormone) เป็นฮอร์โมนในการเตรียมการมีครรภ์ ทำหน้าที่เตรียมมดลูกสำหรับการผังตัวของไข่ที่ผสมแล้ว เป็นฮอร์โมนที่มีความสำคัญตลอดระยะเวลาการตั้งครรภ์



ฮอร์โมนเพศชาย ได้แก่ testosterone และ androsterone เป็นฮอร์โมนซึ่งสร้างที่อณฑะ ควบคุณการแสดงลักษณะเพศชาย

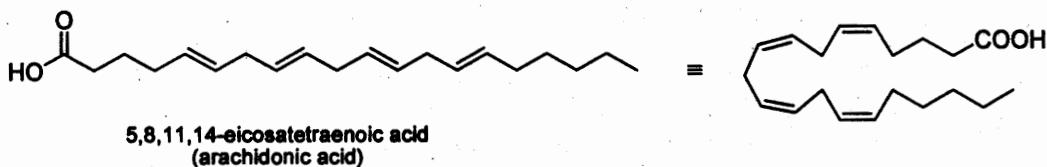


ฮอร์โมนจากเปลือกต่อมหมวกไต ได้แก่ cortisone, cortisol และ aldosterone ฮอร์โมนทั้งสามชนิดสังเคราะห์ที่เปลือกขั้นนอกของต่อมหมวกไต cortisone และ cortisol ทำหน้าที่ด้านอักเสบ และควบคุมกระบวนการสร้างและสลายสารโบไซเดรต ส่วน aldosterone ควบคุมความดันโลหิต และความเข้มข้นของ Na^+ และ K^+ ของข้องเหลวในร่างกาย

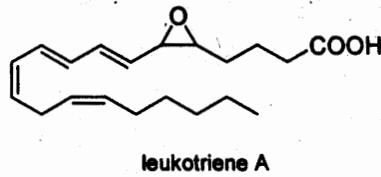
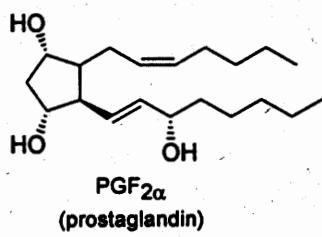


13.2.2.2 ไอโคชาโนอยด์ (Eicosanoid lipids)

ลิพิดชนิดนี้เป็นอนุพันธ์ของกรดไขมันจำเป็น arachidonic acid หรือ 5,8,11,14-eicosatetraenoic acid สารเหล่านี้จึงถูกจัดอยู่ในกลุ่ม ไอโคชาโนอยด์ (eicosanoids⁴) ซึ่งเป็นกลุ่มสารชีวภาพที่วงศ์ไวปฏิกิริยา มีقاربอน 20 อะค่อน ได้แก่ prostaglandins, thromboxanes และ leukotrienes เป็นกลุ่มสารที่มีผลเชิงชีวภาพหลากหลาย เช่น ลดการหลังน้ำย่อย กระตุ้นการเมบดัวของมดลูก ลดความดันโลหิต และเกี่ยวข้องกับการแข็งตัวของเลือด เป็นต้น



⁴ eico เป็นคำนำหน้าจากภาษากรีก หมายถึง 20



13.2.2.3 วิตามินที่ละลายในไขมัน

วิตามินเป็นสารอินทรีย์ที่ร่างกายต้องการในปริมาณเล็กน้อยเพื่อช่วยระบบเมแทบoliซึมในร่างกาย เนื่องจากร่างกายไม่สามารถสร้างสารเหล่านี้ได้จึงต้องได้รับจากอาหาร วิตามินแบ่งเป็นวิตามินที่ละลายน้ำ และที่ละลายในไขมัน

วิตามินที่ละลายในไขมันมี 4 ชนิด คือ A, D, E และ K วิตามินเหล่านี้ถูกกำจัดออกจากร่างกายไม่ง่ายนัก จึงไม่จำเป็นต้องได้รับทุกวัน ปริมาณที่เกินต้องการจะสมอยู่ในเซลล์ และถูกนำมายังร่างกายต้องการได้ ถ้าได้รับในปริมาณมากอาจสะสมจนถึงระดับเป็นพิษ

จากโครงสร้างข้างต้นจะเห็นว่าสารเหล่านี้มีความเกี่ยวข้องกับลิพิดมากกว่าเรื่องของการละลายในไขมัน กล่าวคือ วิตามิน A เป็นเทอร์พีน และวิตามิน E และ K มีเทอร์พีนโซ่อิยาต์อันส่วนที่เป็นแอโรเมติก และโครงสร้างของวิตามิน D ก็อาจอธิบายได้ว่าคล้ายสเตียรอยด์ที่มีวง B เปิดออก อีกสามวงที่เหลือไม่เปลี่ยน สำหรับสารเริ่มต้นของวิตามิน A เป็น บีตา-แคโรทีน ซึ่งเป็น tetraterpene และของวิตามิน D เป็นสเตียรอยด์ ergosterol

13.3 กรดอะมิโน เพปไทด์ และโปรตีน (Amino Acids, Peptides and Proteins)

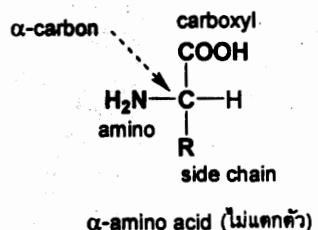
โปรตีน มาจากภาษากรีก *proteinos* หมายถึง *of first importance* หรือสำคัญที่สุด โปรตีนเป็นสารอินทรีย์ที่มีความสำคัญอย่างยิ่ง เป็นสารที่จำเป็นกับเซลล์ที่มีชีวิตทุกชนิด โปรตีนอาจอยู่ในรูปผิวหนัง เส้นผม ขนนก กระดูกอ่อน เส้นไหม กล้ามเนื้อ เอ็น ยีดเข้าด้วยกัน ป้องกันและทำหน้าที่ต่างๆ ในสิ่งมีชีวิต

อาจกล่าวได้ว่าโครงสร้างทางเคมีของโปรตีนมีแบบเดียว เป็นโพลิอะมิโนไซด์ (linear polyamides) เมื่อถูกแยกลายด้วยน้ำจะได้สารประเทกเดียว คือ กรดอะมิโน เมื่อเทียบกับการนำไปใช้เครตและลิพิดจะเห็นว่าโปรตีนมีส่วนประกอบพื้นฐานต่างกันไป ลิพิดส่วนใหญ่มีส่วนที่เป็นไฮโดรคาร์บอน มีการบอน 75-85% คาดนำไปใช้เครตมีอัตราเจนประมาณ 50% และทั้งคู่มีในโครงเจนไม่เกิน 5% ในทางกลับกันโปรตีนมีในโครงเจน 15-25% และมีอัตราเจนพอๆ กัน

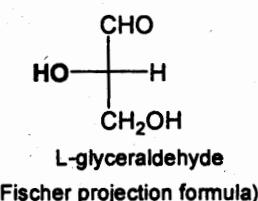
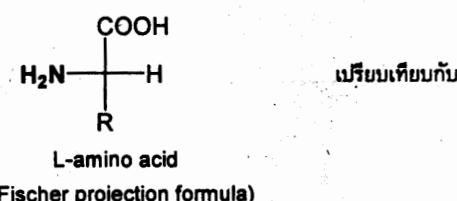
13.3.1 กรดแอลฟ่าอะมิโนในธรรมชาติ (Natural α -Amino Acids)

ลักษณะทั่วไป

1. กรดแอลฟ่าอะมิโนธรรมชาติที่พบในโปรตีน มี 20 ชนิด หมู่อะมิโน ($-\text{NH}_2$) สร้างพันธะกับคาร์บอนตำแหน่งแอลฟ่า ($\alpha\text{-C}$) ของหมู่คาร์บอキซิล ($-\text{COOH}$) จึงเรียกว่า α -amino acids

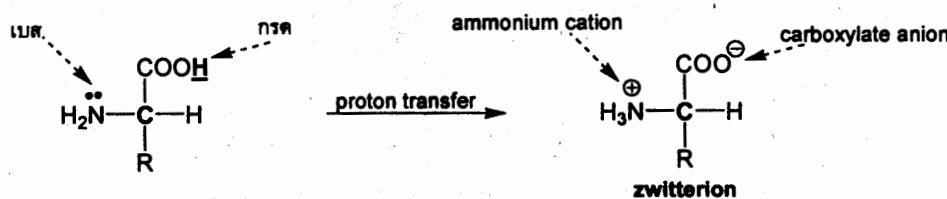


2. โครงสร้างต่างกันที่หมู่ R กรดอะมิโนที่เล็กที่สุดคือ ไอกลีน (glycine; R = H) กรดอะมิโนอื่นๆ $R \neq H$ คาร์บอนตำแหน่งแอลฟ่าเป็นไครลิคาร์บอน และมีการจัดตัวในสามมิติเหมือนกัน เมื่อเขียนโครงสร้างแบบฟิ舍อร์ โดยหมู่คาร์บอキซิลอยู่ด้านบน จะเป็นกรดอะมิโนแบบ L (L-amino acids) ทุกดัว โครงสร้างที่เป็น D-amino acids พบริธรรมชาติน้อยมาก

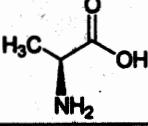
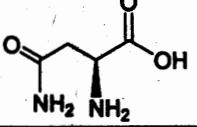
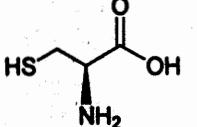
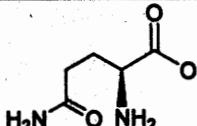
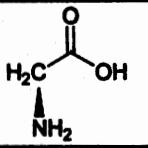
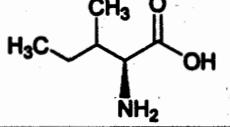
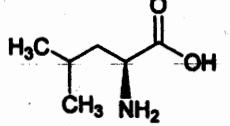
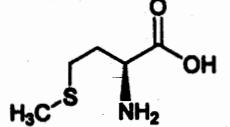
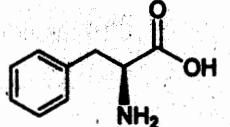
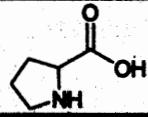


และเมื่อถูกการจัดอะตอมที่แท้จริงในที่ว่าง 3 มิติ จะพบว่ากรดอะมิโนธรรมชาติเหล่านี้ มีการจัดตัวแบบ S ยกเว้นซิสเทอีน (cysteine)

3. กรดอะมิโนทุกชนิดเป็นอะมีนชนิดปฐมภูมิ (1° amine) ยกเว้นไพรลีน (proline)
4. กรดอะมิโนธรรมชาติที่เป็นกลางจะอยู่ในรูปเป็นประจุ หมู่ฟังก์ชันทั้งหมู่กรด ($-\text{COOH}$) และหมู่เบส ($-\text{NH}_2$) เกิดการถ่ายโอนโปรตอนระหว่างกันให้ไอออนข้าวคู่ (dipolar ion) มีทั้งประจุบวกและประจุลบ เรียกว่า zwitterion



ตารางที่ 13.3 โครงสร้างกรดอะมิโนในธรรมชาติทั้ง 20 ชนิด และรหัสอักษรย่อ

ชื่อ	โครงสร้าง	รหัสอักษรย่อ
กรดอะมิโนในที่เป็นกลาง		
Alanine		Ala หรือ A
Asparagine		Asn หรือ N
Cysteine		Cys หรือ C
Glutamine		Gln หรือ Q
Glycine		Gly หรือ G
Isoleucine		Ile หรือ I
Leucine		Leu หรือ L
Methionine		Met หรือ M
Phenylalanine		Phe หรือ F
Proline		Pro หรือ P

Serine		Ser หรือ S
Threonine		Thr หรือ T
Tryptophan		Trp หรือ W
Tyrosine		Tyr หรือ Y
valine		Val หรือ V

กรดอะมิโนที่เป็นกรด

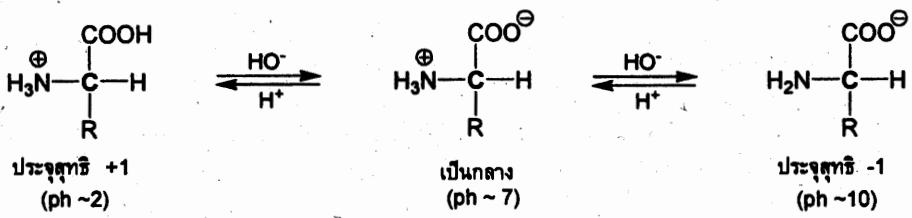
Aspartic acid		Asp หรือ D
Glutamic acid		Glu หรือ E

กรดอะมิโนที่เป็นบส

Arginine		Arg หรือ R
Histidine		His หรือ H
Lysine		Lys หรือ K

5. Isoelectric point

กรดอะมิโนมีสภาพเป็นไฮอ่อนแบบต่างๆ หลายแบบ สำหรับกรดอะมิโนที่เป็นกลาง อาจมีประจุสุทธิเป็น +1, 0 หรือ -1 ขึ้นกับ pH ของสารละลายที่ละลายอยู่



Isoelectric point หรือ pI เป็น pH ของสารละลายกรดอะมิโนในน้ำ ซึ่งไม่เลกูล่า ที่ในน้ำมีประจุสุทธิเป็นศูนย์ ประจุบวกดูลด้อยกับประจุลบ ที่จุดนี้การละลายของกรดอะมิโนจะดำเนินต่อไปอย่างต่อเนื่อง หรือสูงกว่านี้ การละลายจะเริ่มช้าลง เพราะอยู่ในรูปเด็กดัวเป็นไฮอ่อน (ที่ pH ต่ำ หมู่คาร์บอออกซิเดตและหมู่อะมิโนรับโปรตอน ทำให้ไม่เลกูลมีประจุสุทธิเป็น +1 และที่ pH สูงๆ หมู่อะมิโนอยู่ในรูปเบสและหมู่กรดเด็กดัว ประจุสุทธิเป็น -1)

โดยทั่วไป pI ของกรดอะมิโนที่เป็นกลาง เป็นค่าเฉลี่ยค่าเด็กดัวคงที่ของหมู่ $-\text{COOH}$ และ $-\text{NH}_3^+$

$$\text{Isoelectric point} = \frac{pK_a(\text{COOH}) + pK_a(\text{NH}_3^+)}{2}$$

6. กรดอะมิโนที่เป็นกรดและการละลายที่เป็นแบบส

กรดอะมิโนบางชนิดมีหมู่คาร์บอออกซิลหมู่ที่สอง เมื่อละลายน้ำหมู่คาร์บอออกซิลหมู่ที่สอง แตกตัวให้โปรตอนได้ จึงมีสมบัติเป็นกรด (acidic α -amino acids)

ส่วนกรดอะมิโนที่เป็นแบบสจะมีหมู่อะมิโนเพิ่มจากเดิมอีกหนึ่งหมู่ เมื่อละลายน้ำจะมีสมบัติเป็นเบส รับโปรตอนจากน้ำและกล้ายเป็นประจุบวกได้

ค่า pI ของกรดอะมิโนเหล่านี้ได้จากค่าเฉลี่ยของค่าเด็กดัวคงที่ของหมู่กรดที่แตกตัวได้ ซึ่งเป็นหมู่ที่ลักษณะคล้ายกัน เช่น aspartic acid

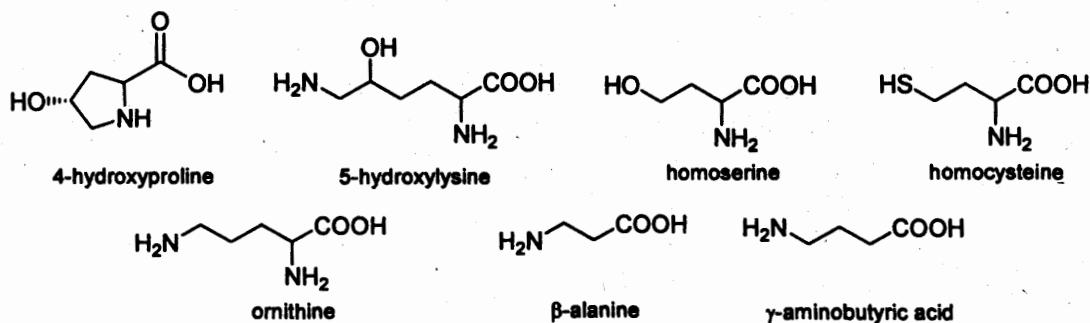
$$pI = (pK_a^1 + pK_a^3)/2 = (2.1 + 3.86)/2 = 2.98$$

ตารางที่ 13.4 ค่าแทกตัวคงที่ของหมุนฟังก์ชันที่แทรกตัวได้และค่า pI ของการแอลฟ่า-อะมิโน ทั้ง 20 ชนิด

กรดอะมิโน	$\alpha\text{-COOH}$ pK_a^1	$\alpha\text{-NH}_3^+$ pK_a^2	Side chain functional group pK_a^3	pI
Alanine	2.35	9.87	—	6.11
Arginine	2.01	9.04	12.48	10.76
Asparagine	2.02	8.80	—	5.41
Aspartic acid	2.10	9.82	3.86	2.98
Cysteine	2.05	10.25	8.00	5.02
Glutamic acid	2.10	9.47	4.07	3.08
Glutamine	2.17	9.13	—	5.65
Glycine	2.35	9.78	—	6.06
Histidine	1.77	9.18	6.10	7.64
Isoleucine	2.32	9.76	—	6.04
Leucine	2.33	9.74	—	6.04
Lysine	2.18	8.95	10.53	9.74
Methionine	2.28	9.21	—	5.74
Phenylalanine	2.58	9.24	—	5.91
Proline	2.00	10.00	—	6.30
Serine	2.21	9.15	—	5.68
Threonine	2.09	9.10	—	5.60
Tryptophan	2.38	9.39	—	5.88
Tyrosine	2.20	9.11	10.07	5.63
Valine	2.29	9.72	—	6.00

13.3.2 กรดอะมิโนธรรมชาติอื่น ๆ (Other Natural Amino Acids)

การแอลฟ่า-อะมิโน 20 ชนิดข้างต้นเป็นองค์ประกอบหลักของโปรตีน การรวมตัวเข้าด้วยกันเป็นโปรตีนควบคุมโดยรหัสพันธุกรรม กรดอะมิโนนอกเหนือจากนี้มีหลายชนิด ได้แก่



กรดเหล่านี้บางชนิดเป็นอนุพันธ์ของกรดแอกฟ้าอะมิโน เช่น 5-hydroxylysine และ 4-hydroxyproline ซึ่งพบได้เฉพาะที่ในปรตินคอลลาเจน (collagen protein); homoserine และ homocysteine อยู่ในกลุ่มชุดโครงสร้างกรดที่ซื้อเหมือนกัน; β -alanine ซึ่งมีหมู่อะมิโนที่ปลายใช้เป็นส่วนหนึ่งในโครงสร้างของกรด pantothenic หรือวิตามิน B₅ ซึ่งจำเป็นในการสร้าง acetyl coenzyme A และ γ -aminobutyric acid (GABA) เป็นสารส่งกระเพาะประสาทชนิดยับยั้งในระบบประสาทส่วนกลาง

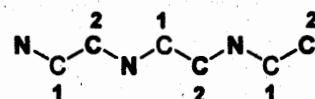
13.3.3 เพปไทด์ และโปรตีน (Peptides and Proteins)

เมื่อกรดอะมิโนหลายโมเลกุลเข้ามาร่วมกันเป็นโซ่อ่อน ด้วยส่วนเชื่อมที่เป็นพันธะอะไมด์ ซึ่งเกิดระหว่างหมู่คาร์บอคิลของกรดตัวหนึ่ง กับหมู่อะมิโนของอีกด้วยหนึ่ง เกิดโมเลกุลขนาดใหญ่เรียกว่า เพปไทด์ ส่วนเชื่อมพันธะอะไมด์นี้จึงเรียกว่า พันธะเพปไทด์ (peptide bonds) และการ結合อะมิโนแต่ละตัวในโมเลกุลเหล่านี้เรียกว่า หน่วย (peptid) หรือเรสิดู (residue)

เพปไทด์ที่เกิดจากการ結合อะมิโน 2, 3 หน่วย, มากกว่านี้เล็กน้อย (4–10 หน่วย) หรือจำนวนมาก ๆ เรียกว่า ไดเพปไทด์ (dipeptide) ไทรเพปไทด์ (tripeptide) โอลิโกเพปไทด์ (oligopeptide) และพอลิเพปไทด์ (polypeptide) ตามลำดับ ส่วนโปรตีนเป็นคำที่ใช้กับพอลิเมอร์ที่ประกอบด้วยการ結合อะมิโนเกิน 40 หน่วย มีน้ำหนักโมเลกุลสูง ๆ 6,000–40,000,000 อาจเป็นโซ่อคอมเพปไทด์ หนึ่งสายหรือมากกว่านั้น

พอลิเพปไทด์ เป็นพอลิเมอร์ใช้ตรง ปลายด้านหนึ่งเป็นมีหมู่ $-\text{NH}_3^+$ อิสระ เรียกปลายด้าน N (N-terminal) ซึ่งจะเขียนไว้ทางซ้าย และอีกปลายหนึ่งของโซ่อคอมเพปไทด์ด้าน C (C-terminal) มีหมู่ $-\text{CO}_2^-$ ซึ่งเขียนไว้ทางขวา

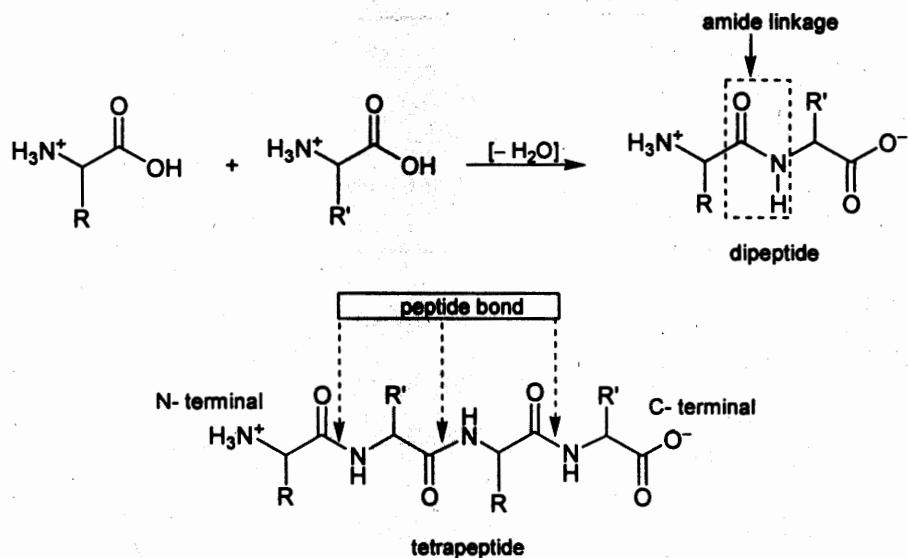
การเขียนสายเพปไทด์อาจเขียนแบบหลักของโซ่อคอมเพปไทด์ที่มีหนวยย่อยซ้ำกัน ดังนี้



เมื่อ N คือ หมู่อะมิโน

C1 คือ α -C ซึ่งจะสร้างพันธะกับ H และหมู่ R

C2 คือ หมู่คาร์บอคิล



รูปที่ 13.10 โครงสร้างของไคเพปไทด์, เทตрапепปไทด์ และพันธะเพปไทด์ในโครงสร้างเหล่านี้

การเรียกการ結合อะมิโนในโซนเพปไทด์ให้รหัสย่อ-อักษรสามตัวหรือห้าตัว เรียงจากปลายด้าน N ไปยังปลายด้าน C ด้วยอย่างเช่น กซูตาไกโอน (glutathione) และแบรดีไคnin (bradykinin)

กซูตาไกโอน พบในเซลล์สิ่งมีชีวิต ทำหน้าที่เป็นตัวรีติวส์ชีวภาพ เป็นไทรเพปไทด์ ประกอบด้วยการ結合อะมิโน 3 หน่วย γ -Glu-Cys-Gly หรือ γ -ECG (ใช้หมู่คาร์บอฟิลที่ตำแหน่ง แคมนาของกรดกซูตามิกสร้างพันธะเพปไทด์) ส่วนแบรดีไคnin เป็นเพปไทด์ซอร์ไมน ประกอบด้วยการ結合อะมิโน 9 หน่วย (nonapeptide) Arg-Pro-Pro-Gly-Phe-Ser-Pro-Phe-Arg หรือ RPPGFSPFR

13.3.4 ประเภทของโปรตีน (Classification of Proteins)

โปรตีนอาจแบ่งออกได้ตามองค์ประกอบทางเคมี รูปร่าง หรือหน้าที่ เช่น แบ่งเป็น โปรตีนเชิงเดียว (simple proteins) และโปรตีนควบคู่ (conjugated proteins) ตามองค์ประกอบทางเคมีที่มีร่วมด้วย โปรตีนเชิงเดียวเป็นโปรตีนที่เมื่อแยกสลายด้วยน้ำแล้วจะได้เฉพาะการ結合อะมิโน เช่น แอลบูมิน อินซูลิน oxytocin และ bradykinin ส่วนโปรตีนควบคู่จะสร้างพันธะร่วมกับสารอื่นที่ไม่ใช่โปรตีน (prosthetic group) เช่น น้ำตาล กรณีวิตามิน และลิพิด (ตารางที่ 13.5)

ตารางที่ 13.5 โปรตีนความคุ่มวงชนิดและตัวอย่าง

โปรตีนควบคู่	Prosthetic group	ตัวอย่าง
Glycoproteins	คาร์โนบอไซเดต	γ -globulin, interferon
Nucleoproteins	กรดnicวิคลิอิก	ribosomes
Lipoproteins	ไขมัน, คอเลสเทอรอล	High-density lipoproteins
Metalloproteins	โลหะเชิงซ้อน	Hemoglobin, cytochrome

นอกจากนี้อาจแบ่งโปรตีนตามลักษณะและคุณสมบัติ ดังนี้

โปรตีนเส้นใย (fibrous proteins) ซึ่งโปรตีนจะเรียงขนาดกันเป็นเส้นยาวเป็นสายยึดกันด้วยพันธะไฮโดรเจน เนื่องจาก มักไม่ละลายน้ำ ไม่ค่อยเปลี่ยนแปลงเมื่ออุณหภูมิ หรือ pH เปลี่ยน เป็นโปรตีนโครงสร้าง ได้แก่

- α -keratin เป็นโปรตีนในเส้นผม ขนนก เข้าสัตว์ เล็บ กีบเท้า
- คอลลาเจนและ elastins เป็นโปรตีนของเนื้อเยื่อเกี่ยวพัน; เอ็น
- fibronect เป็นโปรตีนที่เกิดเมื่อเลือดแข็งตัว

โปรตีนก้อนกลม (globular proteins) ซึ่งโปรตีนจะม้วนตัวเป็นก้อน โดยหันส่วนที่ไม่ชอบน้ำเข้าด้านในและส่วนที่มีข้าวหันออกสู่ด้านนอก จึงมักละลายน้ำหรือแขวนลอยในน้ำได้ รองไว้ต่อการเปลี่ยนแปลงอุณหภูมิและ pH มากกว่าโปรตีนเส้นใย ทำหน้าที่ควบคุม สนับสนุน เร่งปฏิกิริยา เช่น เอนไซม์ เพปไทด์ชอร์โมน แอนติบอดี้ และโปรตีนขนสั่ง

13.3.5 โครงสร้างของโปรตีน (Protein Structures)

โครงสร้างโปรตีนแบ่งเป็น 4 ระดับ ดังนี้

13.3.5.1 โครงสร้างประ絮ภูมิ (Primary Structure of Proteins)

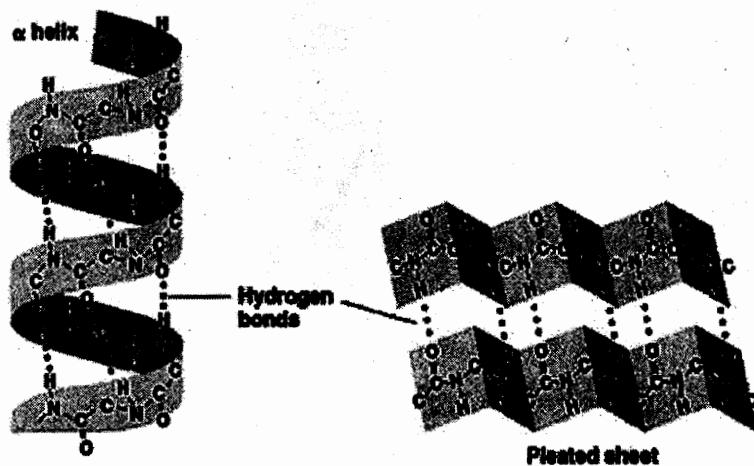
เป็นโครงสร้างพื้นฐานของอะมิโนที่เชื่อมกันโดยพันธะเพปไทด์ อาจเขียนโดยใช้รหัสย่อ หรือตามรูป 13.10 ซึ่งการหมุนพันธะ C-N เกิดยาก และพันธะ N-H และ C=O ในเพปไทด์แต่ละพันธะจะอยู่ตรงข้ามทำมุมห่างกัน 180°

13.3.5.2 โครงสร้างทุดิยภูมิ (Secondary Structure of Proteins)

เป็นโครงรูปที่เกิดจากการม้วนพับเฉพาะบริเวณของโปรตีน เนื่องจากปฏิกิริยาระหว่าง กันของหมุนฟังก์ชันในโปรตีน โดยเฉพาะพันธะไฮโดรเจนระหว่างโปรตอนจาก N-H ของ อะมิโนที่หมุนนั้น กับออกซิเจนของ C=O จากอิกที่หนึ่ง โดยเกิดภายในโซเดียวกัน หรือกับโซเดียมที่เกิดโครงรูป 2 แบบ คือ แบบเกลียวแอลฟ่า (α -helix) และแผ่นหยักแบบบีตา (β -pleated sheet)



รูปที่ 13.11 โครงสร้างปฐมภูมิ แสดงลำดับของกรดอะมิโน ปลายด้าน N และด้าน C ในสายพอลิเพปไทด์⁵



รูปที่ 13.12 โครงสร้างทุติยภูมิแบบเกลียวและพาน (ซ้าย) และแผ่นหยักแบบบีตา (ขวา)⁶

13.3.5.3 โครงสร้างตertiary (Tertiary Structure of Proteins)

โปรตีนอาจจะมีโครงสร้างทุติยภูมิเหมือนกันตลอดทั้งสายหรือไม่ก็ได้ กล่าวคือบางส่วนอาจเป็นแบบเกลียวและพาน ขณะที่ส่วนอื่นเป็นแผ่นหยักแบบบีตา หรือมีความตัวอย่างไม่มีระเบียบ (random coil) โครงสร้างตertiary เป็นโครงรูปสามมิติเฉพาะตัวของโมเลกุลโปรตีนทั้งโมเลกุล ทำให้โมเลกุลโปรตีนคงรูป เกี่ยวข้องกับแรงหรือพันธะในโปรตีน ซึ่งได้แก่ พันธะไฮโดรเจน แรงดึงดูดแบบไฟฟ้าสถิตย์ แรงระหว่างส่วนที่ไม่ชอบน้ำ (hydrophobic force) และพันธะไดซัลไฟร์ด (S-S; disulfide bond)

⁵ รูปจาก <http://wiz2.pharm.wayne.edu/biochem/prot.html>

⁶ รูปจาก <http://webschoolsolutions.com/biotech/macro.htm>

13.3.5.4 โครงสร้างจุดที่ 4 (Quaternary Structure of Proteins)

หมายถึงโครงสร้างที่เกิดจากการรวมตัวกันของโครงสร้างดีบุคคลิกของโปรตีนตั้งแต่สองสายขึ้นไปให้เป็นหนึ่งเดียวที่ได้อย่างสมบูรณ์ (โปรตีนทุกชนิดไม่จำเป็นต้องมีโครงสร้างเช่นนี้) เช่น ไขมันโกลบิน ซึ่งทำหน้าที่เป็นคัวพารอกซิเจน ประกอบด้วยโครงสร้างดีบุคคลิกของโปรตีน 4 สาย ที่ประกอบเข้าด้วยกันเป็นก้อนโปรตีน

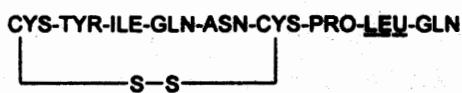


รูปที่ 13.13 แบบจำลองโครงสร้างดีบุคคลิก (ซ้าย) และจุดที่ 4 (ขวา)⁷
(ภาพถูกครุฑ์นายถึงโครงสร้างแห่งหัวใจแบบนี้ค่า)

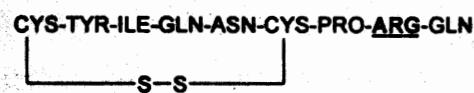
13.3.6 โครงสร้างและหน้าที่ของเอนไซม์

1. Oxytocin และ vasopressin

เป็นเอนไซม์หรือโมนที่มีสมบัติเชิงชีวภาพต่างกัน โดยที่โครงสร้างคล้ายกันมาก ต่างกันที่กรดอะมิโนลำดับที่ 8 เพียงหน่วยเดียว คือใน oxytocin เป็น LEU ขณะที่ vasopressin เป็น ARG oxytocin เป็นตัวกระตุ้นการบีบตัวของกล้ามเนื้อเรียบมดลูก และกระตุ้นการหลั่งน้ำนม ส่วน vasopressin หรือ antidiuretic hormone ไม่มีผลกับกล้ามเนื้อเรียบของมดลูก แต่ควบคุมการดูดซึมน้ำกลับที่ท่อไตตอนปลาย และมีผลกับความดันโลหิต



oxytocin



vasopressin

2. อินซูลิน และกลูตาการอน (glucagons)

อินซูลิน เป็นเอนไซม์หรือโมนที่สร้างโดยบีต้าเซลล์ของ Islet of Langerhans ในตับอ่อน เป็นโปรตีน 2 สาย มีกรดอะมิโน 51 หน่วย มีพันธะไคซอลไฟฟ์ (S-S) เชื่อมระหว่างสาย 3

⁷ รูปจาก <http://wiz2.pharm.wayne.edu/biochem/prot.html>

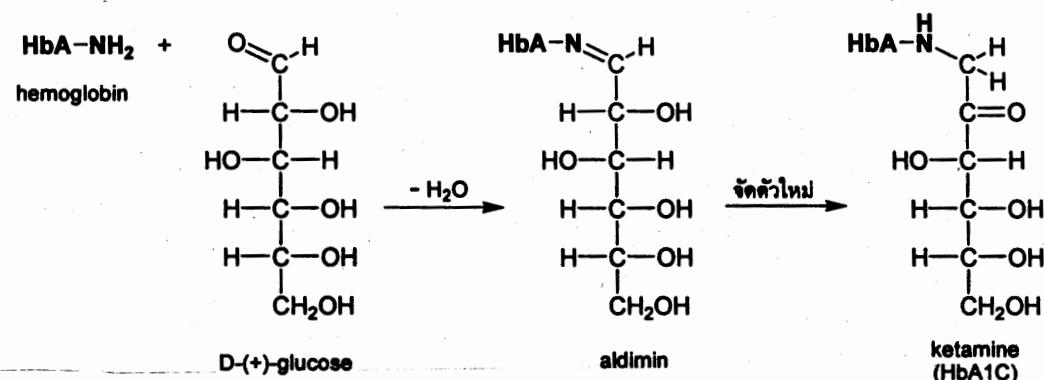
พันธะ หน้าที่สำคัญของอินซูลิน ได้แก่ กระตุ้นการสลายกลูโคส กระตุ้นการสร้างไกลโคเจน เร่ง อัตราการสังเคราะห์กรดไขมัน และลดระดับกลูโคสในเลือด เป็นต้น

กลูคากอน เป็นเพปไทด์ชอร์โนนที่สร้างโดยแอลฟ่าเซลล์ของ Islet of Langerhans เป็นเพปไทด์สายเดียว มีกรดอะมิโน 29 หน่วย และผลเชิงซึ่วภาพตรงข้ามกับอินซูลิน

3. ฮีโมโกลบิน

Hemoglobin A (HbA) ประกอบด้วยหน่วยย่อยที่เป็นโซ่ออโลพีปไทด์ 4 สาย เป็นชนิด แอลฟ่า 2 สาย และบีตา 2 สาย หน่วยย่อยแต่ละหน่วยมีชื่อ (heme) เป็น prosthetic group และ มีบริเวณรวมตัวเฉพาะของออกซิเจน HbA แต่ละโมเลกุลจึงเป็นตัวพาออกซิเจนได้ถึง 4 โมเลกุล

ฮีโมโกลบินอาจอยู่ในรูปที่รวมกับกลูโคสได้ ในรูป HbA1C ซึ่งเกิดจากปฏิกัดด้าน N ของ HbA ทำปฏิกิริยากับหมู่кар์บอนิลของกลูโคส ค่าของ HbA1C บอกระดับน้ำตาลเฉลี่ยในเลือดตลอด 24 ชั่วโมงย้อนหลังไปได้ 3 เดือน ปกติเป็น 3-5% ในผู้ที่เป็นเบาหวานและควบคุมน้ำตาลในเลือดได้ไม่ดีตัวเลขอาจขึ้นสูง 6-15% จึงใช้ค่าของ HbA1C ติดตามปริมาณน้ำตาลเฉลี่ยสะสมในคนที่เป็นเบาหวานได้



13.3.7 การเปลี่ยนสภาพธรรมชาติของโปรตีน (Protein Denaturation)

โครงรูปธรรมชาติของโปรตีนอาจเปลี่ยนได้ สมบัติเชิงชีวภาพอาจเปลี่ยนแปลงหรือถูกทำลายด้วยวิธีต่างๆ โดยที่โครงสร้างแบบปฐมภูมิไม่ถูกทำลาย การเปลี่ยนแปลงทำได้ทั้งทางกายภาพและทางเคมี อาจทำเพื่อการแยกและทำให้โปรตีนบริสุทธิ์ เช่น โปรตีนชนิดก้อนกลม หล่ายชนิดตกตะกอนถ้า pH ของสารละลาย ตรงกับ pH ของโปรตีน หรือใช้ กรด trichloroacetic acid เพื่อตกตะกอน หรือใช้สารเรติคิลเพื่อกำจัดพันธะไคซัลไฟด์ หลังจากการเสียสภาพโปรตีนบางชนิดอาจกลับคืนสู่โครงสร้างธรรมชาติได้ถ้าใช้สภาวะเหมาะสม แต่ในสภาวะรุนแรง เช่นการใช้ความร้อน การเสียสภาพธรรมชาติจะเกิดอย่างถาวร

ตารางที่ 13.6 ตัวอย่างการเปลี่ยนสภาพธรรมชาติของโปรตีน

วิธีเปลี่ยนสภาพ	กลไกการเปลี่ยนแปลง	ตัวอย่าง
ความร้อน	ทำลายพันธะไฮด्रอเจน	ไข่ขาวแข็งตัวเมื่อได้รับความร้อน
รังสีอัลตราไวโอเลต	คลายความร้อน	อาการไหม้แดด
กรดแก่ หรือเบสแก่	เกิดเกลือ, ทำลายพันธะไฮด्रอเจน	ผิวหนังพองใหม่, โปรตีนแตกหัก
สารละลายญูเรีย	พันธะไฮด्रอเจนถูกทำลาย	โปรตีนที่ละลายน้ำตกหัก
ตัวทำละลายอินทรีย์บางชนิด (เช่น เอทานอล, อะซีโทน)	การเปลี่ยนค่า dielectric constant ทำให้การละลายลดลง	การทำลายเชื้อ, โปรตีนแตกหัก
การตีปั๊น	ทำลายพันธะไฮด्रอเจน	ตีไข่ขาวให้ขึ้นแข็ง

13.4 การนิวเคลอิก (Nucleic Acids)

การนิวเคลอิก เป็นพอลิเมอร์ชีวภาพ (biopolymer) ประกอบด้วยหน่วยย่อยนิวเคลอไรท์ (nucleotide) เชื่อมต่อกัน นิวเคลอไรท์เป็นโมเลกุลที่มี C, H, N, O และ P เป็นองค์ประกอบ แต่ละหน่วยมี 3 ส่วน คือ เบสในโครงสร้าง (nitrogen containing base) น้ำตาลที่มีคาร์บอน 5 อะตอม หรือเพนโทส และหมู่ฟอสเฟตซึ่งมีประจุลบ

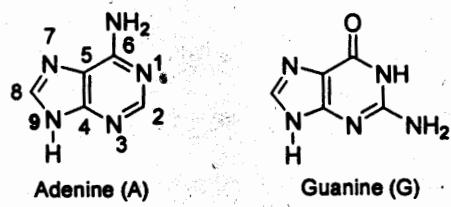
การนิวเคลอิกมีสองชนิด คือ DNA หรือการดีออกซีไรโนนิวเคลอิก (deoxyribonucleic acid) และ RNA หรือการไดโนนิวเคลอิก (ribonucleic acid) DNA เป็นการนิวเคลอิกที่มีน้ำหนักโมเลกุลสูง ส่วนใหญ่พบในนิวเคลียสของเซลล์ ในทางตรงข้าม RNA มีน้ำหนักโมเลกุลน้อยกว่า แต่เป็นการนิวเคลอิกที่มีมากมาย กระจายทั่วไปในเซลล์ ส่วนมากอยู่ในRNA หรือซีอีเอช มี 3 ชนิด คือ rRNA (ribosomal RNA) ซึ่งมีมากที่สุด อีกสองชนิดซึ่งมีน้อยกว่าคือ mRNA (messenger RNA) และ tRNA (transfer RNA)

13.4.1 องค์ประกอบในการนิวเคลอิก (Nucleic acid Components)

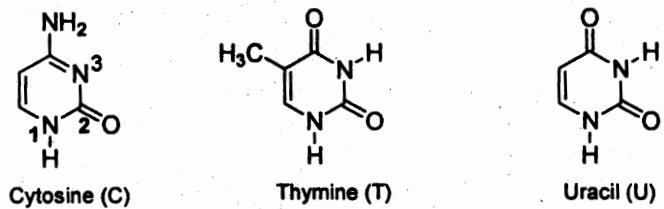
13.4.1.1 เบสในโครงสร้าง (Nitrogenous Bases)

เบสในโครงสร้างในนิวเคลอไรท์มีสองประเภท คือ

- เบสเพียริน (purines) มีวงแหวนสองวงเชื่อมกัน โครงสร้างของวงแหวนราวน์ เบสที่เป็นส่วนประกอบในการนิวเคลอิก คือ อะเดนีน (adenine) และกัวนีน (guanine)

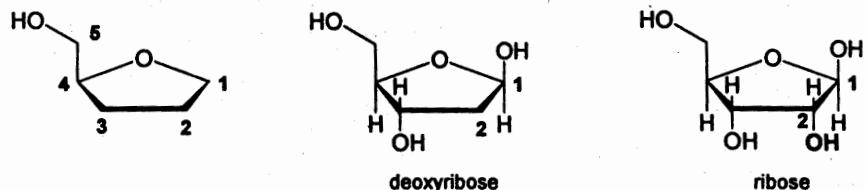


2. เบสไพริมิดิน (pyrimidines) เป็นวงศ์เดียว ที่เป็นส่วนประกอบในการนิวคลีอิก มี 3 ชนิด คือ ไซโโทซีน (cytosine) ไทมีน (thymine) และยูราซิล (uracil)



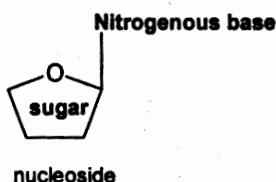
13.4.1.2 น้ำตาล (Sugars)

น้ำตาลในการนิวคลีอิก RNA คือ ไรโนส และใน DNA คือดีอกซีไรโนส ทั้งคู่เป็นน้ำตาล 5 อะตอมและเป็นน้ำตาลแอลโอดส มีโครงสร้างวงปิดแบบวงแหวน 5 อะตอม (furanose) น้ำตาล ทั้งสองชนิดมีโครงสร้างต่างกัน คือดีอกซีไรโนส ไม่มีหมู่ OH ที่ตำแหน่งที่ 2 ของวง



13.4.2 นิวคลีโอไซด์ (Nucleosides)

นิวคลีโอไซด์ (Nucleosides) ได้จากปฏิกิริยาระหว่างเบสเพียริน หรือไพริมิดินกับ น้ำตาลไรโนส หรือน้ำตาลดีอกซีไรโนส ซึ่งเป็นสารประเภท N-ไกลโคลไซด์ การเชื่อมกันเกิด ระหว่างเบสในโครงสร้าง กับแอลกอฮอล์ของน้ำตาล



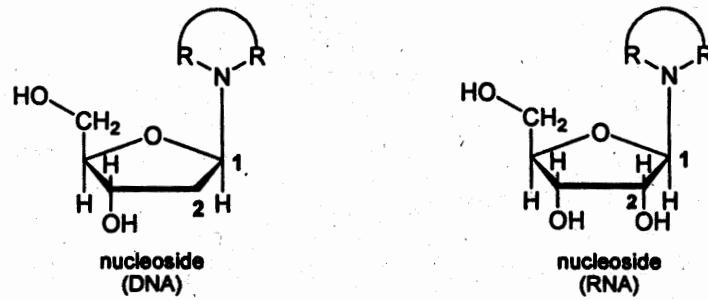
ทั้ง DNA และ RNA ประกอบด้วยนิวคลีโอไซด์ซึ่งส่วนประกอบคล้ายกัน น้ำตาลใน RNA เป็นน้ำตาลไรโนส ส่วน DNA เป็นน้ำตาลดีอกซีไรโนส จึงเป็นที่มาของชื่อ Ribonucleic acid และ Deoxyribonucleic acid ตามลำดับ

- เบสในโตรเจนที่พบหงใน DNA และ RNA มี 3 ชนิดคือ อะดีนีน กัวเนิน และไซโทรเซ็น
- เบสในโตรเจนที่มีเฉพาะใน DNA คือ ไทมีน
- และเบสในโตรเจนที่มีเฉพาะใน RNA คือ ยูราซิล

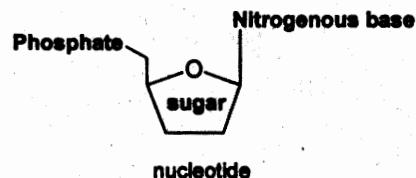
ตารางที่ 13.7 ความเกี่ยวข้องระหว่างเบสในโตรเจน น้ำตาล นิวคลีโอไทด์ และกรุณิวคลีอิก

เบส	อักษรย่อ	น้ำตาล	นิวคลีโอไทด์	กรุณิวคลีอิก
Adenine	A	deoxyribose	deoxyadenosine	DNA
		ribose	adenosine	RNA
Guanine	G	deoxyribose	deoxyguanosine	DNA
		ribose	guanosine	RNA
Cytosine	C	deoxyribose	deoxycytidine	DNA
		ribose	cytidine	RNA
Thymine	T	deoxyribose	Deoxythymidine (thymidine)	DNA
Uracil	U	ribose	uridine	RNA

- ในโครงสร้างของนิวคลีโอไทด์ แอลโโนเมอริกการ์บอน (C1) จากรวนน้ำตาลเชื่อมกับ N1 ของเบสไพริมิดิน หรือ N9 ของเบสเพียร์วิน
- เบสในโตรเจนและ หมู่ $-\text{CH}_2\text{OH}$ อยู่ด้านเดียวกันของวง furanose

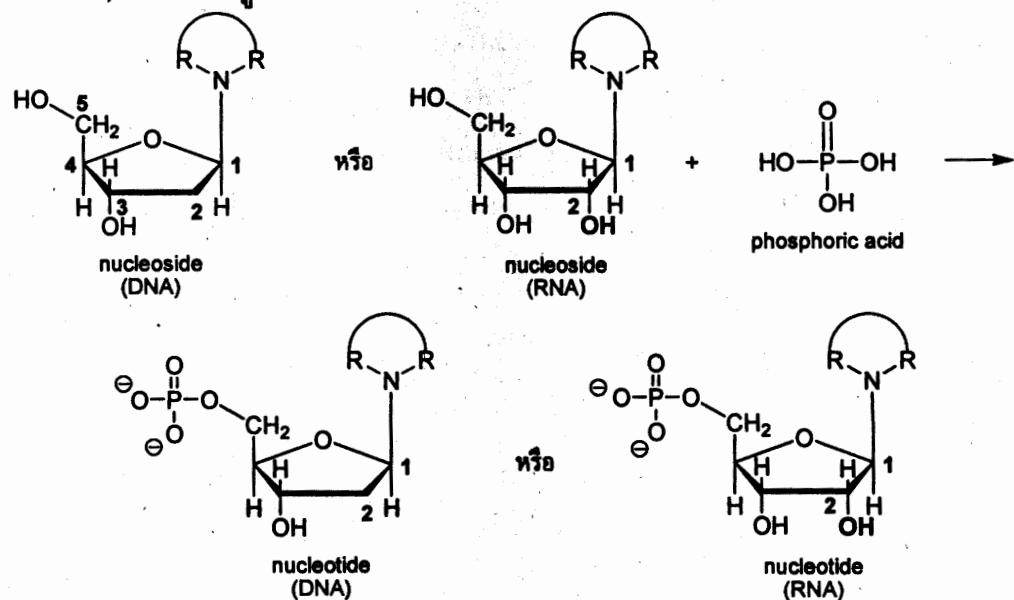


13.4.3 นิวคลีโอไทด์ (Nucleotides)



นิวคลีโอไทด์ เป็นหน่วยย่อยพื้นฐานของกรุณิวคลีอิก เป็นเอสเทอร์ของกรุณิวฟอสฟอริก กับนิวคลีโอไทด์ ได้หมู่ฟอสเฟตอสเทอร์ที่ C5 ของน้ำตาล ซึ่งอาจมี 1 หรือ 2 หรือ 3 หมู่ ต่อกัน

ด้วยพันธะฟอสโฟแอนไฮไดร์ด (phosphoanhydride bond) หรือพันธะไฟโรฟอสเฟต (pyrophosphate bond) ระหว่างหมู่ฟอสเฟตกันเอง



การเรียกนิวคลีโอไทด์

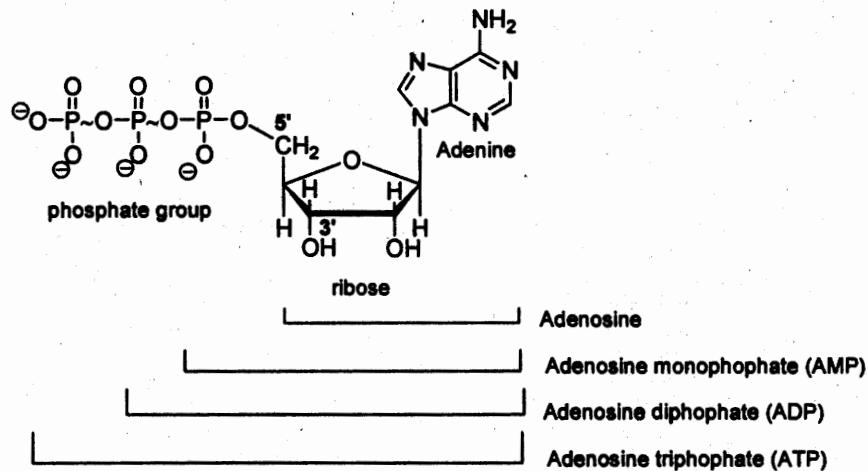
การเรียกนิวคลีโอไทด์จะเรียกตามนิวคลีโอไซด์ ซึ่งเป็นนิวคลีโอไทด์ที่ไม่มีหมู่ฟอสเฟต (มีเฉพาะเบสในโครงสร้างและน้ำตาลเพนโทส) เช่น นิวคลีโอไทด์ที่มีฟอสเฟต 1 หมู่ เรียก มองอนิวคลีโอไทด์ (mononucleotide) หรือ นิวคลีโอไซด์มอนอฟอสเฟต (nucleoside monophosphate) เป็นต้น ดังตัวอย่างในตาราง 13.8

ตารางที่ 13.8 ชื่อนิวคลีโอไซด์และนิวคลีโอไซด์ฟอสเฟตบางชนิดที่พบในเซลล์

เบส	นิวคลีโอไซด์	Nucleoside monophosphate	Nucleoside diphosphate	Nucleoside triphosphate	Cyclic nucleoside
Adenine	Adenosine	AMP	ADP	ATP	cAMP
Guanine	Guanosine	GMP	GDP	GTP	cGMP
Cytosine	Cytidine	CMP	CDP	CTP	
Uracil	Uridine	UMP	UDP	UTP	
Thymine	Thymidine	TMP	TDP	TPP	

นิวคลีโอไซด์ฟอสเฟต (Nucleoside Phosphates)

นิวคลีโอไซด์ฟอสเฟต ที่สำคัญที่สุดคือ adenosine triphosphate หรือ ATP ซึ่งมีพันธะฟอสโฟเน昂ไฮไดร์ต เชื่อมฟอสเฟตหมู่ที่สองและสามกับหมู่แรกของ adenosine monophosphate หรือ AMP เมื่อพันธะฟอสเฟตเอสเตอร์หมู่ที่สามของ ATP ถลวยจะให้พลังงานภายใต้เซลล์สูง และ ADP ปกติใช้สัญลักษณ์ ~ ในโครงสร้าง ซึ่งหมายถึงพันธะพลังงานสูง



รูปที่ 13.14 โครงสร้างของนิวคลีโอไซด์ และนิวคลีโอไซด์ฟอสเฟต (AMP, ADP และ ATP)

13.4.4 ลักษณะของการนิวคลีอิก

การนิวคลีอิก เป็นพอลิเมอร์ของนิวคลีโอไทด์ หน่วยป้องนิวคลีโอไทด์ใน DNA และ RNA แต่ละหน่วยเชื่อมต่อกันโดยพันธะฟอสโฟไดเอสเตอร์ (phosphodiester bond) ระหว่างหมู่ไฮดรอกซีของฟอสเฟตในนิวคลีโอไทด์ไม่เลกุลหนึ่ง (ตำแหน่ง 5') กอนเดนซ์กับหมู่ไฮดรอกซีที่วิ่งน้ำดาลของอิกไมเลกุลหนึ่ง (ตำแหน่ง 3') กระบวนการเกิดต่อไปจนได้สายการนิวคลีอิก พอลิเมอร์นี้คือพอลินิวคลีโอไทด์ (polynucleotides)

13.4.5 ระดับโครงสร้างของการนิวคลีอิก (Nucleic Acids)

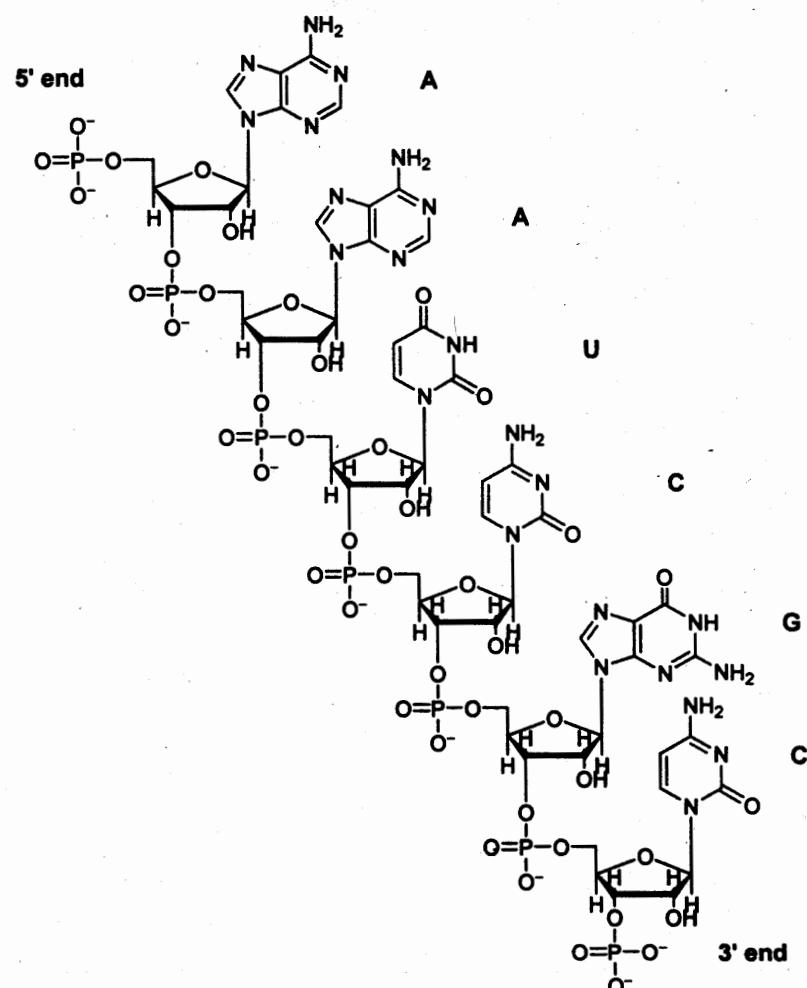
13.4.5.1 โครงสร้างบุรุณภูมิ

โครงสร้างบุรุณภูมิ เป็นโครงสร้างพื้นฐานที่บอกรการจัดเรียงเบสในแกนหลัก (backbone) ของสายโซ่การนิวคลีอิก แกนหลักเป็นสายน้ำดาลสลับกับฟอสเฟต เชื่อมกันด้วยพันธะฟอสโฟไดเอสเตอร์ และมีเบสในโครงเจนชนิดต่างๆ ยื่นออกทางด้านข้างเป็นระยะห่างเท่าๆ กัน ปลายด้านหนึ่งของแกนหลัก (ปลาย 5') เป็นหมู่ฟอสเฟต และอิกด้านหนึ่ง (ปลาย 3') มาจากหมู่ OH

ที่ว่าน้ำตาล (รูป 13.15) ความแตกต่างในสายกรดนิวคลีอิกจึงเป็นลำดับของเบสในโตรเจน ปกติจะเขียนตามทิศทางหรือสภาพข้าวจาก 5' → 3' และจากซ้ายไปขวา เช่น

5'-AUGCAGCUACGUAAACGAGCUUAGCGCUAUACCGAAAGGGUAGAAC-3'

การเขียนโครงสร้างปฐมภูมิแบบย่อใช้จังอักษรย่อของเบส แสดงลำดับนิวคลีโอไทด์ได้ เช่น เขียนเป็น ACGTT ซึ่งหมายถึง 5'-ACGTT-3' ในทางตรงข้ามลำดับนิวคลีโอไทด์สายนี้อาจ เขียนเป็น 3'-TTGCA-5' ก็ได้เช่นกัน



รูปที่ 13.15 โครงสร้างปฐมภูมิ ส่วนหนึ่นในสายไฮบริดนิวคลีอิก (RNA: น้ำตาลไรโบส และเมบสูราซิต)

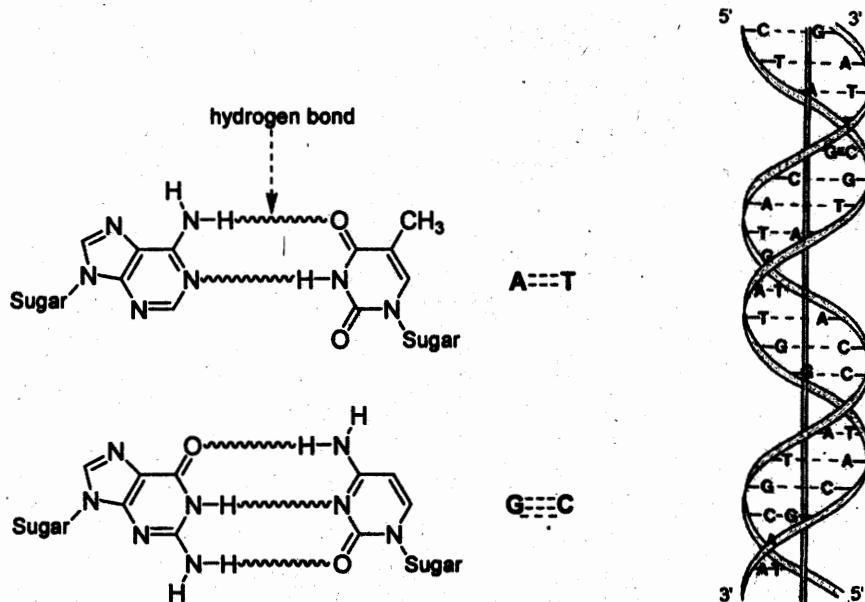
13.4.5.2 โครงสร้างทุติยภูมิ

โครงสร้างนี้มีรายละเอียดมากขึ้น เป็นโครงแบบที่สายพอลิโนวคลีโอไทร์มีการยืดเหยียกันด้วยพันธะไฮโดรเจนระหว่างคู่เบสที่มีความเฉพาะเจาะจงและสอดคล้องกัน (complementary base pairing) ซึ่งเกิดภายใต้สายเดียวกัน หรือระหว่างสาย ทำให้โครงสร้างมีเสถียรภาพ และมั่นคงหรือเป็นเกลียวเพราะพันธะไฮโดรเจนที่เกิดขึ้น

โครงสร้างทุติยภูมิของ DNA

DNA ส่วนใหญ่เป็นพอลิโนวคลีโอไทร์สายเดียวสองสายที่ส่วนทางกัน (antiparallel) มา yic เนื่องจากนั้น แกนหลักซึ่งเป็นสายของน้ำตาลสลับฟอสฟेतอยู่ด้านนอก ระนาบวงของเบส ในไฮโดรเจนอยู่ด้านในและดึงจากกันแกนหลัก คู่เบสเดียวกันแต่ละสายยึดกันด้วยพันธะไฮโดรเจน คือ ระหว่าง A กับ T ซึ่งมีพันธะไฮโดรเจน 2 แห่ง และ G กับ C มีพันธะไฮโดรเจน 3 แห่ง ทำให้โครงสร้างพันธกันเป็นเกลียวคู่ (double helix) คล้ายบันไดเวียน (รูป 13.16)

ดังนั้นถ้าทราบลำดับนิวคลีโอไทร์ในการนิวคลีอิกสายหนึ่ง ก็สามารถหาของอีกสายหนึ่งได้ เช่น ถ้าลำดับในสายหนึ่งเป็น 5'-ATGGCT-3' สายที่คู่กันต้องเป็น 3'-TACCGA-5'

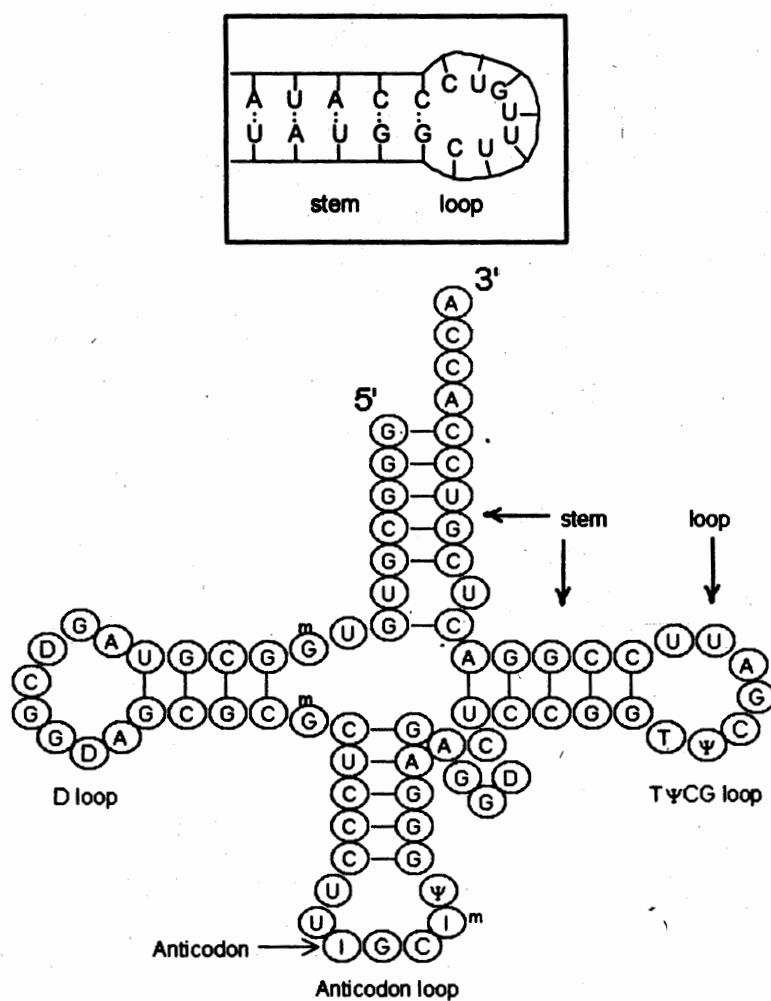


รูปที่ 13.16 พันธะไฮโดรเจนระหว่างคู่เบสที่สอดคล้องกัน (ข้าย) และโครงสร้างเกลียวคู่ของ DNA (ขวา)

โครงสร้างทุติยภูมิของ RNA

สาย RNA ส่องสารอาจเกิดโครงสร้างแบบเกลียวคู่ได้ แต่หมู่ OH ที่ C2' ทำให้เกะกะโครงรูปที่ได้จึงมีเสถียรภาพต่ำ โครงสร้างทุติยภูมิส่วนใหญ่จึงเป็นสายเดี่ยวที่มีการจัดตัวเพื่อให้เกิดพันธะไฮโดรเจนระหว่างคู่เบสภายในโมเลกุล คู่เบสที่สองคล้องกันใน RNA คล้าย DNA คือ A-U และ G-C อาจพบ G จับกับ U ด้วย แต่แข็งแรงน้อยกว่า G-C

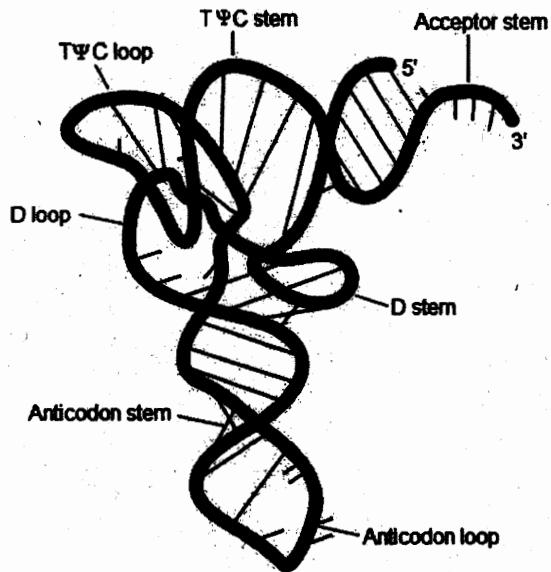
โครงสร้างทุติยภูมิของ RNA ประกอบด้วยบริเวณต่างๆ 2 แบบ เรียก stem ซึ่งเกิดพันธะไฮโดรเจนระหว่างคู่เบสในสายเดี่ยวกัน และ loop หรือ ห่วง ซึ่งไม่มีคู่เบสที่สองคล้องกัน (รูป 13.17)



รูปที่ 13.17 โครงสร้างทุติยภูมิของ tRNA

13.4.5.3 โครงสร้างดีบุมิ

เป็นรูปทรงโมเลกุลแบบ 3 มิติ ของการค้นวิเคราะห์โมเลกุลตามสภาพจริง ซึ่งเกี่ยวข้องกับแรงระหว่างไดโอลแบบอินดี้ๆ ทำให้เกิดโครงสร้าง 3 มิติ ที่ถูกต้องแน่นอน สามารถทำหน้าที่ต่างๆ ได้อย่างสมบูรณ์ (รูป 13.18)



รูปที่ 13.18 แบบจำลองโครงสร้างดีบุมิของ tRNA

แบบฝึกหัด บทที่ 13

เลือกคำตอบที่ถูกต้อง

1. ชีวโมเลกุลชนิดใดที่มีในโครเจนเป็นปริมาณร้อยละมากที่สุด

(1) คาร์บอไฮเดรต	(2) ลิพิด
(3) โปรตีน	(4) กรดนิวคลีอิก
2. ตัวเลือกต่อไปนี้เป็นการโน้มน้าวได้ยกเว้นข้อใด

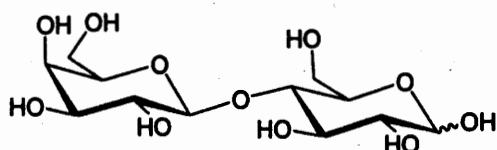
(1) starch	(2) glycogen
(3) amylopectin	(4) glucagon
3. กลูโคสเป็นน้ำตาลประเภทใด

(1) aldohexose	(2) aldopentose
(3) ketohexose	(4) ketopentose
4. ข้อใดต่อไปนี้ที่ไม่ได้อยู่ในกลุ่มเดียวกันด้วย

(1) starch	(2) glycogen
(3) disaccharide	(4) cellulose
5. พันธะที่เชื่อมน้ำตาลเชิงเดียว 2 โมเลกุลรวมกันให้ได้แซกคาไรด์ เป็นพันธะชนิดใด

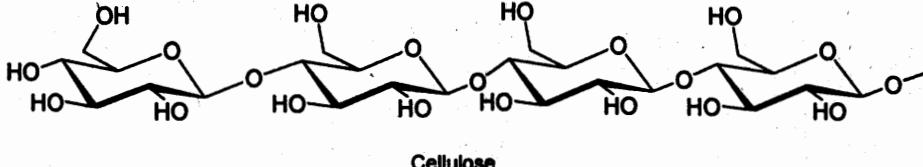
(1) N-glycosidic bond	(2) O-glycosidic bond
(3) peptide bond	(4) ester bond
6. น้ำตาล tetroketose มีครั้งการบอนกีอะคอม

(1) 1	(2) 2
(3) 3	(4) 4
7. ไดแซกคาไรด์ต่อไปนี้มีการเชื่อมพันธะไกลโคไซด์แบบใด



- | | |
|--------------------------------------|---------------------------------------|
| (1) β -1,4'-glycosidic linkage | (2) α -1,4'-glycosidic linkage |
| (3) β -1,6'-glycosidic linkage | (4) α -1,2'-glycosidic linkage |

8. เชลลูโลสเป็นโพลิเมอร์ของกลูโคสที่เชื่อมต่อกันด้วยพันธะไกลโคไซด์แบบใด



(1) β -1,4' (2) α -1,4'

(3) β -1,6' (4) α -1,6

9. กรดไขมัน เป็น "กรด" เพราะมีหมู่ฟังก์ชันต่อไปนี้

(1) phosphate (2) aldehyde

(3) carboxyl (4) sulfhydryl

10. กรดไขมัน คือ

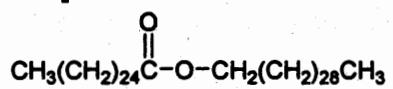
(1) กรดคาร์บอชิลิกใช้ตรง มีหมู่คาร์บอชิล 1 หมู่ และจำนวนคาร์บอนเป็นเลขคู่

(2) กรดคาร์บอชิลิกมีหมู่คาร์บอชิล 1 หมู่ มีโซ่อิง และจำนวนคาร์บอนเป็นเลขคี่

(3) กรดไดคาร์บอชิลิก (หมู่คาร์บอชิล 2 หมู่) และจำนวนคาร์บอนเป็นเลขคู่

(4) กรดแอกโรแมติก

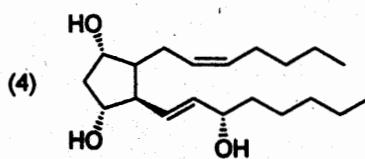
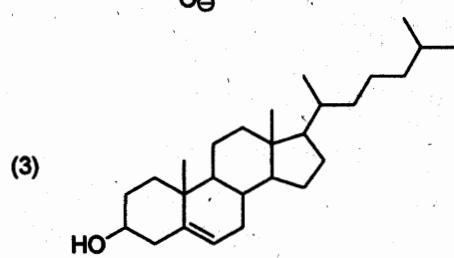
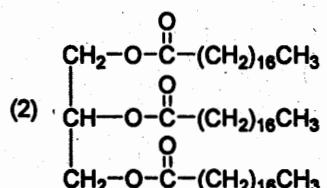
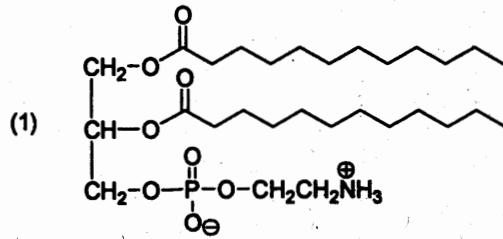
11. ลิพิดต่อไปนี้จัดอยู่ในพวกใด



(1) ฟอสโฟลิพิด (2) ไขมัน

(3) ไขมันหรือน้ำมัน (4) เทอร์พิน

12. ลิพิดตัวใดที่อยู่ในกลุ่ม ไอโคซานอยด์ (icosanoids)



13. prostaglandins เกิดจากการด้วยมันชนิดใด

- (1) palmitoleic acid (2) oleic acid
(3) linolenic acid (4) arachidonic acid

14. พอสฟอกลีเซอไรด์ประกอบด้วย

- (1) glycerol, 3 fatty acids และ phosphate
(2) 2 fatty acids, glycerol และ phosphate
(3) glycerol phosphate และ 3 fatty acids
(4) sphingosine, phosphate, fatty acid และ choline

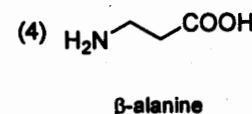
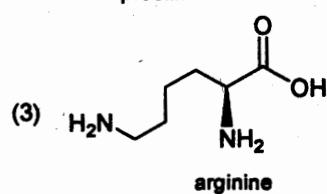
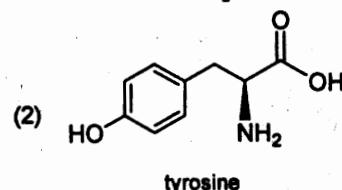
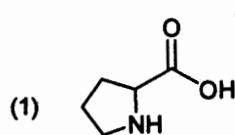
15. ข้อใดคือ sphingomyelin

- (1) glycerol, 3 fatty acids และ phosphate
(2) 2 fatty acids, glycerol และ phosphate
(3) glycerol phosphate และ 3 fatty acids
(4) sphingosine, phosphate, fatty acid และ choline

16. โครงสร้างสเตียรอยด์มี...

- (1) วงแหวน 5 อะตอม 3 วงและ วง 6 อะตอม 1 วง เชื่อมกัน
(2) วงแหวน 5 อะตอม 1 วงและ วง 6 อะตอม 4 วง เชื่อมกัน
(3) วงแหวน 5 อะตอม 2 วงและ วง 6 อะตอม 2 วง เชื่อมกัน
(4) วงแหวน 5 อะตอม 1 วงและ วง 6 อะตอม 3 วง เชื่อมกัน

17. จากตัวเลือกต่อไปนี้ กรรมอะมิโนไดที่ไม่เป็นอะมีนชนิดปฐมภูมิ (1° amine)



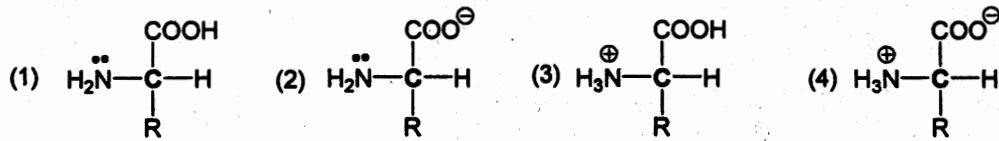
18. ตัวเลือกจากข้อ (17) ตัวใดไม่ใช่กรรมอะมิโนธรรมชาติ

19. ตัวเลือกจากข้อ (17) ตัวใดเป็น cyclic amino acid

20. กรดอะมิโนธรรมชาติชนิดใดที่โครงสร้างของมีการจัดตัวในที่ว่างแบบ R

- (1) serine (2) arginine (3) cysteine (4) proline

21. ที่ pH ของร่างกาย กรดอะมิโนจะอยู่ในรูป zwitterions ตัวเลือกใดเป็น zwitterion



22. ในสารละลายน้ำ pH = 1 กรดอะมิโนไกลีซีน (glycine) ส่วนใหญ่อยู่ในรูปได้



23. กรดอะมิโนเซรีน (serine) มีโครงสร้างอย่างไรที่ Isoelectric point



24. พันธะเพปไทด์ คือ พันธะ _____

- | | |
|--------------|----------------|
| (1) เอสเทอร์ | (2) อัมิเด้ |
| (3) อีเทอร์ | (4) ไฟโรฟอสเฟต |

25. โมเลกุลหรือหมู่อะคอมพาวน์ที่เป็นสารอินทรีย์ หรือโลหะที่อยู่ด้วยกันกับโปรตีน เรียกว่า

- | | |
|-------------------------|----------------------|
| (1) หน่วยย่อย (subunit) | (2) prosthetic group |
| (3) residue | (4) α -chain |

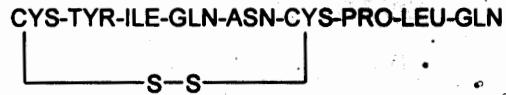
26. โครงสร้างปฐมภูมิจากสิ่งใด

- | | |
|------------|--------------------|
| (1) รูปทรง | (2) ลำดับกรดอะมิโน |
| (3) ขนาด | (4) ประจุ |

27. β -pleated sheets เป็นโครงสร้างชนิด

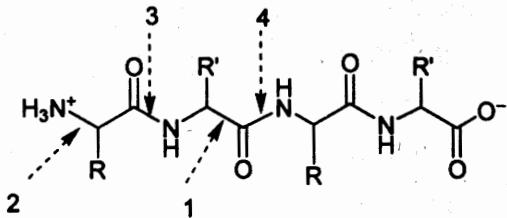
- | | |
|--------------|----------------|
| (1) ปฐมภูมิ | (2) ทุติยภูมิ |
| (3) ตติยภูมิ | (4) จตุติยภูมิ |

28. เพปไทด์ต่อไปนี้มีโครงสร้างระดับใด



- (1) ปฐมภูมิ
- (2) ทุติยภูมิ
- (3) ตติยภูมิ
- (4) จตุติภูมิ

29. ลูกศรเดชี้ไปที่พันธะเพปไทด์



- (1) 1 และ 2
- (2) 2 และ 3
- (3) 3 และ 4
- (4) 4 และ 1

30. เพปไทด์ A ประกอบด้วยกรดอะมิโน 5 ตัว ถูกย่อยสลายบางส่วนเป็นส่วนเล็กๆ 3 แบบ ซึ่งมีกรดอะมิโนเรียงกัน ดังนี้

his-gly-ser; ala-his และ ala-ala อย่างทราบว่าเพปไทด์ A มีโครงสร้างปฐมภูมิอย่างไร

- (1) his-gly-ser-ala-ala
- (2) ala-his-gly-ser-ala
- (3) ala-ala-his-gly-ser
- (4) หาไม่ได้ ข้อมูลไม่พอ

31. ข้อใดหมายถึงโครงสร้างแบบตติยภูมิของโปรตีน

- (1) โครงสร้างที่เป็นลำดับกรดอะมิโน
- (2) โครงสร้างที่เป็น α -helix หรือ β -pleated sheet
- (3) โครงรูปสามมิติเฉพาะด้วงโมเลกุลโปรตีนทั้งโมเลกุล
- (4) โครงสร้างที่เกิดจากปฏิกิริยาต่อกันระหว่างโปรตีนกับ prosthetic group

32. น้ำตาลดีออกซีที่พบในกรดนิวคลีอิก คือข้อใด

- (1) 1-deoxyribose
- (2) 2-deoxyribose
- (3) 3-deoxyribose
- (4) 4-deoxyribose

33. เมื่อเปรียบเทียบน้ำตาลໄรบอส กับดีออกซีໄรบอส น้ำตาลทั้งสองชนิดมีโครงสร้างอนแทร์ได

- (1) 2:1
- (2) 3:2
- (3) 3:3
- (4) 4:3

34. ข้อใดเป็นเบสไฟรีวิเดน

- | | |
|---------|---------|
| (1) CUG | (2) GTU |
| (3) CUA | (4) CTU |

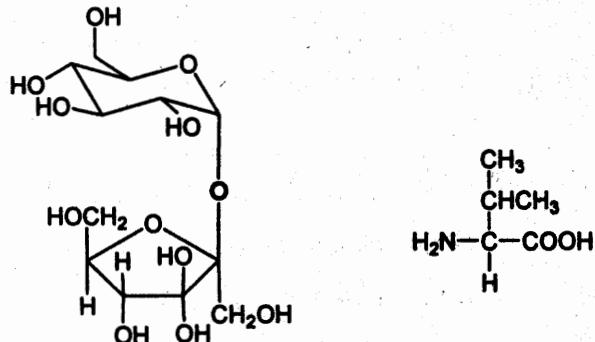
35. พันธะไออกอีโเจนระหว่างคู่เบส

- (1) ทั้งคู่เบส AT และคู่เบส CG เกิด 2 พันธะ
- (2) ทั้งคู่เบส AT และคู่เบส CG เกิด 3 พันธะ
- (3) คู่เบส AT เกิด 2 พันธะ และคู่เบส CG เกิด 3 พันธะ
- (4) คู่เบส AT เกิด 3 พันธะ และคู่เบส CG เกิด 2 พันธะ

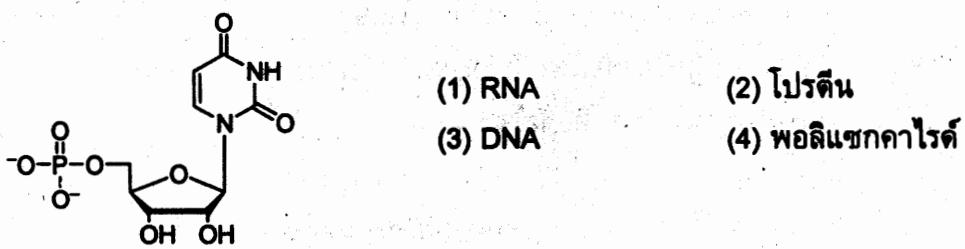
36. อักษร t ใน tRNA แทนคำใด

- | | |
|---------------|--------------|
| (1) temporary | (2) transfer |
| (3) terminal | (4) triple |

37. โครงสร้างทางซ้ายคือ _____ โครงสร้างทางขวา คือ _____



- | | |
|----------------------------|-----------------------------|
| (1) สิพิต, พอลิเพปไทด์ | (2) คาร์บอไซเดต, สิพิต |
| (3) คาร์บอไซเดต, กรดอะมิโน | (4) นิวคลีโอไซด์, กรดอะมิโน |
38. โครงสร้างต่อไปนี้เป็นหน่วยย่อยของ



39. ลำดับของเบสที่สอดคล้องกับเบสในสาย DNA ต่อไปนี้เป็นแบบใด

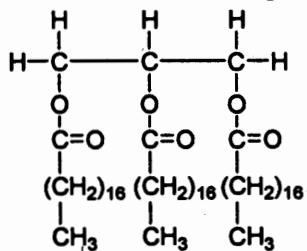
T-A-T-G-C-A-G

- | | |
|-------------------|-------------------|
| (1) T-A-T-G-C-A-G | (2) A-T-A-C-G-T-C |
| (3) A-T-A-C-G-T-C | (4) A-T-A-C-G-T-C |

40. ข้อใดจริง

- (1) DNA และ RNA เป็นสายเดี่ยว
 (3) DNA และ RNA เป็นสายคู่

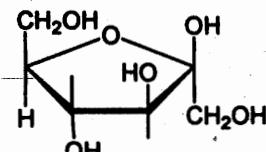
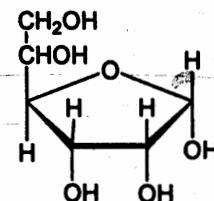
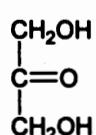
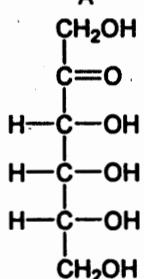
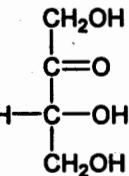
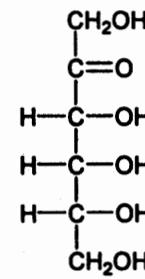
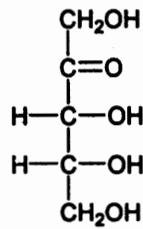
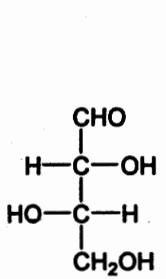
41. โครงสร้างต่อไปนี้จัดอยู่ในกลุ่มใด



- (1) กรณีวิคลีอิก (2) โปรตีน
 (3) พอลิแซกคาไรด์ (4) ลิพิด

เติมคำหรือข้อความลงในที่ว่างที่เว้นไว้ให้ถูกต้อง

1. น้ำตาลเกิดวง cyclic hemiacetal จากปฏิกิริยาระหว่างหมู่ _____ กับหมู่ _____
2. ถ้า A เป็น aldotetrose โครงสร้างของ B, C, D, E, F, G และ H จะเป็นแบบใด



A aldotetrose

C _____

E _____

G _____

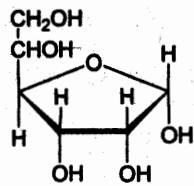
B _____

D _____

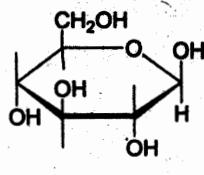
F _____

H _____

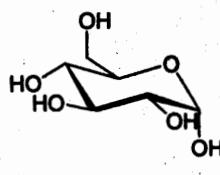
3. โครงสร้างต่อไปนี้เป็นแบบ α หรือ β



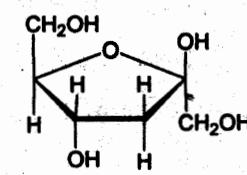
A



B



C



D

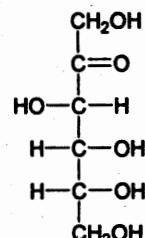
A เป็นแบบ _____

B เป็นแบบ _____

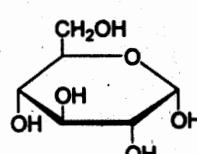
C เป็นแบบ _____

D เป็นแบบ _____

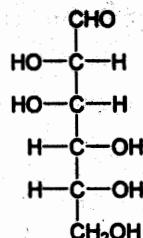
โครงสร้างต่อไปนี้สำหรับข้อ 4-8



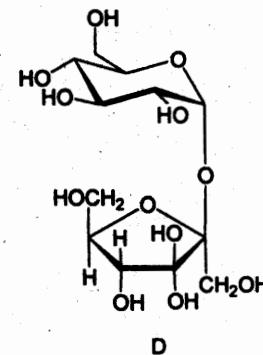
A



B



C



D

4. ชื่อของคาร์บอยเดรต A คือ _____ เป็นน้ำตาลซุค _____ (D หรือ L)

และเป็น _____ (aldose หรือ ketose)

5. ชื่อของคาร์บอยเดรต A คือ _____ มีโครงรูปแบบ _____ (α หรือ β)
อะคอมการบอนที่มีเครื่องหมาย (\wedge) เป็น _____

6. ชื่อของคาร์บอยเดรต C คือ _____ เป็นน้ำตาลซุค _____ (D หรือ L)
และเป็น _____ (aldose หรือ ketose)

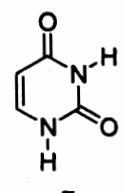
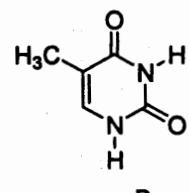
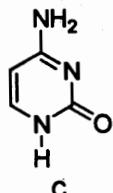
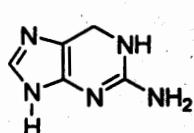
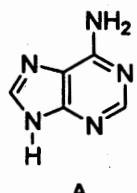
7. ชื่อของคาร์บอยเดรต D คือ _____

8. น้ำตาลตัวใดบ้างที่เป็นน้ำตาลรีดิวส์ _____

9. การคงมิโนเชื่อมตอกันเป็นโปรตีนด้วยพันธะ _____ ปฏิกิริยาที่ให้พันธะนี้มีการเสีย
ไม่เลกูลของ _____ ออกไประหว่าง _____

10. การเชื่อมการคงมิโน 4-10 หน่วย ให้สารที่เรียก _____

11. เลือกอักษรประจำโครงสร้างของเบสในโตรเจน และเดิมลงที่หน้าชื่อบีสแต่ละตัวต่อไปนี้



Adenine

Cytosine

Guanine

Thymine

Uracil