

# บทที่ 8

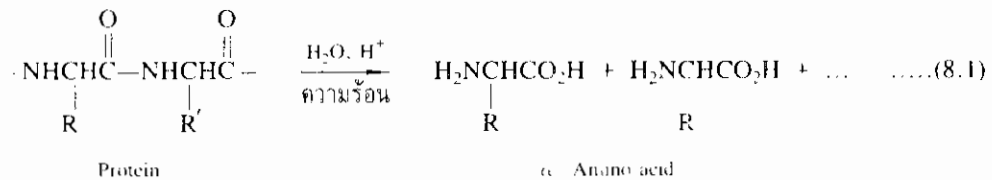
## ชีวโมเลกุล

การศึกษาชีววิทยาในระดับโมเลกุลเรียกว่า ชีวเคมี (biochemistry) ชีวเคมีเป็นความรู้สาขาหนึ่งของวิชาชีววิทยาและเป็นความรู้สาขาหนึ่งของเคมีอินทรีย์ด้วย โดยทั่วไปแล้วโมเลกุลที่เกี่ยวข้องกับวิชาชีวเคมีซึ่งเรียกว่า ชีวโมเลกุล (biomolecule) นั้น เป็นโมเลกุลที่มีขนาดใหญ่และยุ่งยากซับซ้อนกว่าโมเลกุลที่เราได้เรียนกันมามากนัก นอกจากนั้นสภาพแวดล้อมของชีวโมเลกุลซึ่งเป็นอวัยวะต่าง ๆ ก็แตกต่างจากสภาพแวดล้อมของสารอินทรีย์ซึ่งเป็นเพียงสารละลายเท่านั้น แต่สมบัติทางกายภาพและสมบัติทางเคมีของชีวโมเลกุลจะขึ้นอยู่กับโครงสร้างโมเลกุลเช่นเดียวกับสารอินทรีย์ การศึกษาชีวเคมีจึงจำเป็นต้องอาศัยพื้นฐานความรู้ทางเคมีอินทรีย์ การเรียนในบทนี้จึงเป็นการเชื่อมความรู้ทางเคมีอินทรีย์ให้เข้ากับความรู้ทางชีวเคมี

ในบทนี้เราจะได้ศึกษาชีวโมเลกุลบางชนิด ซึ่งได้แก่ โปรตีน (protein) คาร์โบไฮเดรต (carbohydrate) และลิพิด (lipid)

### 8.1 โปรตีน

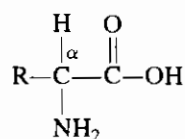
โปรตีนเป็นสารประกอบที่สำคัญมากที่สุดอย่างหนึ่งของสิ่งมีชีวิต คำว่า "protein" มาจากภาษากรีก "proteios" ซึ่งแปลว่า "อันดับแรก" โปรตีนเป็นสารประกอบประเภทพอลิ-แอมไนด์ ปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำของโปรตีนทำให้ได้กรดแอลฟาอะมิโน ( $\alpha$  amino acid) ชนิดต่าง ๆ แยกตัวออกมา ดังตัวอย่างในสมการ 8.1



ถึงแม้ว่าจะมีการแยกแยะกรดแอลฟาอะมิโนได้มากกว่า 100 ชนิดก็ตาม แต่มีกรดแอลฟาอะมิโนเพียง 20 ชนิดเท่านั้นที่พบในโปรตีนของพืชและสัตว์ กรดแอลฟาอะมิโนทั้ง 20 ชนิดนี้เกิดการเชื่อมโยงกันเป็นโซ่ยาวและยึดเกาะกับโซ่โปรตีนอื่น ๆ มากมายกลายเป็นกล้ามเนื้อ เอ็น ผิวหนัง เล็บ ขนนก ไよใหม่ ฮีโมโกลบิน เอ็นไซม์ สารต่อต้าน (antibody) และฮอร์โมนต่าง ๆ

ในเรื่องของโปรตีนเราจะได้ศึกษาถึงกรดแอลฟาอะมิโนซึ่งเป็นหน่วยย่อยของโปรตีนก่อน แล้วจึงจะศึกษาถึงเพปไทด์ซึ่งเป็นโปรตีนขนาดเล็กสั้น ๆ ก่อนที่จะศึกษาถึงโปรตีนต่อไป

**8.1.1 กรดแอลฟาอะมิโน** กรดแอลฟาอะมิโนหมายถึงโมเลกุลที่มีหมู่อะมิโน ( $-NH_2$ ) และหมู่คาร์บอกซิล ( $-COOH$ ) อยู่ในโมเลกุลเดียวกัน และหมู่อะมิโนจะต้องเกาะที่ตำแหน่งแอลฟาคาร์บอนของหมู่คาร์บอกซิล ดังสูตรโครงสร้างทั่วไปดังนี้



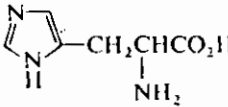
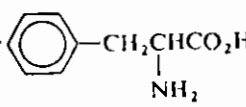
**8.1.1.1 กรดแอลฟาอะมิโนชนิดต่าง ๆ** กรดแอลฟาอะมิโนทั้ง 20 ชนิดซึ่งมีสูตรทั่วไปข้างต้นนี้ มีความแตกต่างกันที่หมู่  $-R$  เท่านั้น ดังนั้นปฏิกิริยาที่แตกต่างกันของกรดแอลฟาอะมิโนเหล่านี้จึงมีสาเหตุมาจากความแตกต่างของหมู่  $-R$  เหล่านี้นั่นเอง กรดแอลฟาอะมิโนทั้ง 20 ชนิดมีชื่อเรียกดังปรากฏในตาราง 8.1

กรดแอลฟาอะมิโนบางชนิดสามารถสังเคราะห์ได้ในร่างกายจากกรดแอลฟาอะมิโนตัวอื่นที่มากเกินพอ แต่มีกรดแอลฟาอะมิโนบางชนิดที่ร่างกายสังเคราะห์เองไม่ได้ แต่เป็นที่ต้องการของร่างกายเพื่อสร้างโปรตีน กรดแอลฟาอะมิโนเหล่านี้มีชื่อเรียกว่า กรดอะมิโนจำเป็น (essential amino acid) กรดอะมิโนที่มีเครื่องหมายดอกจันกำกับในตาราง 8.1 เป็นกรดอะมิโนจำเป็น

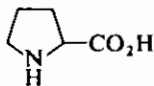
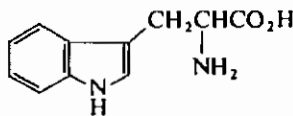
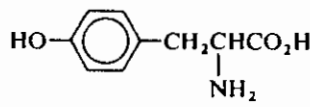
ตาราง 8.1 กรดแอลฟาอะมิโนในโปรตีน

ชื่อ	ชื่อย่อ	โครงสร้าง
alanine	ala	$\begin{array}{c} \text{CH}_3\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
arginine*	arg	$\begin{array}{c} \text{H}_2\text{NCNHCH}_2\text{CH}_2\text{CH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\    \qquad \qquad \qquad   \\ \text{NH} \qquad \qquad \qquad \text{NH}_2 \end{array}$

ตาราง 8.1 (ต่อ) กรดแอมโฟอะมิโนในโปรตีน

ชื่อ	ชื่อย่อ	โครงสร้าง
asparagine	asn	$\begin{array}{c} \text{O} \\ \parallel \\ \text{H}_2\text{NCCH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
aspartic acid	asp	$\begin{array}{c} \text{HO}_2\text{CCH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
cysteine	cyS	$\begin{array}{c} \text{HSCH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
glutamic acid	glu	$\begin{array}{c} \text{HO}_2\text{CCH}_2\text{CH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
glutamine	gln	$\begin{array}{c} \text{O} \\ \parallel \\ \text{H}_2\text{NCCH}_2\text{CH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
glycine	gly	$\begin{array}{c} \text{CH}_2\text{CO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
histidine*	his	
isoleucine*	ile	$\begin{array}{c} \text{CH}_3 \\   \\ \text{CH}_3\text{CH}_2\text{CHCHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
leucine*	leu	$\begin{array}{c} (\text{CH}_3)_2\text{CHCH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
lysine*	lys	$\begin{array}{c} \text{H}_2\text{NCH}_2\text{CH}_2\text{CH}_2\text{CH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
methionine*	met	$\begin{array}{c} \text{CH}_3\text{SCH}_2\text{CH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}$
phenylalanine*	phe	

ตาราง 8.1 (ต่อ) กรดแอสฟาอะมีโนในโปรตีน

ชื่อ	ชื่อย่อ	โครงสร้าง
proline	pro	
serine	ser	$\text{HOCH}_2\text{CHCO}_2\text{H}$   $\text{NH}_2$
threonine*	thr	$\text{CH}_3\text{CH}(\text{OH})\text{CHCO}_2\text{H}$   $\text{NH}_2$
tryptophan*	try	
tyrosine	tyr	
valine*	val	$(\text{CH}_3)_2\text{CHCHCO}_2\text{H}$   $\text{NH}_2$

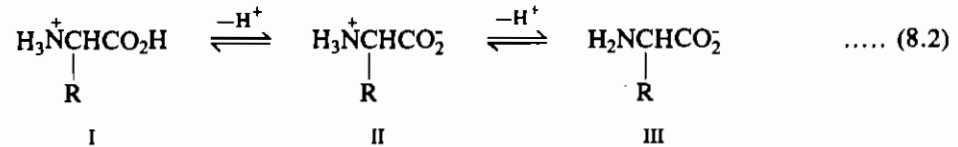
\* Essential amino acid

ชนิดของกรดอะมีโนจำเป็นขึ้นอยู่กับชนิดของสัตว์ มีบางชนิดที่ขึ้นอยู่กับแต่ละบุคคล ตัวอย่างเช่น ไทโรซีน (tyrosine) ไม่เป็นกรดอะมีโนจำเป็น เพราะที่ไทโรซีนสามารถสังเคราะห์ได้จากฟีนิลแอลอะนิน (phenylalanine) โดยเอ็นไซม์ในร่างกาย แต่มีคนบางคนที่เป็นโรคฟีนิลคีโตนูเรีย (phenylketonuria, PKU) ไม่มีเอ็นไซม์ที่จะเปลี่ยนฟีนิลแอลอะนินให้เป็นไทโรซีน ผู้ป่วยประเภทนี้จึงต้องรับประทานไทโรซีนเข้าไปให้พอเพียงและต้องจำกัดปริมาณของฟีนิลแอลอะนินไม่ให้มากเกินไปด้วย ส่วนไลซีน (lysine) เป็นกรดอะมีโนจำเป็น มีอยู่มากมายในโปรตีนจากสัตว์ แต่ในข้าวชนิดต่าง ๆ แทบทุกชนิดมีไลซีนน้อยมากไม่เพียงพอับความต้องการของมนุษย์ การพัฒนาข้าวโพดพันธุ์ใหม่ซึ่งให้ปริมาณไลซีนสูงมากจะช่วยบรรเทาปัญหาการขาดสารอาหารจำพวกไลซีนในภูมิภาคของโลกที่ขาดแคลนอาหารสัตว์ได้บ้าง

8.1.1.2 สภาพกรดและเบส กรดแอสฟาอะมีโนเป็นสารประกอบที่เป็นทั้งกรดและเบส ในโมเลกุลเดียวกัน (amphoteric compound) เพราะประกอบด้วยหมู่ฟังก์ชันนัลที่เป็นกรดคือหมู่คาร์บอกซิล ( $-\text{COOH}$ ) และหมู่ฟังก์ชันนัลที่เป็นเบสคือ หมู่อะมีโน ( $-\text{NH}_2$ )

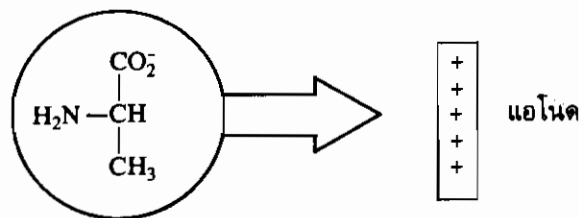
ในสถานะของแก๊กรดแอลฟาอะมีโนอยู่ในสภาพของไอออนขั้วคู่ (dipolar ion) หรือที่เรียกว่า zwitterion คือเป็นทั้งแคตไอออนและแอนไอออนในโมเลกุลเดียวกัน โดยที่หมู่คาร์บอกซิลอยู่ในสภาพของคาร์บอกซิเลตไอออน ( $-\text{COO}^-$ ) และหมู่อะมีโนอยู่ในสภาพของอัมโมเนียมไอออน ( $-\text{NH}_3^+$ )

ในสารละลายที่เป็นกลางและสมดุล กรดแอลฟาอะมีโนจะมีสภาพเป็นไอออนชนิดต่าง ๆ คือไอออนขั้วคู่ (II) แคตไอออน (I) และแอนไอออน (III) ดังสมการ 8.2



ในสารละลายที่เป็นกรดจะทำให้กรดแอลฟาอะมีโนอยู่ในสภาพแคตไอออน I เป็นส่วนใหญ่ แต่สารละลายที่เป็นด่างจะทำให้กรดแอลฟาอะมีโนอยู่ในสภาพแอนไอออน III เป็นส่วนใหญ่ ถ้าเราสามารถปรับ pH ของสารละลายจนกระทั่งได้ไอออนขั้วคู่ II ปริมาณมากที่สุด และมีปริมาณแคตไอออน I เท่ากับแอนไอออน III แล้ว pH นั้นเรียกว่า pI หรือเรียกว่า จุดไอโซอิเล็กทริก (isoelectric point) ที่จุดไอโซอิเล็กทริก กรดแอลฟาอะมีโนจะไม่แสดงอำนาจไฟฟ้า จึงไม่เคลื่อนที่เข้าหาขั้วไฟฟ้า นอกจากนี้แล้วที่จุดไอโซอิเล็กทริกกรดแอลฟาอะมีโนจะละลายได้น้อยที่สุดเพราะมีความเข้มข้นของไอออนขั้วคู่สูงสุด ถ้าทำให้สารละลายเป็นด่างหรือกรดมากขึ้น ความเข้มข้นของไอออน II หรือ III ตัวใดตัวหนึ่งจะเพิ่มขึ้น

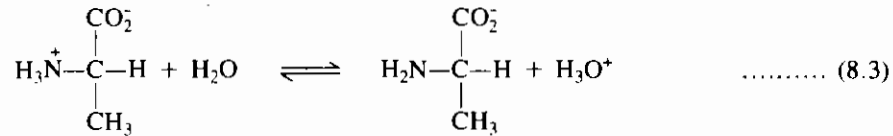
เราสามารถหาจุดไอโซอิเล็กทริกของกรดแอลฟาอะมีโนได้โดยศึกษาการเคลื่อนย้ายสู่ขั้วไฟฟ้า (electrophoresis) ของกรดแอลฟาอะมีโน วิธีทดลองคือ ใช้ขั้วไฟฟ้าสองขั้วจุ่มลงในสารละลายของกรดแอลฟาอะมีโนที่ละลายในน้ำ เมื่อผ่านกระแสไฟฟ้าลงไป แอนไอออนจะเคลื่อนที่เข้าหาขั้วแอโนด (ขั้วบวก) (ภาพ 8.1) และแคตไอออนจะเคลื่อนที่เข้าหาขั้วแคโทด (ขั้วลบ) ถ้าสามารถปรับ pH ของสารละลายทำให้ไม่มีการเคลื่อนที่สู่ขั้วไฟฟ้าของไอออนใด ๆ แล้ว pH นั้นก็คือจุดไอโซอิเล็กทริกนั่นเอง



ภาพ 8.1 แอนไอออนกำลังเคลื่อนที่เข้าหาแอโนด

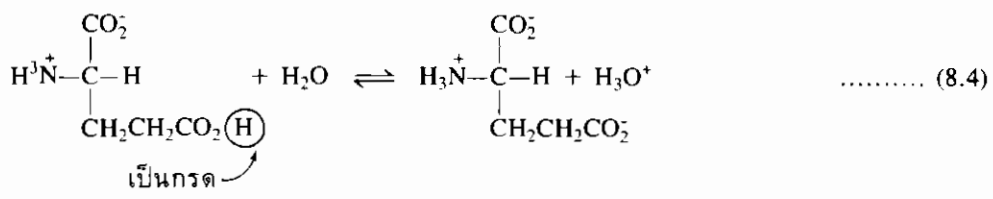
จุดไอโซอิเล็กทริกเป็นค่าคงที่เฉพาะตัวของแต่ละกรดแอลฟาอะมิโน และมีค่าอยู่ในช่วงใดช่วงหนึ่งในสามช่วงต่อไปนี้

(1) **กรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกลาง (neutral  $\alpha$ -amino acid)** เมื่อนำกรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกลาง เช่น แอละนีน (alanine) มาละลายน้ำ สารละลายจะมีฤทธิ์เป็นกรดเล็กน้อย เพราะหมู่  $-\text{NH}_3^+$  เป็นกรดแก่ แต่หมู่  $-\text{CO}_2^-$  เป็นเบสอ่อน ดังนั้นถ้าละลายแอละนีนในน้ำ แอละนีนจะอยู่ในสภาพของแอนไอออน ดังสมการ 8.3



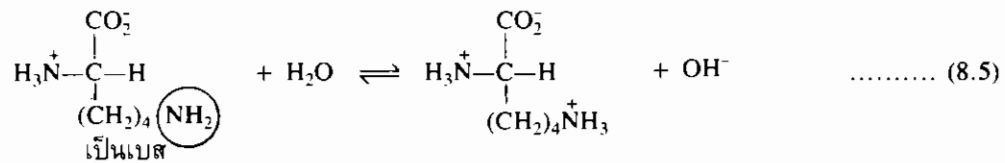
ถ้าหยดกรดไฮโดรคลอริกหรือกรดอย่างอื่นลงไปในการละลายของแอนะลีน จนทำให้ภาวะสมดุลถูกผลักรวมทางซ้าย คือทำให้แอละนีนมีสภาพเป็นไอออนขั้วคู่หรือมีอำนาจไฟฟ้าเป็นศูนย์แล้ว pH ของสารละลายซึ่งทำให้แอละนีนมีประจุไฟฟ้าเป็นศูนย์เรียกว่า จุดไอโซอิเล็กทริก แอละนีนมีจุดไอโซอิเล็กทริกเท่ากับ 6.0 กรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกลางโดยทั่วไปมีจุดไอโซอิเล็กทริกที่ pH ประมาณ 5.5–6.0

(2) **กรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกรด (acidic  $\alpha$ -amino acid)** หมู่คาร์บอกซิลหมู่ที่สองในกรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกรดจะแตกตัวให้  $\text{H}^+$  แก่  $\text{H}_2\text{O}$  ทำให้สารละลายของกรดแอลฟาอะมิโนในน้ำมีฤทธิ์เป็นกรด ดังนั้นกรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกรดเมื่อละลายในน้ำจึงมีสภาพเป็นแอนไอออนซึ่งมีประจุไฟฟ้างดดังสมการ 8.4 กรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกรดจึงต้องการกรดที่เติมลงไปปริมาณมากกว่ากรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกลาง เพื่อผลักรวมภาวะสมดุลให้มาทางซ้ายและทำให้กรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกรดอยู่ที่จุดไอโซอิเล็กทริก จุดไอโซอิเล็กทริกของกรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นกรดจึงมีจุดไอโซอิเล็กทริกที่ pH ประมาณ 3



(3) **กรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นเบส (basic  $\alpha$ -amino acid)** กรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นเบสมิมีหมู่อะมิโนเพิ่มขึ้นอีกหมู่หนึ่งจากกรดแอลฟาอะมิโนทั่วไป ซึ่งเมื่อทำปฏิกิริยากับน้ำจะทำให้กรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นเบสกลายเป็นแคตไอออนหรือไอออนบวก ดังสมการ 8.5 กรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นเบสจึงต้องการไฮดรอกไซด์ไอออนเพื่อทำให้กรดแอลฟาอะมิโนกลายเป็นกลางซึ่ง

เป็นจุดไอโซอิเล็กทริก สำหรับกรดแอลฟาอะมิโนที่เป็นเบสมีจุดไอโซอิเล็กทริกในช่วง pH ประมาณ 9-10



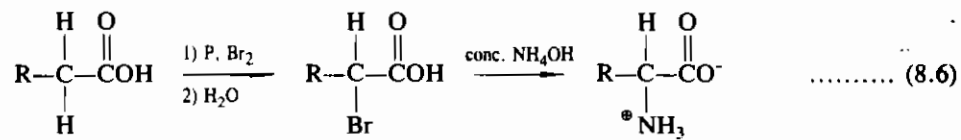
จุดไอโซอิเล็กทริกของกรดแอลฟาอะมิโนบางตัวแสดงในตาราง 8.2 จุดไอโซอิเล็กทริกมีประโยชน์ใช้พิสูจน์เอกลักษณ์และใช้ประโยชน์ในการแยกกรดแอลฟาอะมิโนต่าง ๆ ออกจากกัน

ตาราง 8.2 จุดไอโซอิเล็กทริกของกรดแอลฟาอะมิโนบางตัว

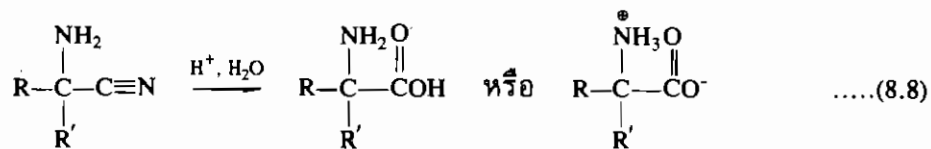
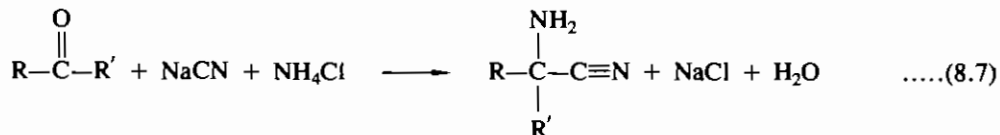
ชื่อ	โครงสร้าง	จุดไอโซอิเล็กทริก
<i>Neutral:</i>		
alanine	$  \begin{array}{c} \text{CH}_3\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}  $	6.00
glutamine	$  \begin{array}{c} \text{O} \\    \\ \text{H}_2\text{NCCH}_2\text{CH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}  $	5.65
<i>Acidic:</i>		
glutamic acid	$  \begin{array}{c} \text{HO}_2\text{CCH}_2\text{CH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}  $	3.22
aspartic acid	$  \begin{array}{c} \text{HO}_2\text{CCH}_2\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}  $	2.77
<i>Basic:</i>		
lysine	$  \begin{array}{c} \text{H}_2\text{N}(\text{CH}_2)_4\text{CHCO}_2\text{H} \\   \\ \text{NH}_2 \end{array}  $	9.74
arginine	$  \begin{array}{c} \text{H}_2\text{NCNH}(\text{CH}_2)_3\text{CHCO}_2\text{H} \\    \quad   \\ \text{NH} \quad \text{NH}_2 \end{array}  $	10.76

8.1.1.3 การสังเคราะห์ กรดแอลฟาอะมิโนมีวิธีสังเคราะห์ดังต่อไปนี้

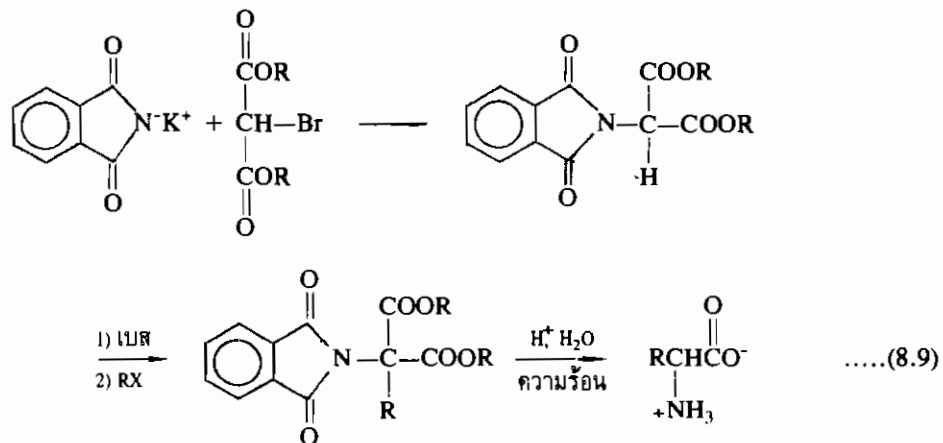
(1) **ปฏิกิริยาเฮลล์-โวลฮาร์ด-เซลินสกี (Hell-Volhard-Zelinski reaction)** ปฏิกิริยา HVZ ใช้กรดคาร์บอกซิลิกเป็นสารตั้งต้น แล้วใช้โบรมีนและฟอสเฟอรัสเพียงเล็กน้อยเพื่อเปลี่ยนกรดคาร์บอกซิลิกเป็น  $\alpha$ -bromocarboxylic acid เมื่อเติมสารละลายอัมโมเนียมไฮดรอกไซด์เข้มข้นลงไป ในสารละลายของ  $\alpha$ -bromocarboxylic acid จะได้กรดอะมิโนตามต้องการ ดังสมการ 8.6



(2) การสังเคราะห์แบบสเตอร์เกอร์ (strecker synthesis) ปฏิกิริยานี้ใช้แอลดีไฮด์หรือคีโตนเป็นสารตั้งต้น เมื่อให้แอลดีไฮด์หรือคีโตนทำปฏิกิริยากับไซเดียมไซอะไนด์ (sodium cyanide) และอัมโมเนียมคลอไรด์ จะได้  $\alpha$ -amino nitrile (สมการ 8.7) เมื่อทำให้  $\alpha$ -amino nitrile แยกสลายด้วยน้ำ จะได้กรดแอลฟาอะมิโนตามต้องการ (สมการ 8.8)



(3) การสังเคราะห์แบบกาบรียอล (Gabriel synthesis) วิธีนี้ประยุกต์มาจากวิธีสังเคราะห์แบบกาบรียอลซึ่งเป็นวิธีหนึ่งที่ใช้เตรียมอะมิโน วิธีนี้มักให้ผลได้สูงและแยกออกมาเป็นสารบริสุทธิ์ได้ง่าย

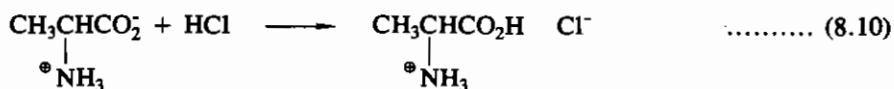


ขั้นแรกเป็นปฏิกิริยาระหว่างไพแทสเซียมแทลิไมด์กับ  $\alpha$ -bromomalonate ( $\alpha$ -bromomalonate เตรียมจากปฏิกิริยาระหว่าง malonic ester กับโบรมีนในคาร์บอนเตตระคลอไรด์) ได้อนุพันธ์ของแทลิไมด์ ซึ่งเมื่อให้ทำปฏิกิริยาแอลดีเลชันโดยเลือกใช้หมู่แอลคิลให้สอดคล้องกับหมู่ -R ในกรดแอลฟาอะมิโนที่ต้องการ และต่อด้วยปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำที่เป็นกรด ก็จะได้กรดแอลฟาอะมิโนตามต้องการ (สมการ 8.9)

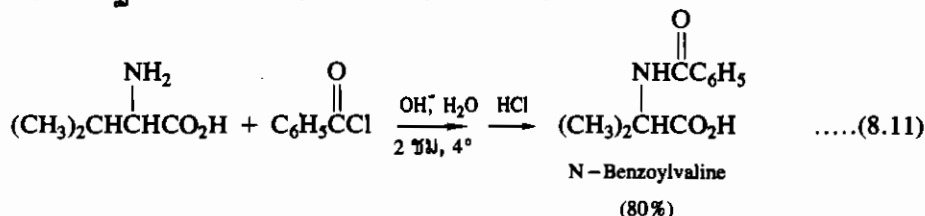


#### 8.1.1.4 สมบัติทางเคมี

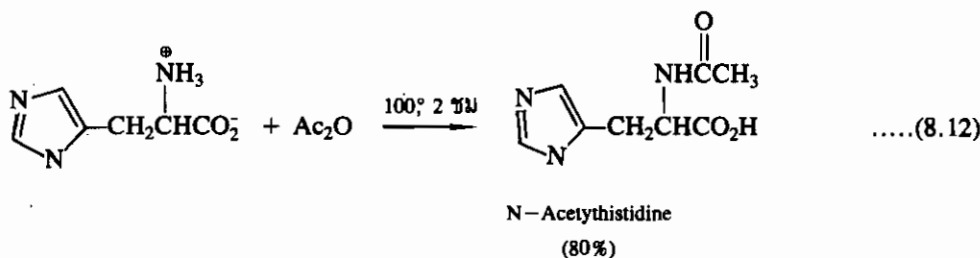
(1) **ปฏิกิริยากับกรดแร่** กรดแอลฟาอะมิโนทำปฏิกิริยากับกรดแร่ที่แก่จะได้เกลือที่มักไม่ละลายน้ำ (สมการ 8.10) เมื่อต้องการกรดแอลฟาอะมิโนกลับคืน ต้องให้เกลือเหล่านี้ทำปฏิกิริยากับเบสอินทรีย์ที่แก่ เช่น ฟิระดิน



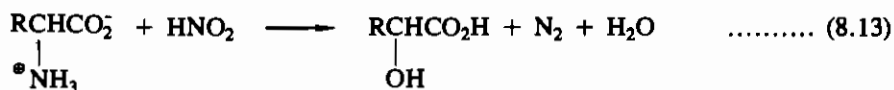
(2) **ปฏิกิริยากับแอซิติลคลอไรด์หรืออะซีติกแอนไฮไดรด์** ปฏิกิริยาเอซิติลชันด้วยหมู่อะมิโนของกรดแอลฟาอะมิโนจะเกิดได้ดีที่สุดในสารละลายที่เป็นด่าง เพราะทำให้หมู่อะมิโนเป็นอิสระ ทำให้เข้าทำปฏิกิริยาได้ว่องไวขึ้น ดังสมการ 8.11



นอกจากนี้อาจใช้อะซีติกแอนไฮไดรด์แทนกรดเฮไลด์ก็ได้ ดังสมการ 8.12

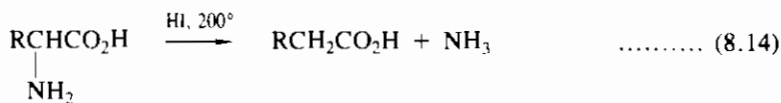


(3) **ปฏิกิริยากับกรดไนตริก** หมู่อะมิโนในกรดแอลฟาอะมิโนทำปฏิกิริยากับกรดไนตริก ให้แก๊สไนโตรเจนออกมา ดังสมการ 8.13

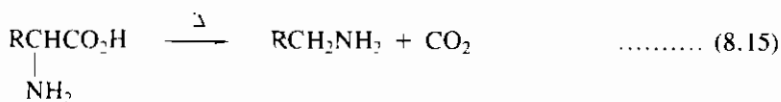


ฟองแก๊สไนโตรเจนที่หลุดออกมาจะมีปริมาณเป็นสัดส่วนกับจำนวนหมู่อะมิโน จึงเป็นวิธีที่ใช้วัดจำนวนหมู่อะมิโนในกรดแอลฟาอะมิโนในเปปไทด์และไนโปรตีนได้

(4) **ปฏิกิริยากับกรดไฮดรียอดิก** เมื่อต้มกรดแอลฟาอะมิโนกับกรดไฮดรียอดิก (hydriodic acid) ที่อุณหภูมิ 200° หมู่อะมิโนจะถูกขจัดออกไปกลายเป็นแก๊สไอโอดีน และทำให้กรดแอลฟาอะมิโนกลายเป็นกรดไขมัน (fatty acid) ดังสมการ 8.14



(5) **ปฏิกิริยากับแบเรียมไฮดรอกไซด์** เมื่อต้มกรดแอลฟาอะมีโนกับแบเรียมไฮดรอกไซด์ที่ละลายในน้ำ จะเกิดปฏิกิริยาการขจัดแก๊สคาร์บอนไดออกไซด์ (decarboxylation) ได้อะมีนดังสมการ 8.15



(6) **ปฏิกิริยากับแอลกอฮอล์** เมื่อต้มกรดแอลฟาอะมีโนกับแอลกอฮอล์โดยมีแก๊สไฮโดรเจนคลอไรด์เป็นตัวเร่ง จะได้เอสเทอร์ดังสมการ 8.16



(7) **ปฏิกิริยานินไฮดริน** นินไฮดริน (ninhydrin) หรือ indane-1,2,3-trione hydrate ทำปฏิกิริยากับกรดแอลฟาอะมีโนให้ผลผลิตเป็นสารที่มีสีน้ำเงิน กลไกปฏิกิริยายังไม่ทราบแน่ชัด แต่เชื่อว่าน่าจะเป็นไปตามแผนปฏิกิริยา 8.1

ปฏิกิริยานินไฮดรินใช้พิสูจน์เอกลักษณ์และวัดปริมาณกรดแอลฟาอะมีโน กรดแอลฟาอะมีโนทุกชนิดให้สีน้ำเงินในปฏิกิริยานินไฮดริน ยกเว้นโพรลีน (proline) และไฮดรอกซีโพรลีน (hydroxyproline) ซึ่งให้สีเหลือง

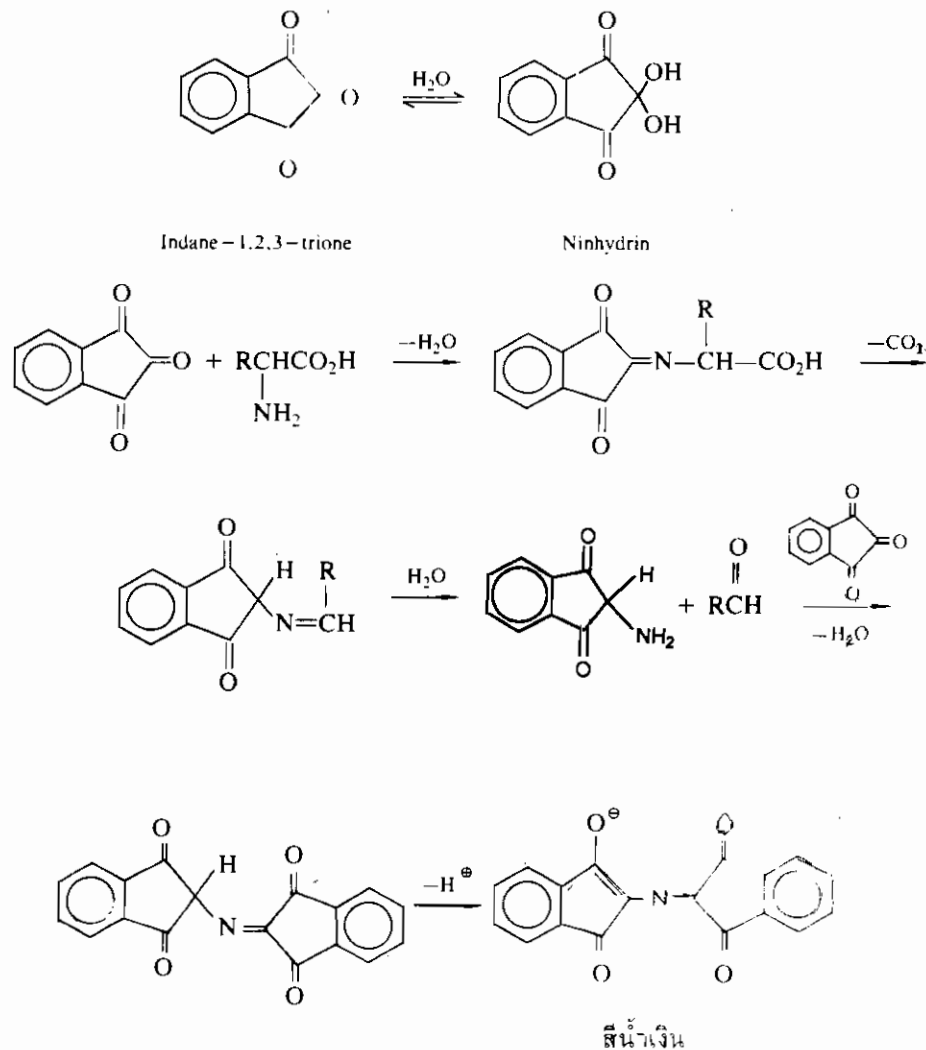
หมายเหตุ ในหัวข้อ 8.1.1.4

- ปฏิกิริยา (1)–(4) เป็นปฏิกิริยาเกิดที่หมู่อะมีโน
- ปฏิกิริยา (5)–(6) เป็นปฏิกิริยาเกิดที่หมู่คาร์บอกซิล
- ปฏิกิริยา (7) เป็นปฏิกิริยาเกิดที่หมู่อะมีโนและหมู่คาร์บอกซิล

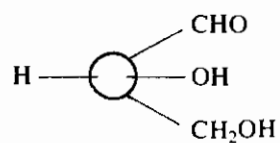
8.1.1.5 **สเตอริโอเคมี** การกำหนดทิศทางของอะตอมรอบไครัลคาร์บอนแต่ดั้งเดิมในกรดแอลฟาอะมีโนได้ใช้ระบบ D/L และใช้กันมาเป็นเวลานานประมาณกว่าครึ่งศตวรรษก่อนที่จะมีระบบใหม่ คือระบบ R/S (บทที่ 1) ที่เรานิยมใช้กันอยู่ทุกวันนี้ อย่างไรก็ตาม โครงแบบระบบ D/L ก็ยังเป็นที่ยอมรับกันแพร่หลายในปัจจุบันในสาขาวิชาชีววิทยาและสาขาวิชาชีวเคมีเริ่มแรกที่เดี่ยวโครงแบบ D/L ของสารประกอบต่าง ๆ เป็นโครงแบบสัมพัทธ์ (relative configuration) เพราะเป็นโครงแบบที่ได้จากการเปรียบเทียบกับโครงแบบของสารอ้างอิงมาตรฐานซึ่งก็คือ กลีเซอแรลดีไฮด์ (glyceraldehyde,  $\text{CH}_2\text{CHCHO}$ ) การที่กลีเซอแรลดีไฮด์ได้รับเลือก



เป็นสารอ้างอิงมาตรฐานก็เพราะกลีเซอแรลดีไฮด์เป็นคาร์โบไฮเดรตที่สามัญที่สุดคือ เป็น aldose เป็นสารกัมมันต์แสง และสามารถเปรียบเทียบโครงสร้างเพื่อหาโครงสร้างสัมพัทธ์ของคาร์โบไฮเดรตตัวอื่น ๆ ได้ นอกจากนี้แล้วกลีเซอแรลดีไฮด์มีหมู่ฟังก์ชันแอลที่ว่องไวมาก ทำให้สามารถเปลี่ยนเป็นสารอินทรีย์อื่น ๆ หรือเกี่ยวข้องกับสารอินทรีย์อื่น ๆ ได้มากมาย กลีเซอแรลดีไฮด์มีสองอิแนนทิโอเมอร์ คือ (+)-glyceraldehyde ซึ่งหมุนระนาบแสงโพลาไรส์ตามเข็มนาฬิกา ถูกกำหนดให้มีโครงสร้าง I ซึ่งเรียกว่า D-glyceraldehyde และ (-)-glyceraldehyde ซึ่งหมุนระนาบแสงโพลาไรส์ทวนเข็มนาฬิกา ถูกกำหนดให้มีโครงสร้าง II ซึ่งเรียกว่า L-glyceraldehyde

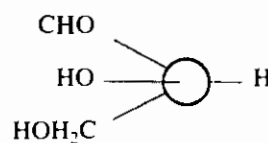


แผนปฏิกิริยา 8.1 กลไกปฏิกิริยานินไฮดริน



I

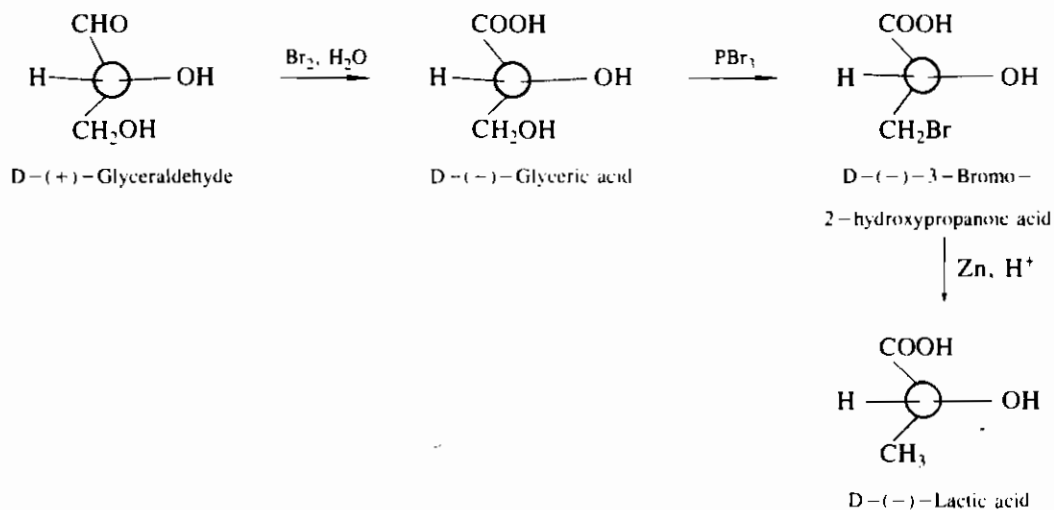
D-Glyceraldehyde



II

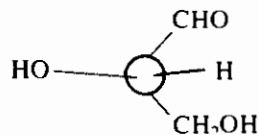
L-Glyceraldehyde

สารตัวอย่างที่ต้องการเปรียบเทียบโครงสร้างกับ D-glyceraldehyde หรือ L-glyceraldehyde สามารถทำได้โดยใช้ปฏิกิริยาเคมี ซึ่งต้องระวังไม่ให้เกิดการแตกพันธะที่เชื่อมกับไครัลคาร์บอน ถ้าสารอินทรีย์ใดเตรียมจาก D-glyceraldehyde ก็มีโครงสร้าง D ดังตัวอย่างในแผนปฏิกิริยา 8.2

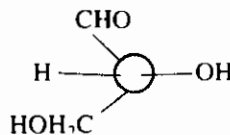


แผนปฏิกิริยา 8.2 การเปรียบเทียบโครงสร้างกับกลีเซอรอลดีไฮด์

กรดแอลฟาอะมิโนที่มีทิศทางรอบไครัลคาร์บอนเหมือนกับโครงสร้างของ L-glyceraldehyde ถูกกำหนดให้มีโครงสร้าง L และถ้ามีทิศทางรอบไครัลคาร์บอนเหมือนกับ D-glyceraldehyde ถูกกำหนดให้มีโครงสร้าง D ดังภาพ 8.2 และภาพ 8.3



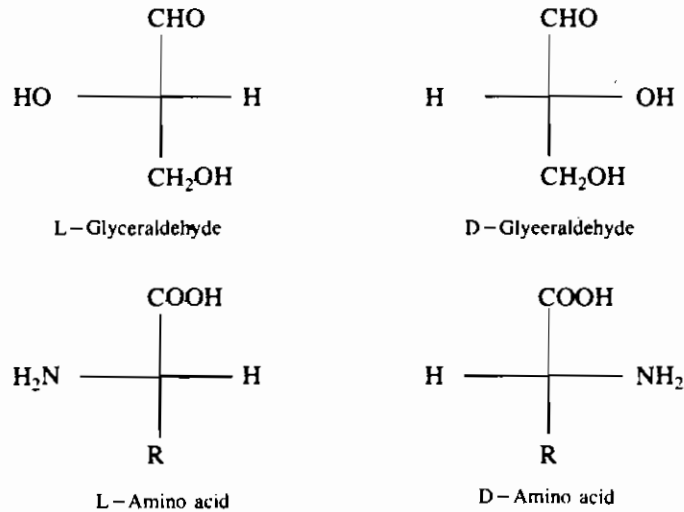
L-Glyceraldehyde



D-Glyceraldehyde



ภาพ 8.2 การเปรียบเทียบโครงแบบของกรดแอลฟาอะมีโนกับโครงแบบของกลีเซอแรลดีไฮด์ โดยใช้โครงสร้างแบบลูกกลมกับก้านไม้

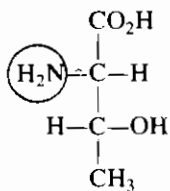


ภาพ 8.3 การเปรียบเทียบโครงแบบของกรดแอลฟาอะมีโนกับโครงแบบของกลีเซอแรลดีไฮด์ โดยใช้โครงสร้างภาพฉายแบบฟิชเชอร์

จากตาราง 8.1 จะเห็นว่ากรดแอลฟาอะมีโนทุกตัวยกเว้นไกลซีนมีไครัลคาร์บอนอย่างน้อยหนึ่งอะตอม จากการทดสอบพบว่ากรดแอลฟาอะมีโนทุกตัวยกเว้นไกลซีนเป็นสารกัมมันต์แสง การศึกษาทางสเตอริโอเคมีของกรดแอลฟาอะมีโนธรรมชาติได้ค้นพบว่า กรดแอลฟาอะมีโนธรรมชาติเหล่านี้มีโครงแบบเป็น L-amino acid

ต่อมาในปี ค.ศ. 1951 J.M. Bijvoet แห่งมหาวิทยาลัย Utrecht ประเทศเนเธอร์แลนด์ ซึ่งศึกษาการเลี้ยวเบนของรังสีเอกซ์ (X-ray diffraction) ได้พิสูจน์ยืนยันว่า สมมติฐานที่ตั้งไว้คือ (+)-glyceraldehyde มีโครงแบบเป็น D-glyceraldehyde และ (-)-glyceraldehyde มีโครงแบบเป็น L-glyceraldehyde นั้นเป็นสมมติฐานที่กลายเป็นจริง ดังนั้นโครงแบบ D/L ของสารประกอบต่าง ๆ จึงกลายเป็นโครงแบบสัมบูรณ์ (absolute configuration) ต่อมาเมื่อมีระบบ R/S ซึ่งเป็นระบบที่กำหนดโครงแบบสัมบูรณ์ระบบใหม่เกิดขึ้น โครงแบบ D ก็คือโครงแบบ R และโครงแบบ S ก็คือโครงแบบ L นั่นเอง

อนึ่ง กรดแอลฟาอะมิโนที่มีไครัลคาร์บอนมากกว่าหนึ่งอะตอม ให้พิจารณาชนิดของ โครงแบบที่ไครัลคาร์บอนที่ตำแหน่งตัวเลขน้อยที่สุด นั่นคือแอลฟาคาร์บอนของหมู่คาร์บอกซิล เช่น threonine ซึ่งเป็นกรดแอลฟาอะมิโนธรรมชาติมีโครงแบบ L ที่ C-2



L-Threonine

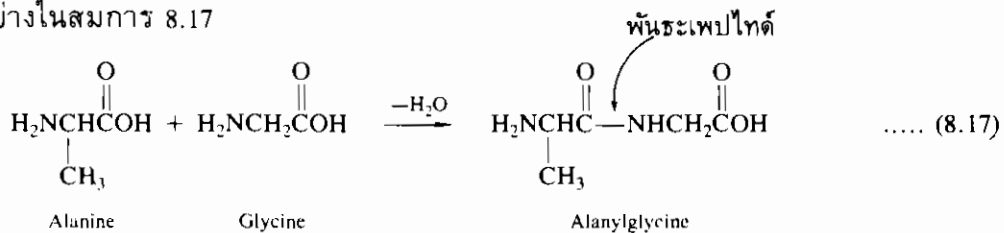
กรดแอลฟาอะมิโนในธรรมชาติพบว่ามีโครงแบบ L ดังตาราง 8.3 ซึ่งแสดงค่าการ หมุนจำเพาะของกรดแอลฟาอะมิโนธรรมชาติบางตัวด้วย

ตาราง 8.3 โครงแบบสัมบูรณ์และค่าการหมุนจำเพาะของกรดแอลฟาอะมิโนธรรมชาติ

กรดแอลฟาอะมิโน	โครงแบบสัมบูรณ์	ค่าการหมุนจำเพาะ*
Alanine	L	+1.8
Phenylalanine	L	-34.5
Leucine	L	-11.0
Isoleucine	L	+12.4
Proline	L	-86.2
Tryptophan	L	-33.7
Lysine	L	+13.5

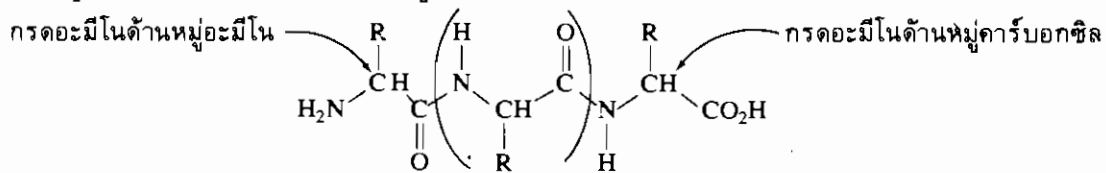
\*  $[\alpha]_D^{25}$  (H<sub>2</sub>O)

8.1.2 **เพปไทด์** เพปไทด์ (peptide) ประกอบด้วยกรดแอลฟาอะมิโนตั้งแต่สองหน่วยขึ้นไป มาต่อเข้าด้วยกัน รอยเชื่อมระหว่างกรดแอลฟาอะมิโนแต่ละคู่ซึ่งเป็นพันธะระหว่างหมู่ะมิโน ของกรดแอลฟาอะมิโนตัวหนึ่งกับหมู่คาร์บอกซิลของกรดแอลฟาอะมิโนอีกตัวหนึ่งมีชื่อเรียกว่า พันธะแอมไนด์ (amide bond) แต่มีชื่อเรียกในทางชีวเคมีว่า พันธะเพปไทด์ (peptide bond) ดังตัวอย่างในสมการ 8.17

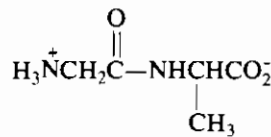


กรดแอสซายามีโนแต่ละตัวในโมเลกุลของเพปไทด์เรียกว่า หน่วย (unit) หรือ residue เพปไทด์ที่ประกอบด้วยกรดแอสซายามีโน 2 หน่วย, 3 หน่วย, 4 หน่วย และ 5 หน่วย มีชื่อเรียกว่า ไดเพปไทด์ (dipeptide) ไตรเพปไทด์ (tripeptide) เทตระเพปไทด์ (tetrapeptide) และเพนตะเพปไทด์ (pentapeptide) ตามลำดับ ส่วนพอลิเพปไทด์ (polypeptide) หมายถึง เพปไทด์ที่ประกอบด้วยกรดแอสซายามีโนหลายหน่วย ทั้งเพปไทด์และโปรตีนต่างก็ประกอบด้วยกรดแอสซายามีโนที่มาต่อเข้าด้วยกัน แต่มีความแตกต่างกันที่จำนวนกรดแอสซายามีโนเท่านั้น กล่าวคือ เพปไทด์คือพอลิเอไมด์ซึ่งมีกรดแอสซายามีโนน้อยกว่า 50 หน่วย ส่วนโปรตีนคือพอลิเอไมด์ซึ่งมีกรดแอสซายามีโนจำนวน 50 หน่วย หรือมากกว่า

8.1.2.1 โครงสร้างและการเรียกชื่อ การเขียนสูตรโครงสร้างของเพปไทด์และโปรตีน มีหลักเกณฑ์เดียวกันคือ ให้ปลายโซ่ที่มีหมู่อะมิโน (N-terminal) อยู่ทางซ้าย และให้ปลายโซ่ที่มีหมู่คาร์บอกซิล (C-terminal) อยู่ทางขวา

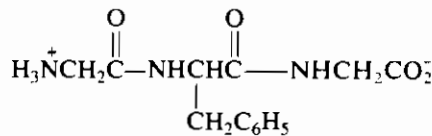


การเรียกชื่อเพปไทด์หรือโปรตีน ให้เริ่มเรียกชื่อกรดแอสซายามีโนจากปลายสุดซ้ายมือ ไปหากรดแอสซายามีโนปลายสุดขวามือตามลำดับ และให้เปลี่ยนคำลงท้ายของชื่อกรดแอสซายามีโนทุกตัวเป็น -yl ยกเว้นชื่อของกรดแอสซายามีโนที่อยู่ปลายสุดขวามือทางด้านหมู่คาร์บอกซิล เนื่องจากการเรียกชื่อโดยวิธีนี้ค่อนข้างจะยุ่งยากและไม่ชัดเจน จึงมีวิธีเรียกชื่ออีกวิธีหนึ่งโดยใช้ชื่อย่อของกรดแอสซายามีโนซึ่งประกอบด้วยตัวอักษรสามตัวและให้มีเครื่องหมาย - หรือ กั้นระหว่างชื่อกรดแอสซายามีโน ดังตัวอย่างต่อไปนี้



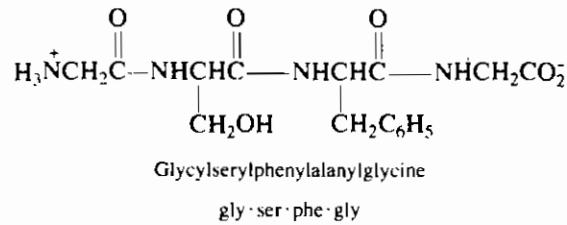
Glycylalanine

gly · ala



Glycylphenylalanylglycine

gly · phe · gly



8.1.3 ชนิดของโปรตีน โปรตีน (protein) จำแนกตามหน้าที่ได้สองประเภท คือ โปรตีนเส้นใย (fibrous protein) และโปรตีนก้อนกลม (globular protein)

8.1.3.1 โปรตีนเส้นใย โปรตีนเส้นใยมีลักษณะเป็นเส้นยาวคล้ายเส้นด้าย โซ่โปรตีนทั้งหลายจะเรียงขนานกันและยึดเหนี่ยวกันด้วยพันธะไฮโดรเจน ทนทานต่อแรงดึง ไม่ละลายน้ำ ทำหน้าที่เป็นโครงสร้างของสัตว์ จึงมีชื่อเรียกอีกอย่างหนึ่งคือ โปรตีนโครงสร้าง (structural protein) เช่น โปรตีนของผิวหนัง ผม ขน เล็บ เขาสัตว์ ขนนก เส้นเอ็น กระดูก เป็นต้น

8.1.3.2 โปรตีนก้อนกลม โปรตีนก้อนกลมมีโครงสร้างเป็นโซ่ยาวเช่นเดียวกับโปรตีนเส้นใย แต่ขดเป็นก้อนโดยให้โซ่กิ่งที่ไม่มีขั้ว (nonpolar side chain) เช่น หมู่แอลคิลซุกซอนอยู่ภายในทรงกลม พวกโซ่กิ่งที่ไม่มีขั้วจะดึงดูดกันด้วยแรงแวนเดอร์วาลส์ ส่วนโซ่กิ่งที่มีขั้ว (polar side chain) จะหันออกอยู่บริเวณผิวทรงกลมเพื่อสร้างพันธะไฮโดรเจนกับตัวทำละลายต่าง ๆ และกับน้ำได้ โปรตีนชนิดนี้จึงละลายได้ในน้ำ ทำหน้าที่ควบคุมกลไกของปฏิกิริยาต่าง ๆ ในร่างกาย เช่น ฮีโมโกลบิน (hemoglobin) ทำหน้าที่ขนถ่ายออกซิเจนจากปอดไปยังเซลล์ต่าง ๆ ในร่างกาย อินซูลิน (insulin) ทำหน้าที่ในกระบวนการเมแทบอลิซึม (metabolism) ของคาร์โบไฮเดรต สารต่อต้าน (antibody) ทำหน้าที่ต่อต้านโปรตีนที่แปลกปลอมและเป็นอันตรายต่อร่างกาย ไฟบริโนเจน (fibrinogen) ทำหน้าที่ห้ามเลือดโดยการเปลี่ยนจากโปรตีนก้อนกลมที่ละลายน้ำเป็นโปรตีนเส้นใยที่ไม่ละลายน้ำซึ่งเรียกว่า ไฟбрิน (fibrin) เป็นการอุดตันทางเดินของเลือด และฮอร์โมน (hormone) ทำหน้าที่ส่งข่าวสารไปยังส่วนต่าง ๆ ในร่างกาย เป็นต้น

8.1.4 พันธะในโปรตีน พันธะในโปรตีนแบ่งเป็นสองชนิด คือ พันธะโคเวเลนต์ (covalent bond) และพันธะนอนโคเวเลนต์ (noncovalent bond) สำหรับพันธะโคเวเลนต์ในโปรตีนมีสองชนิด คือ พันธะเพปไทด์และพันธะไดซัลไฟด์

#### 8.1.4.1 พันธะโคเวเลนต์

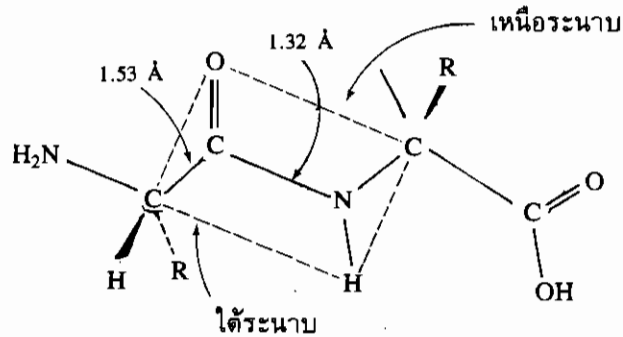
(1) พันธะเพปไทด์ พันธะเพปไทด์เป็นพันธะโคเวเลนต์ซึ่งเชื่อมกรดแอลฟาอะมิโนแต่ละหน่วยเข้าด้วยกันเป็นเพปไทด์หรือโปรตีน แต่เนื่องจากอิเล็กตรอนคู่ไม่สร้างพันธะที่ไนโตรเจน



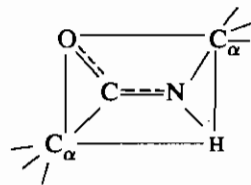
อะตอม สามารถเคลื่อนที่ไปที่หมู่คาร์บอนิลได้ จึงทำให้พันธะเพปไทด์หรือพันธะ C—N ในแอไมด์มีสภาพพันธะคู่เล็กน้อย



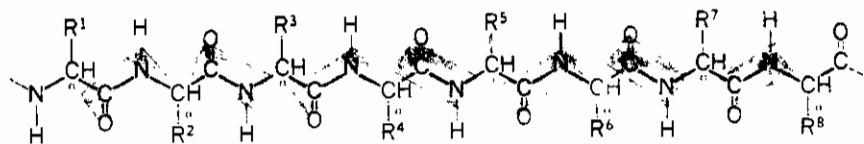
ข้อยืนยันที่แสดงว่าพันธะเพปไทด์มีสภาพพันธะคู่ก็คือความยาวพันธะ พันธะเพปไทด์มีความยาวสั้นกว่าพันธะเดี่ยว C—N โดยทั่วไป กล่าวคือ พันธะ C—N ในแอไมด์มีความยาว 1.32 Å แต่พันธะเดี่ยว C—N ในอะมีนมีความยาว 1.47 Å



การที่อิเล็กตรอนของไนโตรเจนสามารถเคลื่อนที่เข้าไปในหมู่คาร์บอนิลได้ ทำให้สภาพเบสที่ไนโตรเจนลดลง นอกจากนี้เนื่องจากพันธะเพปไทด์มีสภาพพันธะคู่ จึงทำให้พันธะ C—N ถูกตรึงไว้ ไม่สามารถหมุนได้อย่างอิสระ และอะตอมต่าง ๆ ที่เกาะกับหมู่คาร์บอนิลและที่เกาะกับไนโตรเจนอะตอมอยู่ในระนาบเดียวกัน

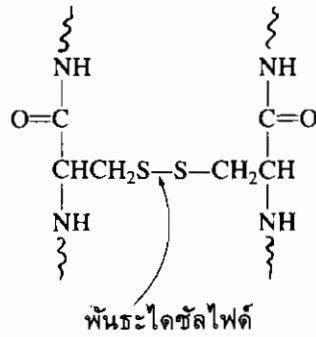


พันธะที่ยังหมุนได้อย่างอิสระในเพปไทด์และโปรตีน คือ พันธะ C<sub>α</sub>—N และพันธะ C<sub>α</sub>—C

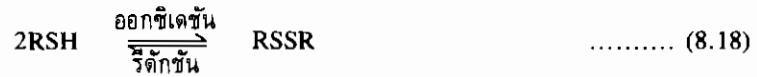


นอกจากนี้แล้วการวิเคราะห์ด้วยรังสีเอกซ์ยังพบว่า โซ่กึ่ง (R) ซึ่งเกาะอยู่กับระนาบของพันธะเพปไทด์จะอยู่ตรงข้ามกันเพื่อลดการปะทะกันระหว่างโซ่กึ่งด้วยกัน

(2) พันธะไดซัลไฟด์ พันธะไดซัลไฟด์ (disulfide bond) เป็นพันธะโคเวเลนต์ซึ่งเชื่อมระหว่างกรดแอลฟาอะมิโนในโซ่เพปไทด์หรือโซ่โปรตีนที่ตำแหน่งซิสเทอีน (cysteine)

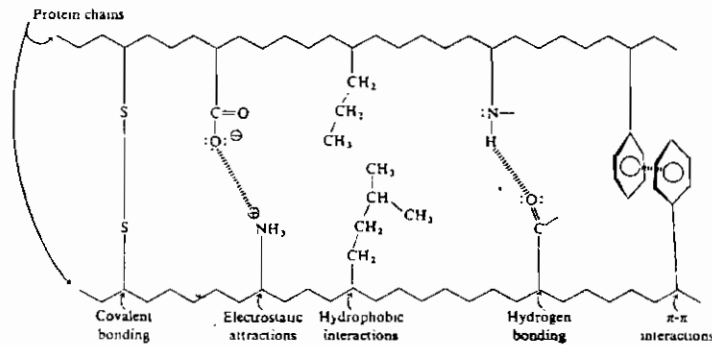


ไดซัลไฟด์ (R-S-S-R) เกิดจากปฏิกิริยาออกซิเดชันอย่างอ่อนของสารประกอบประเภทไทออล (thiol) พันธะไดซัลไฟด์ถูกรีดิวซ์ได้ง่ายทำให้ได้ไทออลกลับคืนมา ดังสมการ 8.18



พันธะไดซัลไฟด์ที่เชื่อมระหว่างซิสเทอีนสองหน่วยในโซ่เดียวกันจะทำให้เกิดเป็นวงในโซ่ขึ้น แต่ถ้าพันธะไดซัลไฟด์เชื่อมระหว่างซิสเทอีนสองหน่วยซึ่งอยู่คนละโซ่จะเป็นการเชื่อมโซ่ทั้งสองเข้าด้วยกัน

8.1.4.2 พันธะนอนโคเวเลนต์ นอกจากพันธะโคเวเลนต์ที่ได้กล่าวมาแล้ว โปรตีนยังมีพันธะนอนโคเวเลนต์ซึ่งจะช่วยให้รูปทรงต่าง ๆ ของโปรตีนคงรูปคงร่างอยู่ได้โดยไม่เปลี่ยนแปลง พันธะนอนโคเวเลนต์เหล่านี้ได้แก่ แรงดึงดูดไฟฟ้าสถิต (electrostatic attraction) อันตรกิริยาของหมู่อะตอมที่ไม่ชอบน้ำ (hydrophobic interaction) พันธะไฮโดรเจน (hydrogen bonding) และอันตรกิริยาระหว่างพันธะพาย (π-π interaction) (ดูภาพ 8.4)

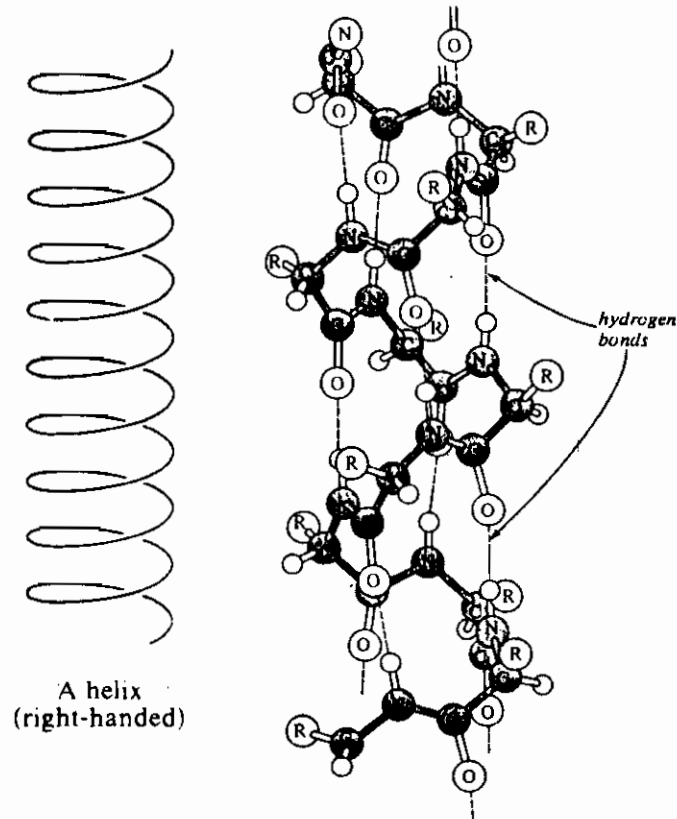


ภาพ 8.4 พันธะโคเวเลนต์และพันธะนอนโคเวเลนต์ในโปรตีน

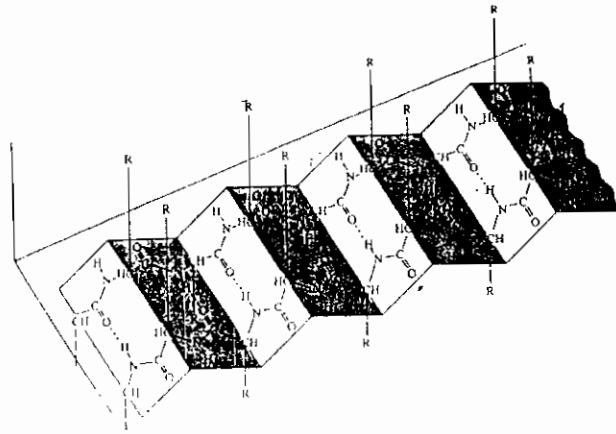
8.1.5 โครงสร้างของโปรตีน โครงสร้างของโปรตีนแบ่งได้เป็นสี่ระดับ คือ โครงสร้างปฐมภูมิ (primary structure) โครงสร้างทุติยภูมิ (secondary structure) โครงสร้างตติยภูมิ (tertiary structure) และโครงสร้างจตุตถภูมิ (quarternary structure)

8.1.5.1 โครงสร้างปฐมภูมิ โครงสร้างปฐมภูมิเป็นโครงสร้างที่บอกถึงจำนวนและลำดับการจัดเรียงตัวของกรดแอลฟาอะมิโนในโซ่โปรตีนโดยไม่ต้องแสดงตำแหน่งของพันธะต่าง ๆ

8.1.5.2 โครงสร้างทุติยภูมิ โครงสร้างทุติยภูมิเป็นโครงสร้างของโปรตีนอันเป็นผลมาจากอันตรกิริยาแบบไม่สร้างพันธะ (nonbonding interaction) ของหมู่ฟังก์ชันัลต่าง ๆ ในโปรตีน ทำให้โปรตีนมีโครงรูปที่สำคัญได้สองแบบ คือ รูปเกลียวชนิดแอลฟา ( $\alpha$ -helix) ดังภาพ 8.5 และรูปแผ่นหยักลอนชนิดเบตา ( $\beta$ -pleated sheet) ดังภาพ 8.6

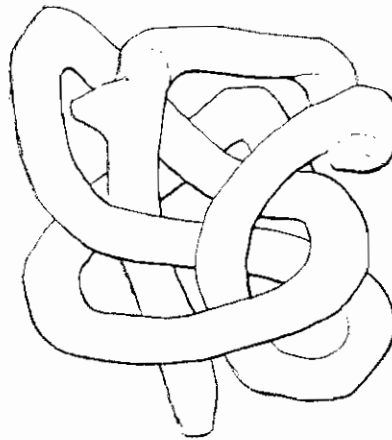


ภาพ 8.5 โครงสร้างทุติยภูมิแบบหนึ่งของโปรตีนเป็นรูปเกลียวชนิดแอลฟา



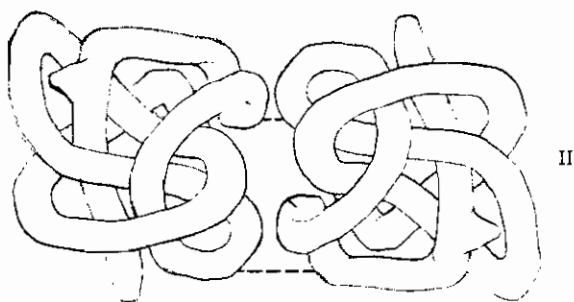
ภาพ 8.6 โครงสร้างทุติยภูมิอีกแบบหนึ่งของโปรตีนเป็นรูปแผ่นหยักลอนชนิดเบตา

8.1.5.3 โครงสร้างตติยภูมิ โครงสร้างตติยภูมิเป็นโครงสร้างที่เกิดจากการขดและพันไปมาของโซ่โปรตีนรูปเกลียว ทำให้โปรตีนมีลักษณะเป็นก้อนและคงรูปคงร่างไว้ด้วยอันตรกิริยาแบบไม่สร้างพันธะและพันธะไดซัลไฟด์ (ภาพ 8.7)



ภาพ 8.7 โครงสร้างตติยภูมิของโปรตีน

8.1.5.4 โครงสร้างจตุตถภูมิ โครงสร้างจตุตถภูมิเป็นโครงสร้างของโปรตีนที่ประกอบด้วยโครงสร้างตติยภูมิประกบเข้าคู่กัน แต่ละโครงสร้างตติยภูมิในโครงสร้างจตุตถภูมิเรียกว่า มอนอเมอร์ มอนอเมอร์ทั้งหลายในโครงสร้างจตุตถภูมิจะยึดเหนี่ยวกันไว้ด้วยอันตรกิริยาแบบไม่สร้างพันธะ ตัวอย่างเช่น ฮีโมโกลบินเป็นเทตระเมอร์ซึ่งประกอบด้วยโซ่เพปไทด์สี่โซ่ซึ่งแต่ละโซ่มีลักษณะเป็นโครงสร้างตติยภูมิแล้วมาประกบกัน เอนไซม์ชื่อ phosphorylase เป็นไดเมอร์ซึ่งประกอบด้วยโซ่เพปไทด์สองโซ่ โดยที่แต่ละโซ่มีโครงสร้างตติยภูมิมาประกบเข้าคู่กัน ดังภาพ 8.8

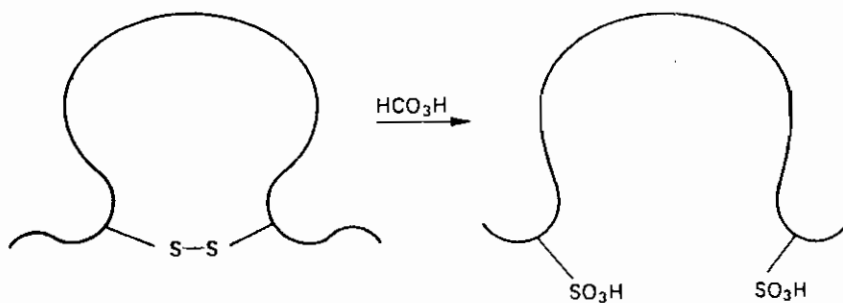


ภาพ 8.8 โครงสร้างจุดดกภูมิของโปรตีน

**8.1.6 การหาโครงสร้างปฐมภูมิของโปรตีน** การวิเคราะห์โดยใช้ปฏิกิริยาเคมีจะทำให้เราทราบโครงสร้างปฐมภูมิของโปรตีนได้ การทราบโครงสร้างปฐมภูมิจะทำให้เราทราบโครงสร้างทุติยภูมิ โครงสร้างตติยภูมิ และโครงสร้างจุดดกภูมิได้ในที่สุด การหาโครงสร้างปฐมภูมิมีสี่ขั้นตอนดังต่อไปนี้

**8.1.6.1 ปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำอย่างสมบูรณ์** ปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำอย่างสมบูรณ์ (complete hydrolysis) เป็นการทำให้กรดแอลฟาอะมิโนทั้งหมดในพอลิเพปไทด์หรือโปรตีนแตกตัวเป็นกรดแอลฟาอะมิโนอิสระ

ก่อนที่จะทำให้พอลิเพปไทด์หรือโปรตีนแยกสลายด้วยน้ำอย่างสมบูรณ์จะต้องทำลายพันธะไดซัลไฟด์ซึ่งมีอยู่ในพอลิเพปไทด์หรือโปรตีนเสียก่อน โดยการออกซิไดส์ซัลไฟด์ด้วยกรดเพอร์ออกซิฟอร์มิก (peroxyformic acid) ซึ่งจะเปลี่ยนซิสเทอีนเป็นกรดซิสเทอิก (cysteic acid) สองหน่วย (สมการ 8.19) แต่ถ้าโปรตีนไม่มีพันธะไดซัลไฟด์ก็ข้ามขั้นตอนนี้ไปได้

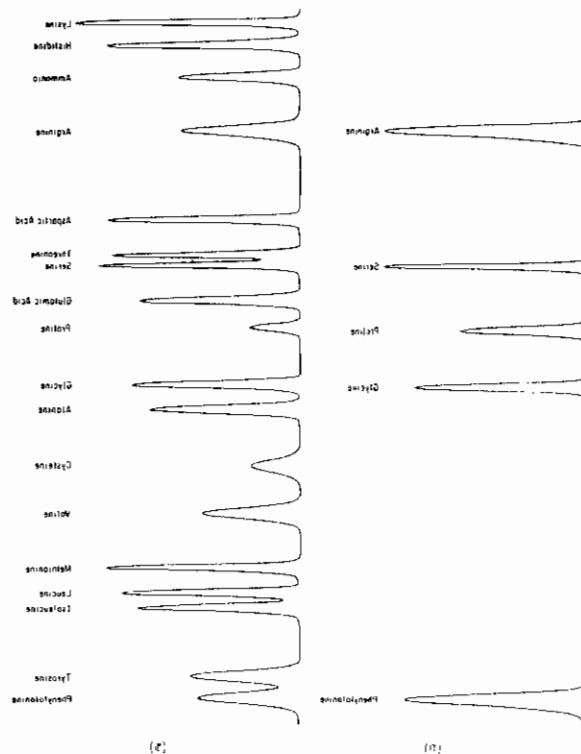


..... (8.19)

ปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำอย่างสมบูรณ์ที่พันธะแอมไต์ในพอลิเพปไทด์หรือโปรตีน ใช้ 6N HCl ที่อุณหภูมิ 110° ต้มเป็นเวลา 24 ชั่วโมง ซึ่งนับว่านานเพียงพอที่จะทำให้กรดแอลฟาอะมิโนทุกตัวในโปรตีนแตกตัวออกมาเป็นอิสระ สารละลายจากปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำนี้เมื่อทำให้บริสุทธิ์และนำไปวิเคราะห์โดยวิธีโครมาโทกราฟีแล้ว จะทำให้ทราบปริมาณและอัตราส่วนของกรดแอลฟาอะมิโนชนิดต่าง ๆ ในโปรตีนนั้นได้ (ภาพ 8.9)

8.1.6.2 ปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำเพียงบางส่วน ปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำเพียงบางส่วน (partial hydrolysis) จะตัดพอลิเพปไทด์หรือโปรตีนเป็นเส้นสั้น ๆ มีหลายวิธี วิธีที่ดีที่สุดคือใช้เอนไซม์เป็นตัวเร่ง เอนไซม์ที่ทำหน้าที่นี้เรียกว่า proteolase ซึ่งจะทำหน้าที่ตัดโปรตีนขาดเฉพาะแห่ง proteolase มีหลายตัว ได้แก่

(1) **ทริปซิน (trypsin)** เป็นเอนไซม์ที่จะตัดโปรตีนขาดทางด้านขวาของ lysine (lys) และ arginine (arg)



ภาพ 8.9 การพิสูจน์เอกลักษณ์ของกรดแอลฟาอะมิโนโดยโครมาโทกราฟี  
 (ก) โครมาโทแกรมของสารตัวอย่าง  
 (ข) โครมาโทแกรมของสารละลายมาตรฐานที่ทราบชนิดของกรดแอลฟาอะมิโนและมีจำนวนโมลเท่า ๆ กัน

(2) **คีโมทริปซิน (chymotrypsin)** เป็นเอนไซม์ที่จะตัดโปรตีนขาดทางด้านขวาของ phenylalanine (phe), tryptophan (trp) และ tyrosine (tyr)

(3) **เพปซิน (pepsin)** เป็นเอนไซม์ที่จะตัดโปรตีนขาดทางด้านขวาของ phenylalanine (phe), tryptophan (trp), tyrosine (tyr), leucine (leu), aspartic acid (asp) และ glutamic acid (glu)

นอกจากจะใช้เอนไซม์เป็นตัวเร่งแล้ว ยังมีอีกวิธีหนึ่งคือการใช้สารเคมีเป็นตัวเร่งในการตัดพอลิเพปไทด์หรือโปรตีนเป็นท่อนสั้น ๆ สารเคมีที่กล่าวถึงนี้คือ ไซแอนเจนโบรไมด์ (cyanogen bromide, CNBr) สารเคมีนี้จะตัดโปรตีนขาดทางด้านขวาของ methionine (met)

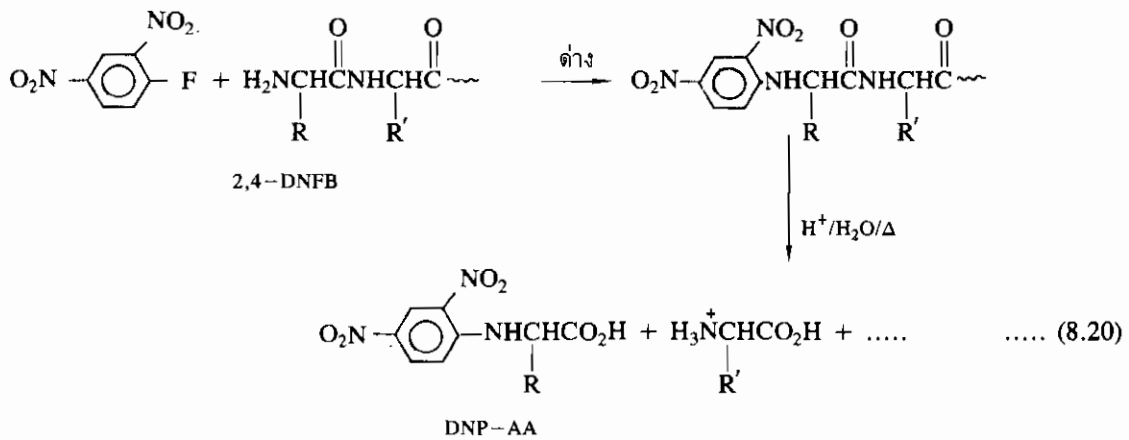
หลักการของปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำเพียงบางส่วนก็คือ ให้พอลิเพปไทด์หรือโปรตีนทำปฏิกิริยาโดยใช้เอนไซม์ตัวใดตัวหนึ่ง โดยมากมักจะใช้ทริปซินเพราะทำให้เกิดการแยกสลายด้วยน้ำที่ตำแหน่งตามต้องการได้ดีที่สุด สารละลายจากปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำจะถูกนำไปแยกเอาเพปไทด์ชนิดต่าง ๆ ออกจากกันโดยวิธีโครมาโทกราฟี เพปไทด์สั้นสั้น ๆ แต่ละเส้นที่ได้จากปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำเพียงบางส่วนของโปรตีนจะประกอบด้วยกรดแอมลฟออะมีโนประมาณ 2-20 หน่วย

กระบวนการแยกสลายด้วยน้ำเพียงบางส่วนจะกระทำใหม่อีกครั้งหนึ่ง โดยใช้เอนไซม์ตัวอื่นทำการแยกสลายโปรตีนชนิดเดียวกันด้วยน้ำ แต่โดยมากจะใช้สารเคมีคือไซแอนเจนโบรไมด์

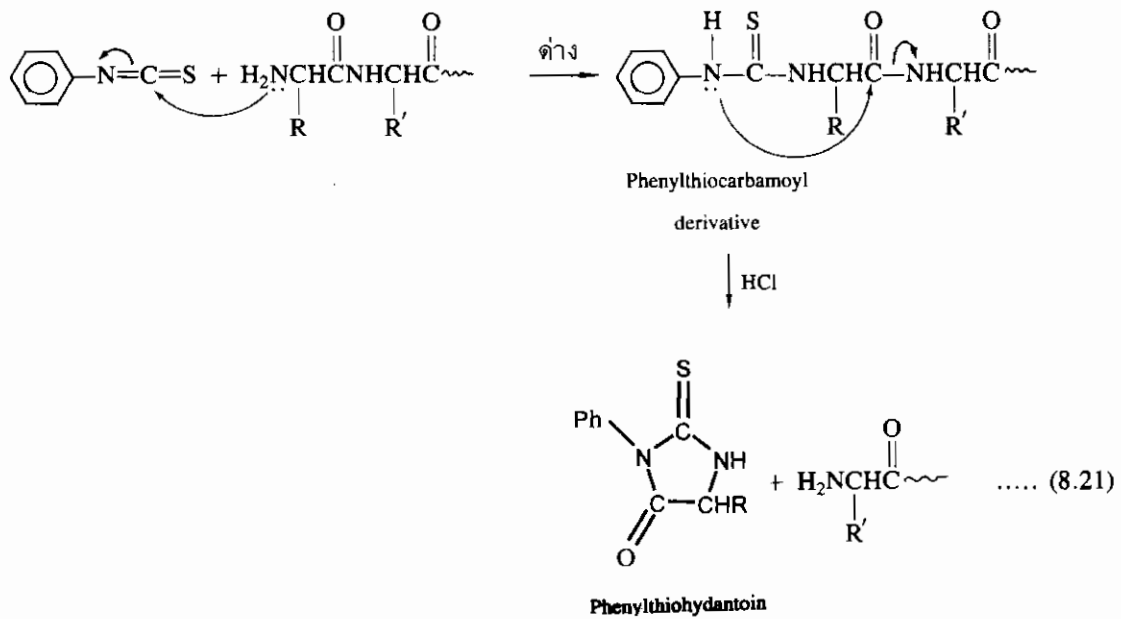
เพปไทด์ท่อนสั้น ๆ ทั้งหมดที่ได้จากปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำเพียงบางส่วนทั้งสองครั้งจะถูกนำไปวิเคราะห์เพื่อหาลำดับการเรียงตัวของกรดแอมลฟออะมีโนต่อไป

8.1.6.3 การหากรดแอมลฟออะมีโนปลายโซ่ด้านหมู่อะมีโน การหาชนิดของกรดแอมลฟออะมีโนที่ปลายโซ่ด้านหมู่อะมีโนมีสองวิธีคือ วิธีของแซงเจอร์ (Sanger method) และการทำให้แตกสลายแบบเอ็ดมัน (Edman degradation)

(1) **วิธีของแซงเจอร์** หมู่อะมีโนที่ปลายโซ่ของพอลิเพปไทด์หรือโปรตีนเมื่อทำปฏิกิริยากับ 2,4-dinitrofluorobenzene (2,4-DNFB) ในเอทานอล จะเกิดปฏิกิริยาการแทนที่แอมโรแมทิกด้วยนิวคลีโอไฟล์ ทำให้หมู่อะมีโนที่ปลายโซ่โปรตีนมีหมู่ 2,4-DNP เกาะอยู่ ซึ่งจะถูกนำไปให้แยกสลายด้วยน้ำอย่างสมบูรณ์ต่อไป กรดแอมลฟออะมีโนทุกตัวในโซ่โปรตีนจะแตกตัวออกมาเป็นอิสระ ส่วนกรดแอมลฟออะมีโนที่ปลายโซ่ด้านหมู่อะมีโนจะมีหมู่ 2,4-DNP เกาะอยู่ด้วย ซึ่งมีชื่อย่อว่า DNP-AA เป็นสารสีเหลือง (สมการ 8.20) เมื่อแยก DNP-AA ออกมาและพิสูจน์โดยวิธีโครมาโทกราฟีแล้ว ก็จะทราบว่ากรดแอมลฟออะมีโนที่ปลายโซ่ด้านหมู่อะมีโนเป็นกรดแอมลฟออะมีโนตัวใด



(2) การทำให้แตกสายแบบเอ็ดมัน วิธีนี้ค้นพบโดย Pehr Edman จากสถาบัน Max Planck Institute of Biochemistry เมือง Munich ประเทศเยอรมันนี่ เป็นวิธีที่นิยมใช้กันแพร่หลายมากที่สุด วิธีนี้เป็นปฏิกิริยาระหว่างหมู่อะมิโนกับ phenyl isothiocyanate ให้ผลผลิตเป็นสารประกอบประเภทไทโอยูเรีย (thiourea) ต่อจากนั้นจะให้ทำปฏิกิริยาการแยกสลายอย่างอ่อนด้วยน้ำที่มีกรดเกลือ จะทำให้กรดแอลฟาอะมิโนเฉพาะที่อยู่ปลายโซ่ด้านหมู่อะมิโนเพียงหมู่เดียวหลุดออกมาในสภาพของ phenylthiohydantoin (สมการ 8.21) ซึ่งจะถูกแยกออกไปเพื่อนำไปพิสูจน์เอกลักษณ์ต่อไป





ข้อดีของวิธีของเอดมันก็คือ หลังจากปฏิกิริยาการแยกสลายอย่างอ่อนด้วยน้ำแล้ว กรดแอลฟาอะมิโนที่เหลืออยู่ในโซ่เพปไทด์จะไม่แตกตัวออกมาเป็นอิสระ ดังนั้นโซ่เพปไทด์ที่เหลือจึงสามารถเวียนกลับไปวิเคราะห์ซ้ำอีกได้ โดยที่หมู่อะมิโนตัวใหม่จะเป็นของกรดแอลฟาอะมิโนตัวในถัดเข้าไป กระบวนการทั้งหมดของวิธีเอดมันซึ่งรวมทั้งการพิสูจน์เอกลักษณ์ด้วยสามารถกระทำได้อย่างอัตโนมัติในเครื่องมือสำเร็จที่เรียกว่า Protein sequencer ในทางปฏิบัติ การวิเคราะห์กรดแอลฟาอะมิโนจากปลายโซ่ตามวิธีของเอดมันไม่ควรเกิน 15–20 หน่วย ถ้ามากกว่านี้สารละลายอาจมีกรดแอลฟาอะมิโนชนิดต่าง ๆ ปะปนกันมากเกินไป อาจทำให้ผลการทดลองคลาดเคลื่อนได้

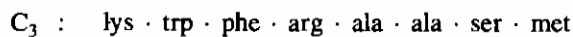
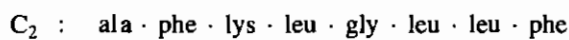
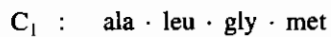
8.1.6.4 การหากรดแอลฟาอะมิโนปลายโซ่ด้านหมู่คาร์บอกซิล วิธีที่ประสบผลสำเร็จในการวิเคราะห์กรดแอลฟาอะมิโนที่ปลายโซ่ด้านหมู่คาร์บอกซิลคือวิธีที่ใช้เอนไซม์ซึ่งเป็นวิธีที่ดีกว่าใช้สารเคมี กรดแอลฟาอะมิโนที่อยู่ปลายโซ่ด้านหมู่คาร์บอกซิลจะถูกดึงออกจากโซ่โดยใช้เอนไซม์ชื่อ carboxypeptidase ซึ่งสกัดได้จากตับอ่อน กรดแอลฟาอะมิโนที่หลุดออกมาจะถูกนำไปเพื่อพิสูจน์เอกลักษณ์ต่อไป ส่วนโซ่เพปไทด์ที่เหลือ กรดแอลฟาอะมิโนตัวในถัดไปทางด้านหมู่คาร์บอกซิลก็จะเป็นกรดแอลฟาอะมิโนปลายโซ่ตัวใหม่ต่อไป เอนไซม์ดังกล่าวก็จะทำหน้าที่ดึงกรดแอลฟาอะมิโนตัวใหม่ที่ปลายโซ่ให้หลุดออกมาอีก เช่นนี้เรื่อยไป จะทำให้ทราบชนิดของกรดแอลฟาอะมิโนจากปลายโซ่ด้านหมู่คาร์บอกซิลเป็นลำดับ ในทางปฏิบัติควรวิเคราะห์เพียง 3–4 หน่วย มิฉะนั้นอาจได้ข้อมูลที่ไม่ถูกต้อง

ตัวอย่าง Eicosapeptide เป็นเพปไทด์ชนิดหนึ่งซึ่งประกอบด้วยกรดแอลฟาอะมิโนจำนวน 20 หน่วย มีองค์ประกอบดังนี้ gly<sub>2</sub>, ala<sub>4</sub>, leu<sub>4</sub>, phe<sub>3</sub>, trp, lys<sub>2</sub>, met<sub>2</sub>, ser, arg จากการวิเคราะห์กรดแอลฟาอะมิโนที่ปลายโซ่ด้านหมู่อะมิโนโดยวิธีของแซงเอร์พบว่า เป็น alanine และที่ปลายโซ่ด้านหมู่คาร์บอกซิล โดยใช้เอนไซม์ชื่อ carboxypeptidase พบว่าเป็น phenylalanine เพปไทด์นี้ถูกแยกสลายด้วยน้ำโดยใช้เอนไซม์ทริปซินเป็นตัวเร่งจะถูกตัดเป็นสี่ท่อน คือ เป็นไทโรเพปไทด์หนึ่งท่อน เพนทอะเพปไทด์สองท่อน และเฮปทอะเพปไทด์หนึ่งท่อน เพปไทด์สั้น ๆ ทั้งสี่ท่อนนี้ได้ถูกนำไปวิเคราะห์หาลำดับการเรียงตัวของกรดแอลฟาอะมิโนและปรากฏผลดังนี้

- T<sub>1</sub> : trp · phe · arg
- T<sub>2</sub> : ala · leu · gly · met · lys
- T<sub>3</sub> : leu · gly · leu · leu · phe
- T<sub>4</sub> : ala · ala · ser · met · ala · phe · lys

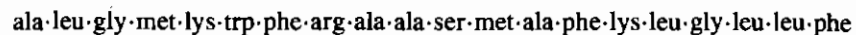
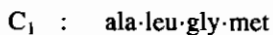
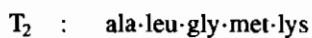
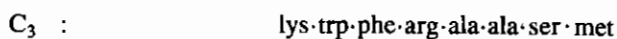
จากผลการทดลองถึงขั้นนี้ทำให้เราทราบว่า T<sub>3</sub> ซึ่งมี phenylalanine เป็นหน่วยสุดท้ายที่ปลายโซ่เป็นชิ้นส่วนที่อยู่ทางปลายขวามือ และ T<sub>2</sub> หรือ T<sub>4</sub> ซึ่งมี alanine อยู่ทางปลายโซ่ด้านหมู่อะมีโนจะเป็นชิ้นส่วนก่อนแรกที่อยู่ทางปลายซ้ายมือ แต่ไม่สามารถบอกได้ในขั้นนี้ว่าก่อนแรกทางซ้ายมือจะเป็น T<sub>2</sub> หรือ T<sub>4</sub> ดังนั้นข้อมูลที่ได้อันถึงขั้นนี้จึงไม่เพียงพอที่จะตัดสินได้ว่าเพปไทด์ดังกล่าวมีลำดับการเรียงตัวของกรดแอลฟาอะมีโนตลอดทั้งเส้นเป็นอย่างไร

ขั้นต่อไปจึงต้องนำ eicosapeptide มาอีกจำนวนหนึ่ง และให้แยกสลายด้วยน้ำโดยใช้ไซแอนเจนโบรมไนด์เป็นตัวเร่ง ทำให้แบ่งเพปไทด์เป็นเส้นสั้น ๆ ได้ 3 ท่อน เมื่อแยกเพปไทด์เส้นสั้น ๆ ทั้งสามท่อนออกจากกันแล้ว ก็นำไปวิเคราะห์หาลำดับการเรียงตัวของกรดแอลฟาอะมีโนแต่ละท่อนต่อไป และปรากฏผลดังนี้

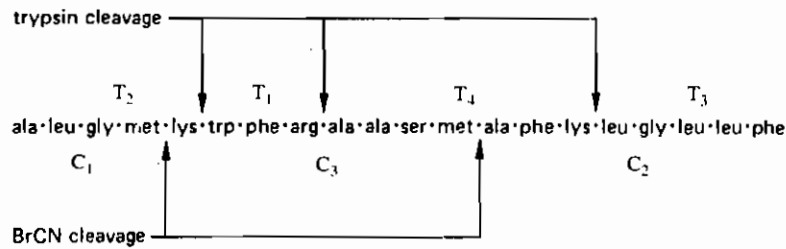


จากผลการทดลองโดยใช้ไซแอนเจนโบรมไนด์ทำให้ทราบว่า C<sub>2</sub> ซึ่งมี phenylalanine อยู่ทางปลายโซ่ด้านหมู่อะมีโนเป็นชิ้นส่วนที่อยู่ปลายสุดขวามือของโซ่เพปไทด์

โดยการเริ่มต้นจากชิ้นส่วนที่อยู่ปลายสุดข้างใดข้างหนึ่งที่เราทราบแน่นอนแล้วก่อนซึ่งในตัวอย่างนี้คือ T<sub>3</sub> และ C<sub>2</sub> ที่ได้จากทั้งสองปฏิกิริยาเป็นชิ้นส่วนทางขวามือสุด และโดยการจัดให้กรดแอลฟาอะมีโนในโซ่เพปไทด์ทั้งสองสายให้ตรงกันแล้ว จะทำให้เราทราบลำดับการเรียงตัวของกรดแอลฟาอะมีโนทั้งสายได้ ดังต่อไปนี้



จะเห็นได้ว่าเมื่อโซ่เพปไทด์ในตัวอย่างข้างต้นถูกแยกสลายด้วยน้ำโดยใช้เอนไซม์และไซแอนเจนโบรมไนด์เป็นตัวเร่ง จะตัดโซ่เพปไทด์ขาดที่ตำแหน่งต่าง ๆ ดังรายละเอียดต่อไปนี้



## 8.2 คาร์โบไฮเดรต

คาร์โบไฮเดรตเป็นสารประกอบประเภทพอลิไฮดรอกซีแอลดีไฮด์ (polyhydroxy aldehyde) หรือพอลิไฮดรอกซีคีโตน (polyhydroxy ketone) หรือสารประกอบใดที่ถูกแยกสลายด้วยน้ำแล้วให้พอลิไฮดรอกซีแอลดีไฮด์หรือพอลิไฮดรอกซีคีโตน

คาร์โบไฮเดรตแบ่งออกเป็นประเภทต่าง ๆ ดังนี้

(1) **มอโนแซ็กคาไรด์ (monosaccharide)** คือ คาร์โบไฮเดรตที่ไม่สามารถแยกสลายด้วยน้ำได้ต่อไปอีกแล้ว

(2) **ไดแซ็กคาไรด์ (disaccharide)** คือ คาร์โบไฮเดรตที่แยกสลายด้วยน้ำแล้วให้มอโนแซ็กคาไรด์สองโมเลกุล

(3) **ไตรแซ็กคาไรด์ (trisaccharide)** คือ คาร์โบไฮเดรตที่แยกสลายด้วยน้ำแล้วให้มอโนแซ็กคาไรด์สามโมเลกุล

(4) **เตตระแซ็กคาไรด์ (tetrasaccharide)** คือ คาร์โบไฮเดรตที่แยกสลายด้วยน้ำแล้วให้มอโนแซ็กคาไรด์สี่โมเลกุล

(5) **พอลิแซ็กคาไรด์ (polysaccharide)** คือ คาร์โบไฮเดรตที่แยกสลายด้วยน้ำแล้วให้มอโนแซ็กคาไรด์หลายโมเลกุล

คาร์โบไฮเดรตที่ประกอบด้วยมอโนแซ็กคาไรด์ 2-9 โมเลกุล มีชื่อเรียกรวมกันว่า ออลิโกแซ็กคาไรด์ (oligosaccharide) มอโนแซ็กคาไรด์และออลิโกแซ็กคาไรด์มีชื่อเรียกอีกอย่างหนึ่งว่า น้ำตาล (sugar)

### 8.2.1 มอโนแซ็กคาไรด์

#### 8.2.1.1 ประเภทของมอโนแซ็กคาไรด์

(1) **จำแนกตามหมู่ฟังก์ชันนัล** ถ้าจำแนกมอโนแซ็กคาไรด์ตามประเภทของหมู่ฟังก์ชันนัลแล้ว จะมีมอโนแซ็กคาไรด์สองประเภทคือ

**แอลโดส (aldose)** คือ มอโนแซ็กคาไรด์ที่มีหมู่แอลดีไฮด์เป็นหมู่ฟังก์ชันนัล

**คีโทส (ketose)** คือ มอโนแซ็กคาไรด์ที่มีหมู่คีโตนเป็นหมู่ฟังก์ชันนัล

(2) จำแนกตามจำนวนคาร์บอนอะตอม ถ้าจำแนกมอโนแซ็กคาไรด์ตามจำนวนคาร์บอนอะตอมแล้ว จะมีมอโนแซ็กคาไรด์ประเภทต่าง ๆ ดังนี้

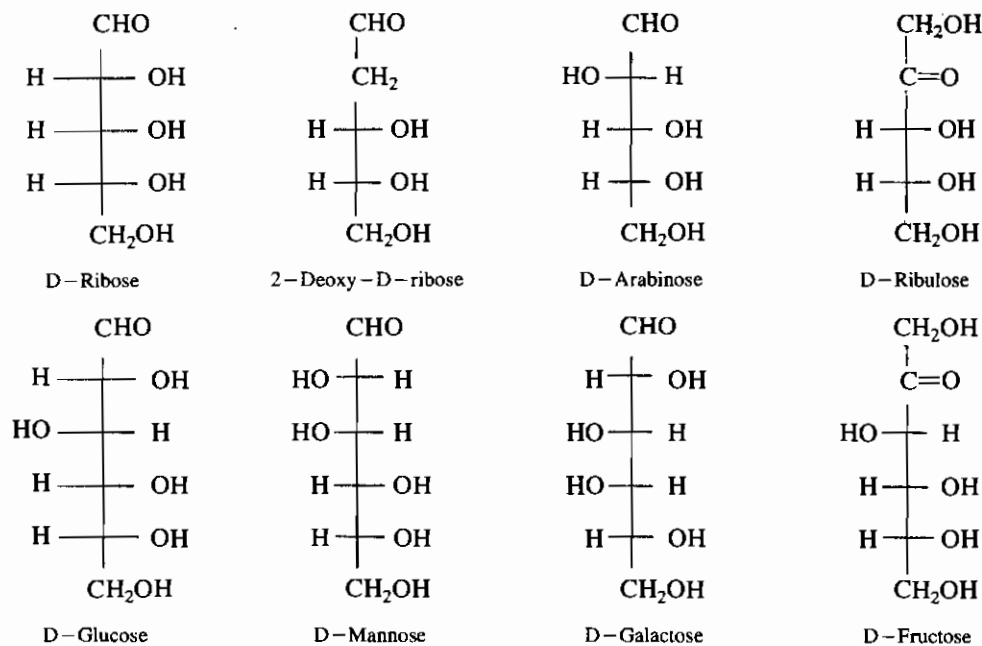
ไตรออส (triose) คือ มอโนแซ็กคาไรด์ที่มีคาร์บอนสามอะตอม

เตโตรส (tetrose) คือ มอโนแซ็กคาไรด์ที่มีคาร์บอนสี่อะตอม

เพนโทส (pentose) คือ มอโนแซ็กคาไรด์ที่มีคาร์บอนห้าอะตอม

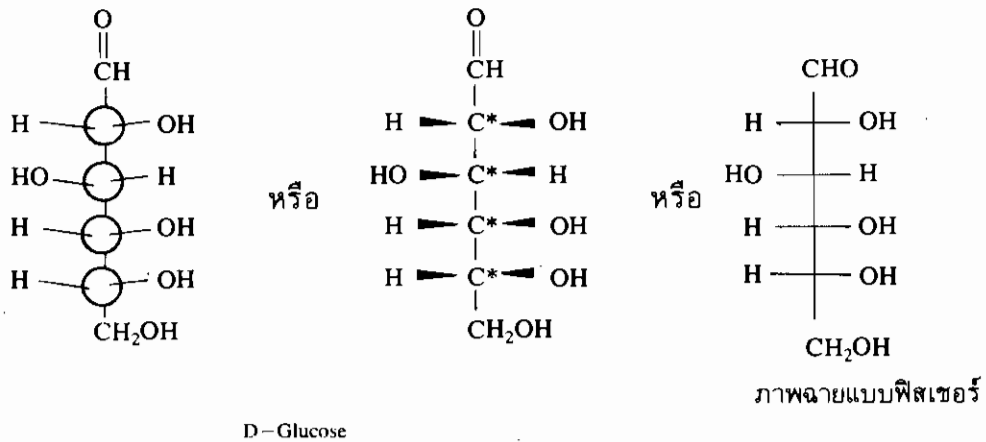
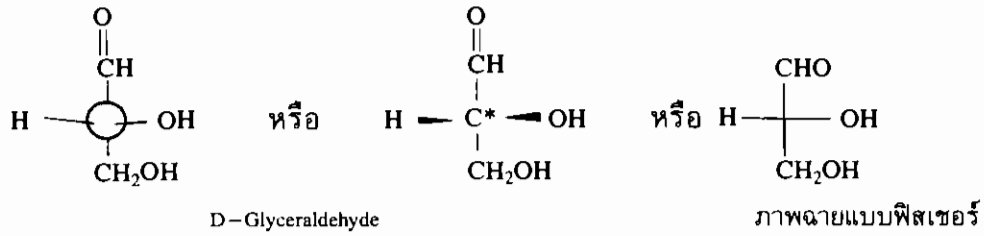
เฮกโซส (hexose) คือ มอโนแซ็กคาไรด์ที่มีคาร์บอนหกอะตอม

การจำแนกมอโนแซ็กคาไรด์ทั้งสองประเภทมักจะใช้คู่กันไปเพื่อบอกชนิดของหมู่ฟังก์ชันัลและจำนวนคาร์บอนอะตอม เช่น แอลโดสที่มีคาร์บอนสี่อะตอมเรียกว่า แอลโดเตโตรส (aldotetrose) คีโอสที่มีคาร์บอนห้าอะตอมเรียกว่า คีโทเพนโทส (ketopentose) เป็นต้น (ภาพ 8.10)



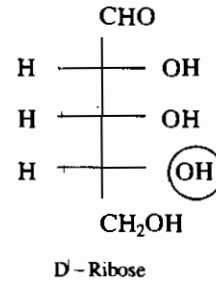
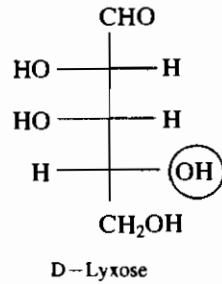
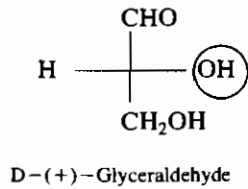
ภาพ 8.10 โครงสร้างภาพฉายแบบฟิชเชอร์ของมอโนแซ็กคาไรด์ที่สำคัญบางตัว

8.2.1.2 ภาพฉายแบบฟิชเชอร์ มอโนแซ็กคาไรด์ทุกตัวยกเว้น dihydroxyketone มีไครัลคาร์บอนอย่างน้อยหนึ่งอะตอม กลีเซอรอลดีไฮด์มีไครัลคาร์บอนหนึ่งอะตอม ส่วนกลูโคสมีไครัลคาร์บอนถึงสี่อะตอม ในปี ค.ศ. 1880 Emil Fischer ซึ่งได้รับการยกย่องว่าเป็นบิดาวิชาเคมีสาขาคาร์โบไฮเดรต เป็นผู้คิดค้นวิธีเขียนสูตรโครงสร้างของคาร์โบไฮเดรต โดยใช้สัญลักษณ์เป็นรูปกากบาทแสดงทิศทางของอะตอมรอบ ๆ ไครัลคาร์บอน สูตรโครงสร้างที่เขียนตามแบบของฟิชเชอร์เรียกว่า สูตรภาพฉายแบบฟิชเชอร์ (Fischer Projection formula) หรือภาพฉายแบบฟิชเชอร์ (Fischer Projection) ดังตัวอย่างต่อไปนี้



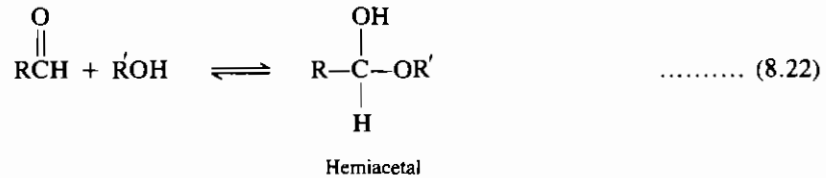
ภาพฉายแบบฟิชเชอร์เป็นภาพสองมิติ แต่มีความหมายเป็นสามมิติ หมายความว่า อะตอมหรือหมู่อะตอมที่อยู่ในแนวนอนของรูปกากบาท (ทางซ้ายและขวาของไครัลคาร์บอน) มีทิศทางชี้เข้าหาผู้อ่าน ส่วนอะตอมหรือหมู่อะตอมที่อยู่ในแนวตั้ง (บนและล่างของไครัลคาร์บอน) มีทิศทางชี้ออกจากผู้อ่าน จุดตัดของเส้นแนวนอนและแนวตั้งคือไครัลคาร์บอน ในการเขียนสูตรโครงสร้างของโมโนแซ็กคาไรด์ตามแบบของฟิชเชอร์นั้น กำหนดให้หมู่คาร์บอนิลซึ่งเป็นหมู่ฟังก์ชันัลที่ออกซิไดส์ได้ง่ายที่สุดอยู่ที่ตำแหน่งยอดบนสุดของโมเลกุล ดังนั้นคาร์บอนอะตอมของหมู่คาร์บอนิลจึงเป็นคาร์บอนอะตอมตำแหน่ง 1 คาร์บอนอื่น ๆ ในโมเลกุลให้อยู่ในตำแหน่งถัดลงมาในแนวตั้ง

8.2.1.3 การเรียกชื่อในระบบ D/L ระบบ D/L ใช้บอกทิศทางของอะตอมที่ไครัลคาร์บอนสุดท้าย (ตัวเลขตำแหน่งมากที่สุด) ของคาร์โบไฮเดรตที่เป็นไซเปิด คาร์โบไฮเดรตที่มีโครงแบบ D คือคาร์โบไฮเดรตที่มีสเตอริโอเคมีที่ไครัลคาร์บอนซึ่งอยู่ไกลที่สุดจากหมู่คาร์บอนิลเหมือนกับ D-glyceraldehyde นั่นคือมีหมู่ -OH อยู่ทางขวาของไครัลคาร์บอนตัวสุดท้าย ส่วนคาร์โบไฮเดรตที่มีหมู่ -OH อยู่ทางซ้ายของไครัลคาร์บอนตัวสุดท้ายจะมีโครงแบบ L ดังตัวอย่างต่อไปนี้



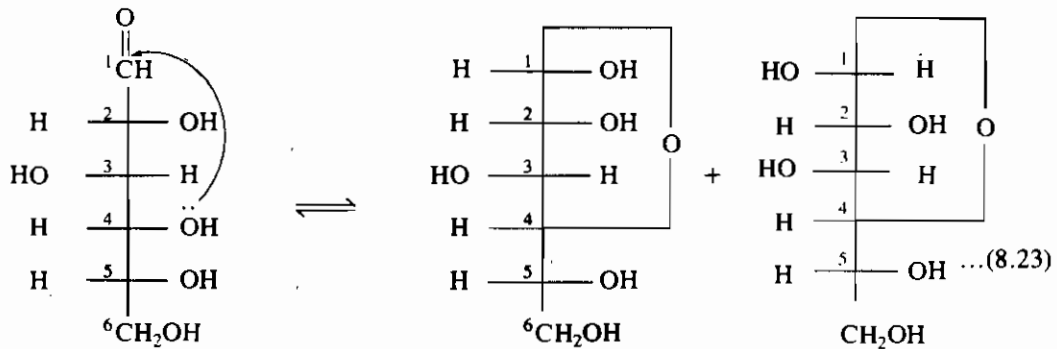
โมโนแซ็กคาไรด์ธรรมชาติเกือบทุกชนิดเป็นชนิด D คือมีหมู่ -OH ที่ไครัลคาร์บอนอะตอมสุดท้ายอยู่ทางขวาของโมเลกุล เช่น D-glucose, D-fructose, D-mannose เป็นต้น จึงสังเกตว่า ระบบ D/L หรือระบบ R/S ไม่มีความเกี่ยวข้องกับทิศทางการหมุนระนาบแสง (+/-) แต่อย่างไร

8.2.1.4 โครงสร้างเป็นวง กลูโคสมีหมู่แอลดีไฮด์ที่คาร์บอน-1 และมีหมู่ไฮดรอกซิลที่คาร์บอนตำแหน่ง 2, 3, 4, 5 และ 6 โดยปกติแล้วแอลกอฮอล์สามารถทำปฏิกิริยากับแอลดีไฮด์ให้ผลิตภัณฑ์ประเภทเฮมิแอซิทัล (hemiacetal) ดังสมการ 8.22

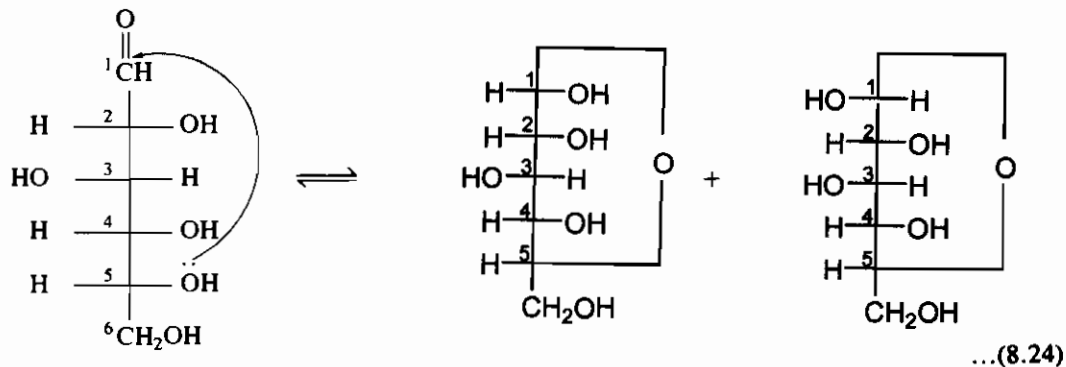


ดังนั้นเมื่อนำกลูโคสมาละลายน้ำ หมู่แอลดีไฮด์และหมู่ไฮดรอกซิลในโมเลกุลเดียวกันของกลูโคส จึงทำปฏิกิริยากันได้ และให้ผลิตภัณฑ์ประเภทเฮมิแอซิทัลเช่นเดียวกัน แต่เฮมิแอซิทัลที่เกิดจากหมู่ -CHO และหมู่ -OH ในโมเลกุลเดียวกันอย่างเช่นกลูโคส จะทำให้โมเลกุลกลายเป็นวงเรียกว่า วงเฮมิแอซิทัล (cyclic hemiacetal) วงเฮมิแอซิทัลของกลูโคสอาจเป็นวงขนาดสาม สี่ ห้า หก หรือเจ็ดอะตอม ซึ่งเกิดจากการใช้ออกซิเจนที่คาร์บอนตำแหน่ง 2, 3, 4, 5 หรือ 6 ตามลำดับ เข้าเกาะกับหมู่คาร์บอนิล อย่างไรก็ตามเราจะพบกลูโคสขนาดวงหกอะตอมเป็นส่วนใหญ่ เพราะในทางอุณหพลศาสตร์ วงขนาดหกอะตอมจะเสถียรกว่า โดยปกติแล้วปฏิกิริยาการมันเป็นวงที่มีขนาดห้าและหกอะตอมจะเกิดได้ง่ายกว่าวงขนาดที่เล็กกว่าหรือใหญ่กว่าวงขนาดห้าและหกอะตอม ในขณะที่เดียวกันจากการศึกษาเปรียบเทียบอัตราการเกิดวงขนาดห้าอะตอมกับวงขนาดหกอะตอมแล้ว พบว่าวงขนาดห้าอะตอมเกิดได้เร็วกว่าหรือว่องไวกว่า แต่เมื่อปล่อยให้สู่ภาวะสมดุลแล้ว จะพบว่ามียังวงขนาดหกอะตอมมากกว่าเพราะเสถียรกว่า (วงขนาดหกอะตอมมีความเครียดเชิงมุมน้อยกว่าและมีการสับหว่างของ

หมู่แทนที่ทำให้ลดการปะทะกันระหว่างหมู่แทนที่ต่าง ๆ) ปฏิกริยาการม้วนเป็นวงของกลูโคส จึงเป็นตัวอย่างหนึ่งของปฏิกริยาที่แสดงถึงการเกิดผลผลิตที่เป็นไปได้สองชนิด คือผลผลิตที่ควบคุมโดยจลนพลศาสตร์และผลผลิตที่ควบคุมโดยอุณหพลศาสตร์



ภาพฉายแบบฟิชเชอร์ตัดแปลงของวงเฮมิแอคิแทลขนาดห้าอะตอม



ภาพฉายแบบฟิชเชอร์ตัดแปลงของวงเฮมิแอคิแทลขนาดหกอะตอม

จากโครงสร้างของวงเฮมิแอคิแทลในสมการ 8.23 และ 8.24 จะสังเกตได้ว่า คาร์บอน-1 (คาร์บอนของหมู่แอลดีไฮด์) ซึ่งเดิมเมื่อเป็นไซเปิดไม่เป็นไครัลคาร์บอน แต่เมื่อทำปฏิกริยากับหมู่ -OH จะกลายเป็นไครัลคาร์บอนในวงเฮมิแอคิแทล ทำให้วงเฮมิแอคิแทลของกลูโคสมีไดแอสเตอร์ไอเมอร์เพิ่มขึ้นหนึ่งคู่

8.2.1.5 การเรียกชื่อโครงสร้างที่เป็นวง มอโนแซ็กคาไรด์ที่มีโครงสร้างเป็นวงเฮมิแอคิแทลขนาดห้าอะตอม ให้มีชื่อลงท้ายว่า ฟิวรีนอส (furanose) ส่วนมอโนแซ็กคาไรด์ที่มีโครงสร้างเป็นวงเฮมิแอคิแทลขนาดหกอะตอมให้มีชื่อลงท้ายว่า ไพรีนอส (pyranose) คำว่า furan- และ pyran- มาจากชื่อของเฮเทอโรไซเคิลที่มีออกซิเจนอยู่ในวงขนาดห้าอะตอมและขนาดหกอะตอมตามลำดับ

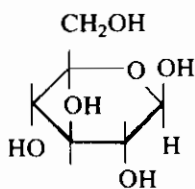


Furan

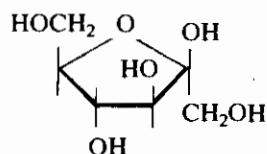


Pyran

การเรียกชื่อ ให้ตัดคำว่า -se ซึ่งเป็นท้ายชื่อของน้ำตาลไซโคลโตเซ แล้วเติมคำว่า furanose เมื่อเป็นวงเฮมิแอซิทแอลขนาดห้าอะตอม หรือ pyranose เมื่อเป็นวงเฮมิแอซิทแอลขนาดหกอะตอม ตัวอย่างเช่น D-glucopyranose คือ D-glucose ขนาดวงหกอะตอม D-fructofuranose คือ ฟรุกโตสขนาดวงห้าอะตอม เป็นต้น



D-Glucopyranose



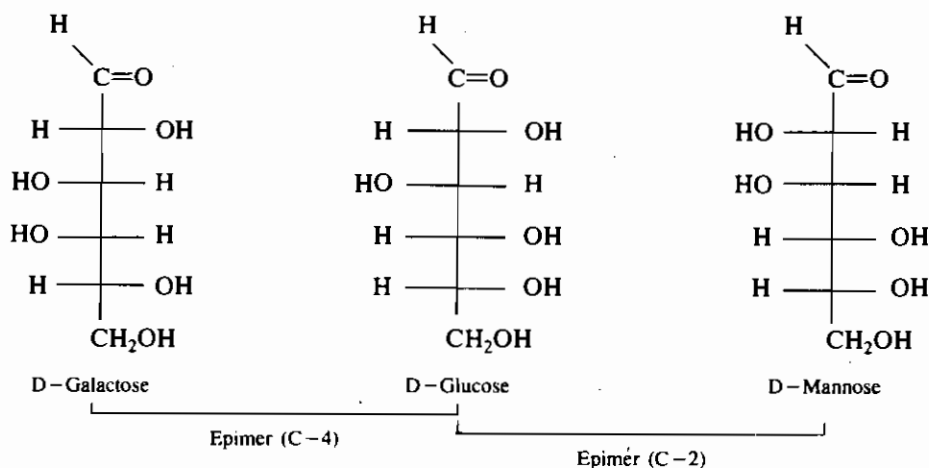
D-Fructofuranose

ถึงแม้ว่ากลูโคสที่ละลายในน้ำจะอยู่ในสภาพของวงไพระโนสเป็นส่วนใหญ่ก็ตาม แต่เมื่ออยู่ในเอนไซม์กลูโคสอาจอยู่ในสภาพของวงฟิวระโนสซึ่งปรากฏอยู่ในผลิตภัณฑ์ธรรมชาติหลายชนิด ตัวอย่างเช่น กรดไรโบนิวคลีอิก (ribonucleic acid, RNA) พบว่ากลูโคสอยู่ในสภาพของวงฟิวระโนส ไม่ใช่ไพระโนส

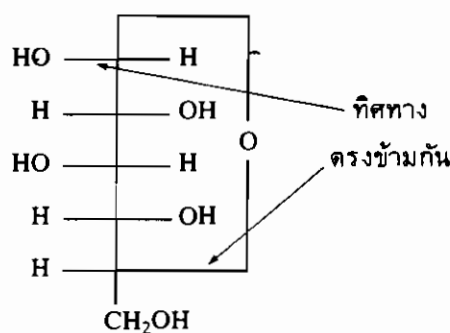
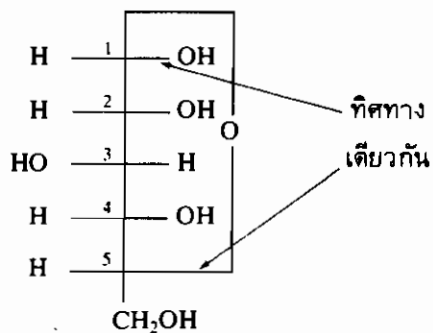
### 8.2.1.6 เอพิเมอร์และแอนโอมอร์

**เอพิเมอร์ (epimer)** คือ ไอโซเมอร์เชิงแสงที่มีโครงแบบสัมบูรณ์ แตกต่างกันที่คาร์บอนตัวใดตัวหนึ่งเท่านั้น การเปลี่ยนโครงแบบที่เอพิเมอร์คาร์บอน (epimeric carbon) จะเปลี่ยนเอพิเมอร์หนึ่งเป็นอีกเอพิเมอร์หนึ่ง ตัวอย่างเช่น D-glucose, D-galactose และ D-mannose ต่างก็เป็นไดแอสเตอริโอเมอร์ซึ่งกันและกัน นอกจากนี้ D-mannose กับ D-glucose ยังเป็นเอพิเมอร์ซึ่งกันและกัน และ D-galactose กับ D-glucose ก็เป็นเอพิเมอร์ซึ่งกันและกัน ด้วย



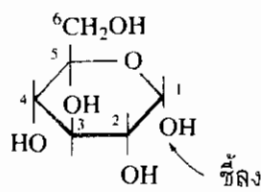


**แอนโนเมอร์ (anomer)** คือ ไดแอสเตอริโอเมอร์ที่มีโครงแบบแตกต่างกันที่แอนโนเมอริกคาร์บอน (คาร์บอนที่มีออกซิเจนเกาะอยู่สองอะตอม) เท่านั้น ตัวอย่างเช่น D-glucose เมื่อเป็นวงเฮมิแอซิทัลจะมีไครัลคาร์บอนเกิดขึ้นใหม่อีกหนึ่งแห่ง คือที่คาร์บอน-1 หรือคาร์บอนิลคาร์บอน และมีไดแอสเตอริโอเมอร์เพิ่มขึ้นอีกหนึ่งคู่ ไดแอสเตอริโอเมอร์คู่นี้มีโครงแบบที่แตกต่างกันที่ C-1 ซึ่งเป็นแอนโนเมอริกคาร์บอน (สมการ 8.24) ไดแอสเตอริโอเมอร์คู่นี้จึงมีชื่อเรียกเฉพาะลงไปว่า แอนโนเมอร์ แอนโนเมอร์ของ D-glucose มีชื่อเรียกว่า  $\alpha$ -D-glucose และ  $\beta$ -D-glucose การกำหนดโครงแบบเป็น  $\alpha$  หรือ  $\beta$  โดยใช้ภาพฉายแบบฟิชเชอร์ดัดแปลง (modified Fischer projection) มีหลักเกณฑ์ดังนี้ ถ้าหมู่แทนที่ที่คาร์บอน-1 มีทิศทางเดียวกับหมู่แทนที่ที่ไครัลคาร์บอนไกลสุด (คือ คาร์บอน-5 ของกลูโคส) แอนโนเมอร์นั้นคือ แอลฟา-แอนโนเมอร์ ( $\alpha$ -anomer) แต่ถ้าหมู่แทนที่ที่คาร์บอน-1 มีทิศทางตรงข้ามกับหมู่แทนที่ที่ไครัลคาร์บอนไกลสุด แอนโนเมอร์นั้นคือ เบตาแอนโนเมอร์ ( $\beta$ -anomer)

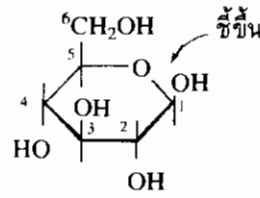


8.2.1.7 ภาพฉายแบบฮาเวิร์ท ถึงแม้ว่าภาพฉายแบบฟิสเซอร์จะใช้ได้ดีสำหรับคาร์โบไฮเดรตแบบไซเปิดเพื่อแสดงทิศทางของอะตอมรอบไครัลคาร์บอนก็ตาม แต่ภาพฉายแบบฟิสเซอร์ไม่เหมาะที่จะใช้แทนโครงสร้างของคาร์โบไฮเดรตที่เป็นวงเฮมิแอซิแทล เพราะพันธะ C—O ในวงเฮมิแอซิแทลของภาพฉายแบบฟิสเซอร์มีขนาดยาวเกินไปและโค้งมนเกินความจริง ในปี ค.ศ. 1926 Sir W. N. Haworth แห่งมหาวิทยาลัยเบอร์มิงแฮม ประเทศอังกฤษ ได้คิดค้นการเขียนสูตรโครงสร้างที่เป็นวงของน้ำตาลขึ้น สูตรโครงสร้างนี้เรียกว่า ภาพฉายแบบฮาเวิร์ท (Haworth projection)

การเขียนภาพฉายแบบฮาเวิร์ทของ D-glucose นั้น ถ้าหมู่ —OH ที่เกาะกับแอนโนเมอริกคาร์บอนชี้ลงและมีทิศทางตรงข้ามกับหมู่ —CH<sub>2</sub>OH ที่คาร์บอน-5 แสดงว่าเป็นแอลฟาแอนโนเมอร์ แต่ถ้าหมู่ —OH ที่เกาะกับแอนโนเมอริกคาร์บอนชี้ขึ้นและมีทิศทางเดียวกับหมู่ —CH<sub>2</sub>OH แสดงว่าเป็นเบตาแอนโนเมอร์



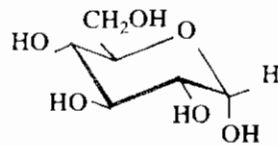
$\alpha$ -D-(+)-Glucose



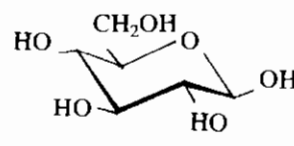
$\beta$ -D-(+)-Glucose

จงสังเกตว่าหมู่อะตอมใดที่อยู่ทางขวาในภาพฉายแบบฟิสเซอร์จะอยู่ข้างล่างของระนาบ ในภาพฉายแบบฮาเวิร์ท และหมู่อะตอมใดที่อยู่ทางซ้ายในภาพฉายแบบฟิสเซอร์จะอยู่ข้างบนของระนาบในภาพฉายแบบฮาเวิร์ท

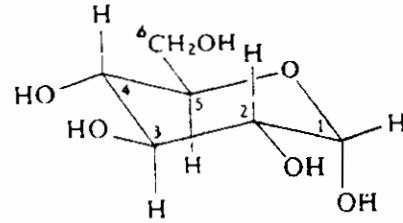
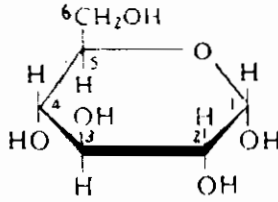
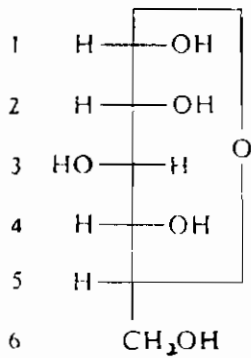
8.2.1.8 โครงรูปแบบเก้าอี้ ในปี ค.ศ. 1950 R. E. Reeves ได้ค้นพบว่า โครงรูปที่แท้จริงของกลูโคสไม่ใช่รูปหกเหลี่ยมวงแบนตามแบบของฮาเวิร์ท แต่เป็นรูปหกเหลี่ยมที่หักขึ้นหักลง (pucker) เป็นโครงรูปแบบเก้าอี้ (chair conformation) เช่นเดียวกับไซโคลเฮกเซน การเขียนโครงรูปแบบเก้าอี้จะให้หมู่แทนที่ทั้งหลายอยู่ในแนวอนอน (equatorial position) เพื่อลดการปะทะกันระหว่างหมู่แทนที่ในแนวตั้งที่ตำแหน่ง 1 และ 3 (1,3-interaction)



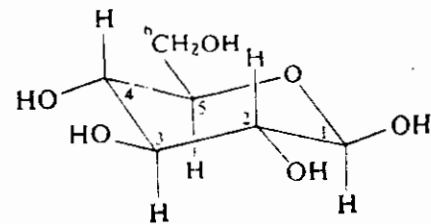
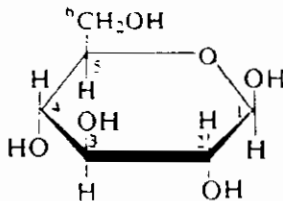
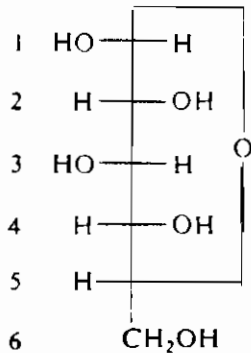
$\alpha$ -D-(+)-Glucose



$\beta$ -D-(+)-Glucose



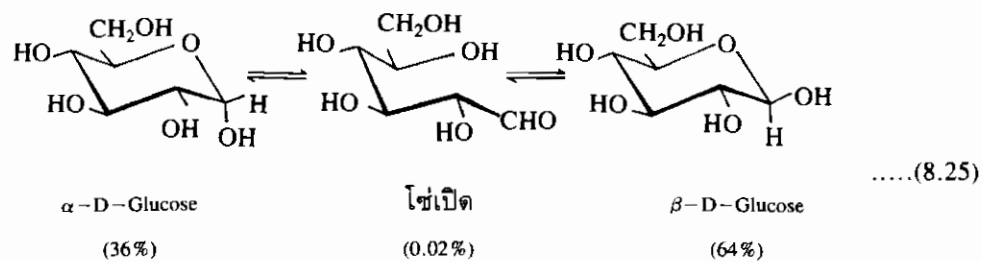
$\alpha$ -D-(+)-Glucose (m.p.  $146^\circ$ ,  $[\alpha] = +112^\circ$ )



$\beta$ -D-(+)-Glucose (m.p.  $150^\circ$ ,  $[\alpha] = +19^\circ$ )

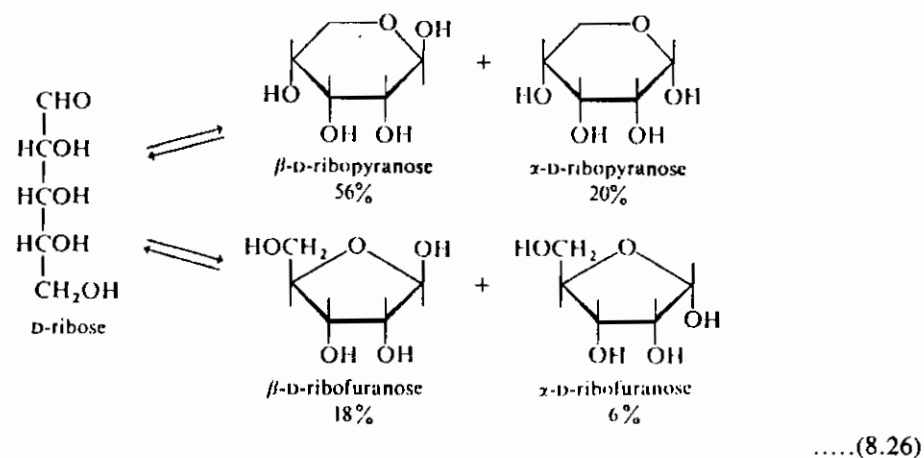
8.2.1.9 มิวทะโรเทชัน กลูโคสที่บริสุทธิ์มีโครงสร้างได้สองแบบ คือ  $\alpha$ -D-glucose และ  $\beta$ -D-glucose,  $\alpha$ -D-glucose บริสุทธิ์มีจุดหลอมเหลว  $146^\circ$  และมีค่าการหมุนจำเพาะเท่ากับ  $+112$  ส่วน  $\beta$ -D-glucose บริสุทธิ์มีจุดหลอมเหลว  $150^\circ$  และมีค่าการหมุนจำเพาะเท่ากับ  $+19$  เมื่อนำผลึกของกลูโคสชนิดแอลฟาหรือเบตาอย่างใดอย่างหนึ่งมาละลายน้ำจะปรากฏว่าค่าการหมุนจำเพาะจะเปลี่ยนไปอย่างช้า ๆ จนถึงภาวะสมดุลจะมีค่าคงที่เท่ากับ  $+52.7^\circ$  การเปลี่ยนแปลงการหมุนระนาบแสงที่เกิดขึ้นได้เองอย่างช้า ๆ นี้เรียกว่า มิวทะโรเทชัน (mutarotation)

มิวทะโรเทชันเกิดขึ้นจากแอนโนเมอร์หนึ่งเปลี่ยนไปเป็นอีกแอนโนเมอร์หนึ่งโดยผ่านโครงสร้างแบบไซเปิด ไม่ว่าจะเริ่มต้นจาก  $\alpha$ -D-glucose หรือ  $\beta$ -D-glucose ผลที่เกิดขึ้นเมื่อสารละลายอยู่ในภาวะสมดุลจะประกอบด้วย  $\beta$ -D-glucose 64%,  $\alpha$ -D-glucose 36% และกลูโคสแบบไซเปิด 0.02% (สมการ 8.25) เสมอ ค่าการหมุนจำเพาะที่ภาวะสมดุลจะมีค่าที่เป็นผลลัพธ์จากโครงสร้างทั้งสามของกลูโคส

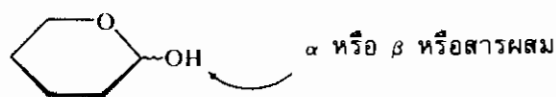


จึงสังเกตว่าที่ภาวะสมดุลจะมีเบตาแอนโนเมอร์มากกว่าแอลฟาแอนโนเมอร์ เพราะเบตา-แอนโนเมอร์เสถียรกว่า

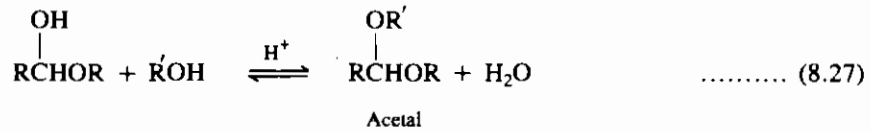
มอนอแซ็กคาไรด์ตัวอื่น ๆ ก็แสดงมีวาทะโรเทชันในสารละลายของน้ำด้วย แอลโดสตัวอื่น ๆ ที่มีหมู่ -OH ที่ C-5 จะมีโครงสร้างเป็นวงไพระโนสเป็นส่วนใหญ่ และในภาวะสมดุลจะมีโครงสร้างแบบอื่นเป็นองค์ประกอบแตกต่างกันไปแล้วแต่ชนิดของแอลโดส ตัวอย่างเช่น D-ribose ในน้ำจะประกอบด้วย  $\beta$ -pyranose 56%,  $\alpha$ -pyranose 20%,  $\beta$ -furanose 18%,  $\alpha$ -furanose 6% และโซ่เปิดที่มีหมู่แอลดีไฮด์เล็กน้อย ดังสมการ 8.26



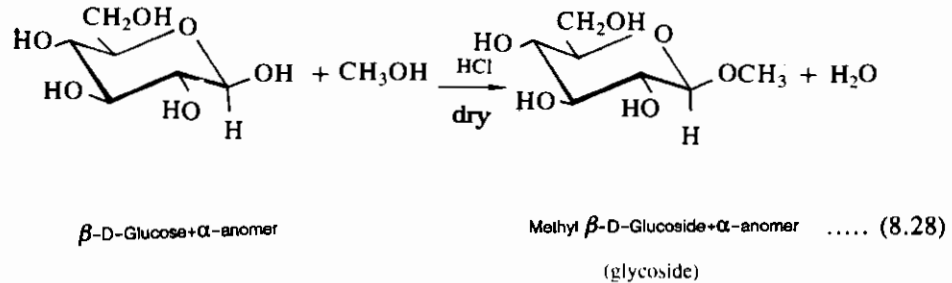
เนื่องจากหมู่ -OH ที่เกาะกับ C-1 ในวงเฮมิแอซิทัล สามารถเปลี่ยนไปมาเป็นแบบแอลฟาหรือเบตาเมื่อละลายในน้ำ ดังนั้นถ้าไม่ต้องการเจาะจงว่ามอนอแซ็กคาไรด์เป็นแบบแอลฟาหรือเบตา ให้เขียนพันธะระหว่าง C-1 กับหมู่ -OH เป็นเส้นหยัก เพื่อแสดงว่าเป็นแอลฟาหรือเบตา หรือสารผสมของแอลฟากับเบตา



8.2.1.10 ไกลโคไซด์ เมื่อเฮมิแอซิทัลทำปฏิกิริยากับแอลกอฮอล์ จะให้ผลผลิตประเภทแอซิทัล (acetal) ดังสมการ 8.27

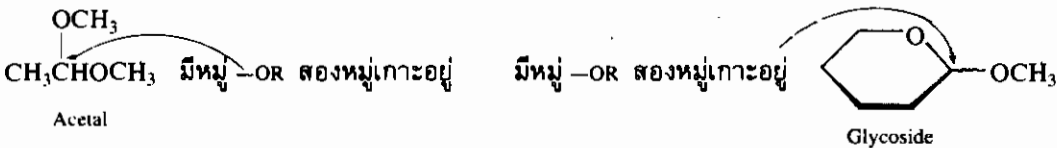


ดังนั้นถ้าให้เฮมิแอซิทัลของ D-glucose ทำปฏิกิริยากับเมทานอลโดยมีไฮโดรเจนคลอไรด์ที่แห้งเป็นตัวเร่ง จะได้แอซิทัลดังสมการ 8.28

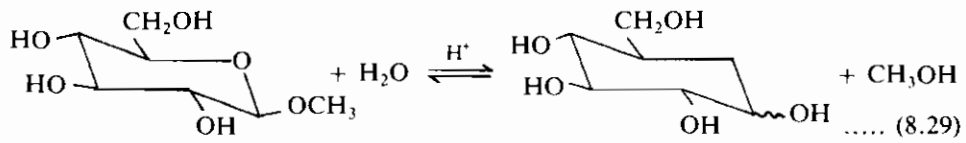


แอซิทัลของมอโนแซ็กคาไรด์เรียกว่า ไกลโคไซด์ (glycoside) ไกลโคไซด์ของมอโนแซ็กคาไรด์มีชื่อเรียกโดยตัดคำว่า -se ห้ายชื่อน้ำตาลออก แล้วเติมคำว่า -oside แทน เช่น ไกลโคไซด์ที่ได้จากกลูโคสเรียกว่า glucoside ไกลโคไซด์ที่ได้จากฟรุกโตสมีชื่อเรียกว่า fructoside เป็นต้น นอกจากนี้ชื่อของไกลโคไซด์จะนำหน้าด้วยชื่อหมู่แอลคิลที่เกาะกับแอโนเมอริกออกซิเจน (anomeric oxygen) อีกด้วย

ในไกลโคไซด์จะมีไกลโคไซด์คาร์บอน (glycoside carbon) ซึ่งเป็นคาร์บอน-1 ของน้ำตาลพวกแอลโดส จะสังเกตเห็นได้ง่ายเพราะมีหมู่ -OR เกาะอยู่สองหมู่

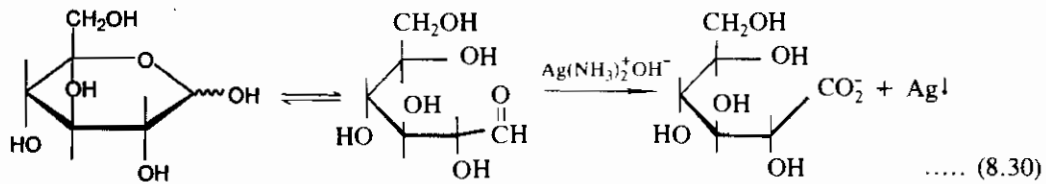


ถึงแม้ว่าเฮมิแอซิทัลของมอโนแซ็กคาไรด์ที่ละลายในน้ำจะอยู่ในภาวะสมดุลกับอีกแอโนเมอร์หนึ่งพร้อมด้วยโครงสร้างแบบโซ่เปิดก็ตาม แต่แอซิทัลในสารละลายที่เป็นกลางหรือเป็นด่างจะมีเสถียรภาพมาก ดังนั้นไกลโคไซด์ที่ละลายในน้ำจึงไม่อยู่ในภาวะสมดุลกับโครงสร้างแบบโซ่เปิดหรือกับอีกแอโนเมอร์หนึ่ง แต่ในสารละลายที่เป็นกรด ไกลโคไซด์จะถูกแยกสลายด้วยน้ำให้ผลผลิตเป็นเฮมิแอซิทัลกลับคืนมา (สมการ 8.29) ปฏิกิริยานี้จึงเป็นปฏิกิริยาผันกลับของการเตรียมไกลโคไซด์

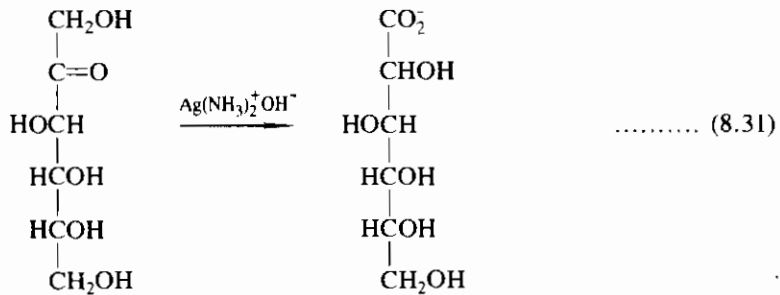


8.2.1.11 สมบัติทางเคมี

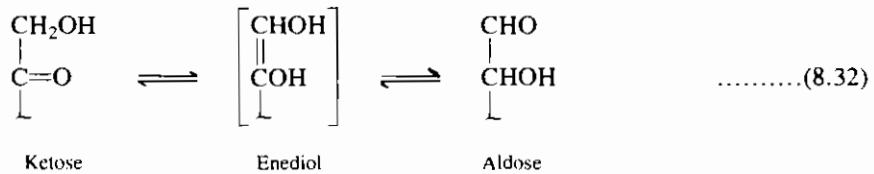
(1) **ปฏิกิริยาออกซิเดชัน** โดยทั่วไปแล้วเมื่อหมู่แอลดีไฮด์ถูกออกซิไดส์จะกลายเป็นหมู่คาร์บอกซิล น้ำตาลชนิดใดก็ตามที่ถูกออกซิไดส์ได้ด้วยตัวออกซิไดส์อย่างอ่อน เช่น ทอลเลนส์-รีเอเจนต์ (Tollens' reagent) ซึ่งเป็นสารละลายของ  $\text{Ag}(\text{NH}_3)_2^+$  ในเบสจัดว่าเป็น น้ำตาลรีดิวซิง (reducing sugar) ซึ่งหมายถึงน้ำตาลที่สามารถรีดิวซ์ตัวออกซิไดส์ได้ วงเฮมิแอซิแทลของน้ำตาลพวกแอลโดสทุกชนิดถูกออกซิไดส์ได้ เพราะน้ำตาลเหล่านี้อยู่ในสมดุลกับโครงสร้างแบบโซ่เปิด ซึ่งมีหมู่แอลดีไฮด์เป็นอิสระ ดังสมการ 8.30



ถึงแม้ว่าฟรุกโตสมีหมู่ฟังก์ชันัลเป็นคีโตน แต่ฟรุกโตสก็เป็นน้ำตาลรีดิวซิงด้วย ดังสมการ 8.31

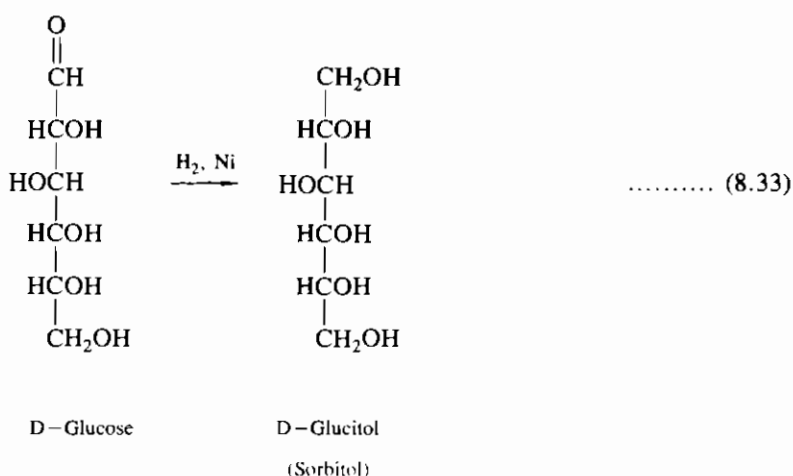


การที่ฟรุกโตสถูกออกซิไดส์ได้อย่างง่ายดายทั้ง ๆ ที่มีหมู่ฟังก์ชันัลเป็นคีโตน เพราะในสารละลายที่เป็นด่าง ฟรุกโตสจะอยู่ในสมดุลกับแอลดีไฮด์โดยปฏิกิริยาทอทอมเมอริซึม (tautomerism) ให้อินเทอร์มีเดียตคือ อินไดออล (enediol) ก่อน แล้วจึงกลายเป็นแอลดีไฮด์ภายหลัง ดังสมการ 8.32



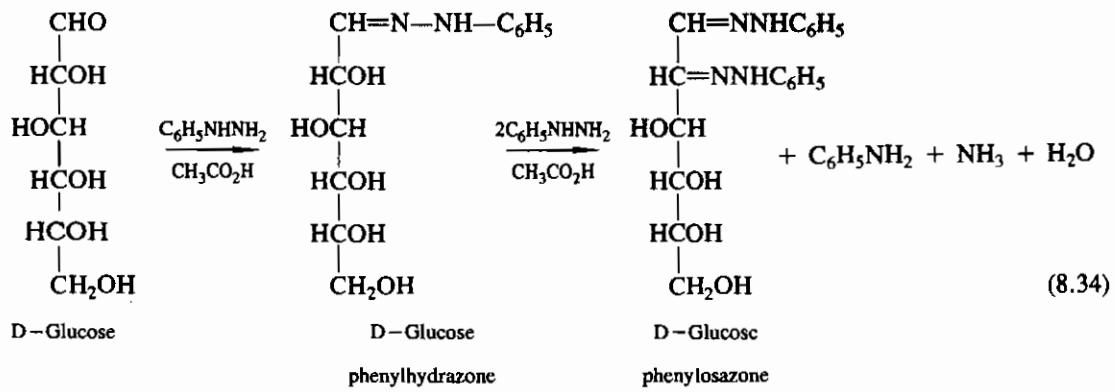
ส่วนสารประกอบประเภทไกลโคไซด์นั้น หมู่คาร์บอนิลถูกเปลี่ยนไปอยู่ในสภาพของ แอซิแทล จึงทำปฏิกิริยากับทอลเลนส์รีเอเจนต์ไม่ได้ ดังนั้นไกลโคไซด์จึงเป็นน้ำตาลนอนรีดิวซิง (nonreducing sugar)

(2) **ปฏิกิริยารีดักชัน** หมู่คาร์บอนิลในน้ำตาลไม่ว่าจะเป็นชนิดแอลโดสหรือคีโทสจะถูกรีดิวซ์โดยตัวรีดิวซ์ เช่น แก๊สไฮโดรเจนที่มีตัวเร่ง หรือโลหะไฮโดรด์ ให้ผลผลิตประเภทพอลิแอลกอฮอล์ซึ่งเรียกว่า แอลดิทอล (alditol) พวกพอลิแอลกอฮอล์มีคำลงท้ายว่า -itol เช่น D-glucitol หรือ sorbitol เป็นผลผลิตจากปฏิกิริยารีดักชันของ D-glucose เป็นต้น ดังสมการ 8.33

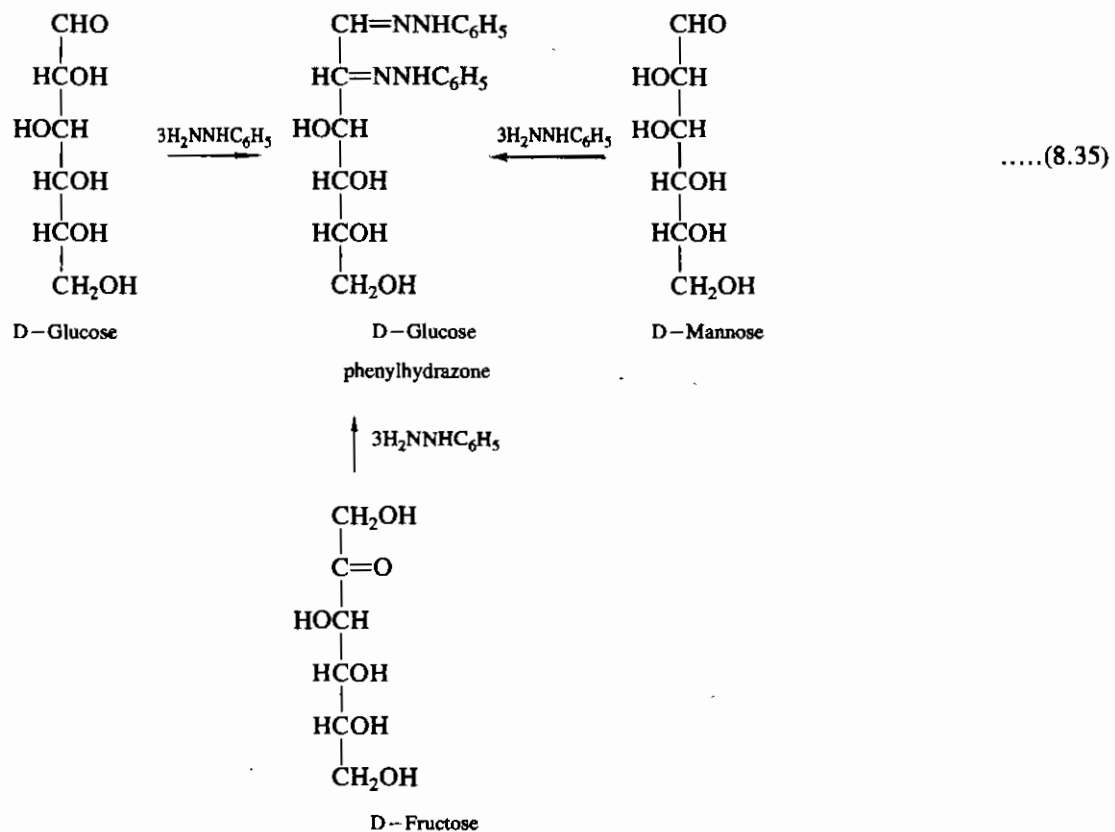


D-glucitol ในธรรมชาติพบอยู่ในผลไม้ต่าง ๆ นอกจากนี้ยังพบในสาหร่ายและสาหร่ายทะเลอีกด้วย D-glucitol ที่สังเคราะห์ขึ้นเรียกว่า น้ำตาลเทียม

(3) **ปฏิกิริยากับเฟนิลไฮดราซีน** Emil Fischer เป็นผู้ริเริ่มใช้เฟนิลไฮดราซีน (phenylhydrazine) ในการพิสูจน์เอกลักษณ์ของน้ำตาล ฟิสเชอร์พบว่ามอโนแซ็กคาไรด์อย่างเช่นกลูโคสใช้โมเลกุลแบบไซโคลที่มีหมู่แอลดีไฮด์เป็นอิสระเข้าทำปฏิกิริยากับเฟนิลไฮดราซีนในกรดอะซิติก ให้ผลผลิตประเภทเฟนิลไฮดราโซน (phenylhydrazone) แต่เฟนิลไฮดราโซนที่ได้จะทำปฏิกิริยาต่อไปกับเฟนิลไฮดราซีนอีกสองโมเลกุล ให้ผลผลิตสุดท้ายที่เรียกว่า โอซะโซน (osazone) ดังสมการ 8.34

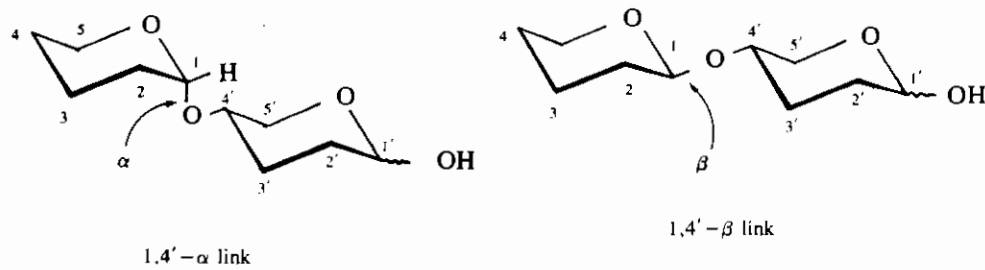


ไอโซไซนเป็นผลึกสีเหลืองสด ไอโซไซนของน้ำตาลแต่ละชนิดมีจุดหลอมเหลวเฉพาะตัว จุดหลอมเหลวของไอโซไซนจึงใช้พิสูจน์เอกลักษณ์ของน้ำตาลได้ จากการที่กลูโคสเปลี่ยนเป็นไอโซไซน ทำให้คาร์บอน-2 ในกลูโคสไม่เป็นไครัลคาร์บอนอีกต่อไป นอกจากนี้เมื่อเปลี่ยน D-mannose และ D-fructose เป็นไอโซไซน จะได้ไอโซไซนที่เหมือนกับไอโซไซนของ D-glucose ทุกประการ (สมการ 8.35) ทำให้ทราบว่า D-glucose, D-mannose และ D-fructose มีทิศทางของอะตอมที่ C-3, C-4 และ C-5 เหมือนกัน



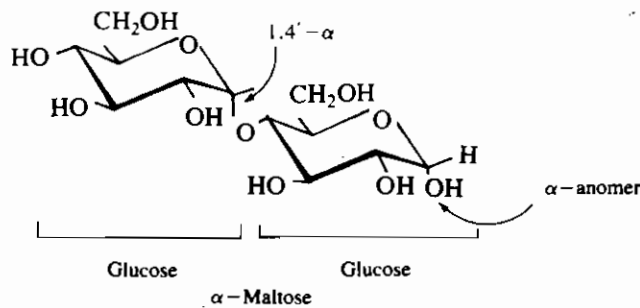


8.2.2 ไคแซ็กคาไรด์ ไคแซ็กคาไรด์คือ คาร์โบไฮเดรตที่ประกอบด้วยมอโนแซ็กคาไรด์สองโมเลกุลซึ่งเชื่อมโยงกันด้วยพันธะไกลโคไซด์ (glycoside link, โดยที่หมู่ -OH ที่คาร์บอน-1 ของมอโนแซ็กคาไรด์โมเลกุลหนึ่งจะควบแน่นกับหมู่ -OH ของมอโนแซ็กคาไรด์อีกโมเลกุลหนึ่ง ลักษณะการเชื่อมโยงของพันธะไกลโคไซด์จะเป็นแบบ  $\alpha$  หรือ  $\beta$  ขึ้นอยู่กับหมู่ -OH ที่คาร์บอน-1 ว่ามีทิศทางเป็น  $\alpha$  หรือ  $\beta$  ถ้าหมู่ -OH ที่คาร์บอน-1 เป็นแบบ  $\alpha$  ควบแน่นกับหมู่ -OH ที่คาร์บอน-4' ของอีกโมเลกุลหนึ่ง พันธะไกลโคไซด์ก็จะเป็นแบบ 1,4'- $\alpha$  แต่ถ้าหมู่ -OH ที่คาร์บอน-1 เป็นแบบ  $\beta$  พันธะไกลโคไซด์จะเป็นแบบ 1,4'- $\beta$

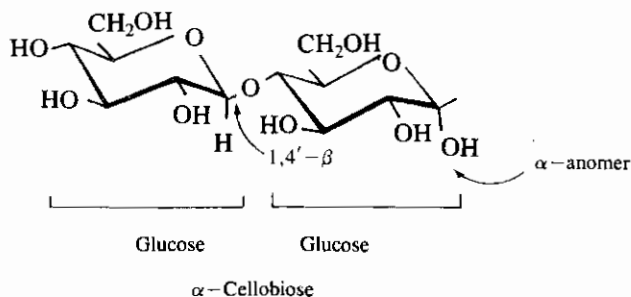


ไคแซ็กคาไรด์เป็นผลึกของแข็ง ละลายได้ในน้ำ มีสองประเภทคือ ประเภทน้ำตาลรีดิวงและประเภทน้ำตาลนอนรีดิวง ไคแซ็กคาไรด์ธรรมชาติมีหลายชนิด แต่ที่จะกล่าวถึงในที่นี้คือ มอลโทส (maltose) เซลโลไบโอส (cellobiose) แลกโทส (lactose) และซูโครส (sucrose)

8.2.2.1 มอลโทส มอลโทส (maltose) เป็นน้ำตาลในมอลต์ (malt) ในมอลต์มีเอนไซม์ชื่อ diastase ซึ่งสามารถย่อยสลายแป้งด้วยน้ำให้เป็นมอลโทสได้ มอลโทสเป็นผลึกสีขาว มีจุดหลอมเหลว  $160-165^{\circ}$  ละลายได้ในน้ำ เมื่อทำให้มอลโทสแยกสลายด้วยน้ำในกรดเจือจางหรือเอนไซม์ชื่อมอลเทส (maltase) มอลโทสจะแตกตัวให้กลูโคสสองโมเลกุล มอลโทสเป็นน้ำตาลรีดิวงเพราะสามารถรีดิวงสลายเพหฺลิ่ง มอลโทสเปลี่ยนเป็นไอโซไซรอนได้และเกิดมิวทะโรเทชันได้ด้วย ปฏิกริยาเหล่านี้แสดงให้เห็นว่ากลูโคสวงหนึ่งในมอลโทสจะเปิดให้หมู่แอลดีไฮด์เป็นหมู่อิสระที่จะทำปฏิกิริยาได้

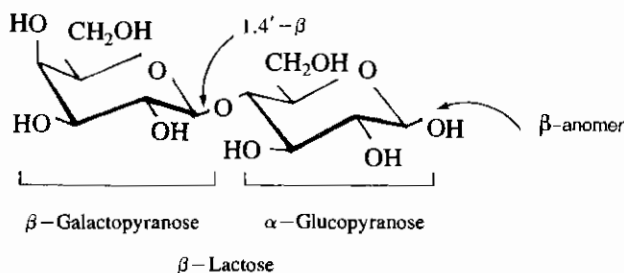


8.2.2.2 เซลโลไบโอส เมื่อให้เซลลูโลสทำปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำเพียงบางส่วน (partial hydrolysis) จะได้ไคแซ็กคาไรด์ที่เรียกว่า เซลโลไบโอส (cellobiose) เซลโลไบโอส ประกอบด้วยกลูโคสสองโมเลกุลต่อกันด้วยพันธะไกลโคไซด์แบบ 1,4' เช่นเดียวกับมอลโทส แต่ต่างจากมอลโทสตรงที่พันธะ 1,4' เป็นชนิดเบตา ไม่ใช่แอลฟา



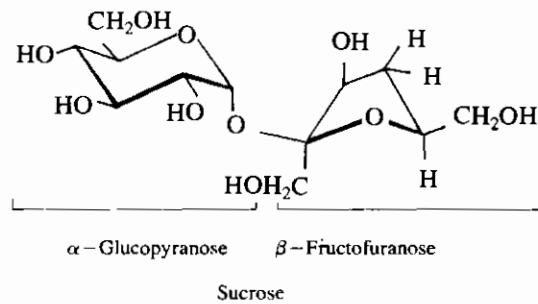
ปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำของเซลโลไบโอสในกรด จะให้กลูโคสสองโมเลกุลเช่นเดียวกับมอลโทส

8.2.2.3 แลกโทส แลกโทส (lactose) เป็นน้ำตาลที่พบในน้ำนมของสัตว์เลี้ยงลูกด้วยนม น้ำนม มีอยู่ในน้ำนมประมาณ 5% แลกโทสเป็นผลึกสีขาว มีจุดหลอมเหลว 203° สลายตัวที่จุดหลอมเหลว ละลายได้ในน้ำ เมื่อทำให้แลกโทสแยกสลายด้วยน้ำที่เป็นกรดเจือจางหรือในเอนไซม์ชื่อแลกเทส (lactase) แลกโทสจะแตกตัวให้ D-glucose และ D-galactose ที่มีจำนวนโมเลกุลอย่างละเท่า ๆ กัน แลกโทสเป็นน้ำตาลรีดิวงเพราะสามารถรีดิวงสลายเฟห์ลิงได้ แลกโทสเปลี่ยนเป็นไอโซไซนและเกิดมิวทะโรเทนชันได้ด้วย



8.2.2.4 ซูโครส ซูโครส (sucrose) เป็นน้ำตาล พบมากในต้นอ้อยและหัวบีท เป็นผลึกของแข็ง มีจุดหลอมเหลว 180° มีค่าการหมุนจำเพาะเท่ากับ +66.5° ละลายได้ในน้ำ เมื่อให้ความร้อนแก่ซูโครสที่อุณหภูมิสูงกว่าจุดหลอมเหลว ซูโครสจะเปลี่ยนเป็นสีน้ำตาล เรียกว่า แคระเมล (caramel) กรดซัลฟิวริกเข้มข้นจะทำให้ซูโครสสลายตัวเป็นคาร์บอนซึ่งมีสีดำ เมื่อทำให้ซูโครสแยกสลายด้วยน้ำจะได้ D-glucose กับ D-fructose ที่มีจำนวนโมเลกุลอย่างละเท่า ๆ กัน แสดงว่าซูโครสหนึ่งโมเลกุลประกอบด้วยกลูโคสหนึ่งโมเลกุล และ D-fructose หนึ่ง

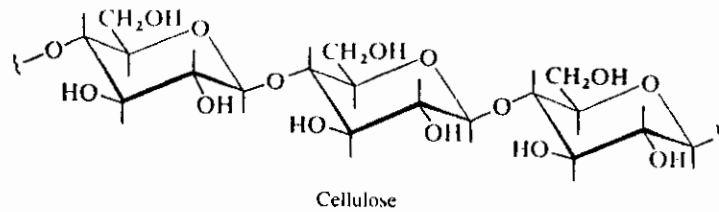
โมเลกุล ซูโครสไม่เป็นน้ำตาลรีดิวซิง เพราะไม่มีรีดิวซ์สารละลายเฟห์ลิง (Fehling's solution) นอกจากนี้ซูโครสเปลี่ยนเป็นโอซะโซนไม่ได้และไม่เกิดมิวทาโรเทชัน ซึ่งแสดงให้เห็นว่าหมู่แอลดีไฮด์ของกลูโคสและหมู่คีโตนของฟรุกโตสในซูโครสไม่สามารถกลับคืนเป็นอิสระได้ และแสดงให้เห็นว่ากลูโคสและฟรุกโตสในซูโครสเชื่อมโยงกันโดยใช้หมู่แอลดีไฮด์ของกลูโคสและหมู่คีโตนของฟรุกโตส



**8.2.3 พอลิแซ็กคาไรด์** พอลิแซ็กคาไรด์ที่สำคัญมีสามชนิดคือ เซลลูโลส (cellulose) ซึ่งทำหน้าที่เป็นโครงสร้างของพืช แป้ง (starch) ซึ่งเป็นแหล่งอาหารที่สะสมไว้ในพืช และ ไกลโคเจน (glycogen) ซึ่งเป็นคาร์โบไฮเดรตที่สะสมในสัตว์ พอลิแซ็กคาไรด์เหล่านี้แต่ละโมเลกุลประกอบด้วยกลูโคสหน่วยหรือหน่วยย่อยมาต่อกันด้วยพันธะไกลโคไซด์ พันธะไกลโคไซด์เหล่านี้ถูกทำลายได้โดยปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำ

**8.2.3.1 เซลลูโลส** เซลลูโลส (cellulose) เป็นสารอินทรีย์ที่มีมากที่สุดในโลก เป็นส่วนประกอบในพืชที่เป็นโครงสร้าง ในใบไม้แห้งมีเซลลูโลสประมาณ 10-20% โดยน้ำหนัก และในลำต้นของพืชมีเซลลูโลสประมาณ 50% โดยน้ำหนัก กระดาษกรองที่ใช้ในห้องปฏิบัติการประกอบด้วยเซลลูโลสเกือบ 100%

เมื่อศึกษาโครงสร้างโมเลกุลของเซลลูโลสจะพบว่า เซลลูโลสประกอบด้วย D-glucose ต่อกันเชิงเส้นตรงด้วยพันธะเบตาไกลโคไซด์ ซึ่งเชื่อมระหว่างแอนเมอริคาร์บอนของกลูโคสโมเลกุลหนึ่งกับหมู่ -OH ที่คาร์บอน-4 ของกลูโคสโมเลกุลถัดไป ถ้าแยกสลายเซลลูโลสด้วยน้ำที่มีกรด HCl อยู่ 40% จะได้ D-glucose แยกตัวออกมาประมาณ 95% แต่ถ้าใช้เอนไซม์จะแยกสลายเซลลูโลสได้ไม่สมบูรณ์ ทำให้ได้เซลโลไบโอสแทน เซลลูโลสในธรรมชาติแต่ละโมเลกุลประกอบด้วยกลูโคสประมาณ 10,000-15,000 หน่วย มีน้ำหนักโมเลกุลประมาณ 1.6-2.4 ล้าน ความแข็งแรงของเนื้อไม้เกิดจากเซลลูโลสหลาย ๆ เส้นซึ่งยึดกันด้วยพันธะไฮโดรเจนมามัดรวมกันเหมือนเกลียวเชือก

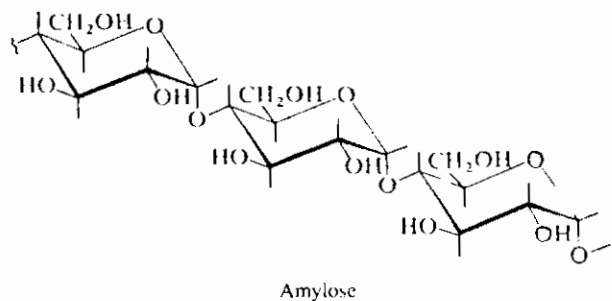


เซลลูโลสไม่มีเฮมิแอซิติลแลคคาร์บอน จึงไม่เกิดมีวทะโรเทชัน และไม่ถูกออกซิไดส์โดยทอลเลนส์รีเอเจนต์ อันที่จริงเซลลูโลสมีเฮมิแอซิติลแลคคาร์บอนที่ปลายโมเลกุล แต่เนื่องจากเป็นส่วนประกอบเพียงเล็กน้อยเมื่อเทียบกับโมเลกุลมหึมาของเซลลูโลส จึงไม่สามารถสังเกตได้ว่ามีปฏิกิริยาเกิดขึ้น

สัตว์เลี้ยงลูกด้วยนมไม่มีเอนไซม์สำหรับย่อยเซลลูโลส แต่ในแบคทีเรียและสัตว์เซลล์เดียวบางชนิดมีเอนไซม์ชื่อ เซลลูเลส (cellulase) ใช้ย่อยเซลลูโลส สัตว์กินหญ้าสามารถกินเซลลูโลสเป็นอาหารได้ เพราะจุลินทรีย์ในกระเพาะอาหารและลำไส้ของสัตว์เหล่านั้นช่วยย่อยเซลลูโลส ผลผลิตจากการย่อยสลายเซลลูโลสจึงเป็นอาหารของสัตว์กินหญ้าต่อไป

8.2.3.2 แป้ง แป้ง (starch) เป็นพอลิแซ็กคาไรด์ที่มีมากเป็นอันดับสองรองจากเซลลูโลส แป้งเป็นอาหารของพืชที่สะสมในราก หัว ผล หรือเมล็ด แป้งประกอบด้วยแอมิโลส (amylose) ซึ่งละลายน้ำประมาณ 20% และแอมิโลเพกทิน (amylopectin) ซึ่งไม่ละลายน้ำ ประมาณ 80%

(1) **แอมิโลส (amylose)** เมื่อแอมิโลสถูกแยกสลายด้วยน้ำที่เป็นกรดเจือจาง จะให้ D-glucose เพียงชนิดเดียวเท่านั้น แต่ถ้าใช้เอนไซม์ชื่อ diastase แทนกรดเจือจาง จะเกิดการแยกสลายด้วยน้ำเพียงบางส่วนได้มอลโทสซึ่งเป็นไดแซ็กคาไรด์แทน แอมิโลสประกอบด้วยกลูโคสต่อกันแบบ 1,4'- $\alpha$  เป็นเส้นยาว ไม่มีโซ่กิ่ง แอมิโลสแตกต่างจากเซลลูโลสที่พันธะไกลโคไซด์ เซลลูโลสมีพันธะไกลโคไซด์แบบเบตา แต่แอมิโลสมีพันธะไกลโคไซด์แบบแอลฟา ความแตกต่างของพันธะไกลโคไซด์ทำให้แอมิโลสมีสมบัติแตกต่างจากเซลลูโลส แต่โมเลกุลของแอมิโลสมีกลูโคสประมาณ 250 หน่วย จำนวนกลูโคสอาจมีมากกว่าหรือน้อยกว่า 250 หน่วย ซึ่งขึ้นอยู่กับชนิดของพืช

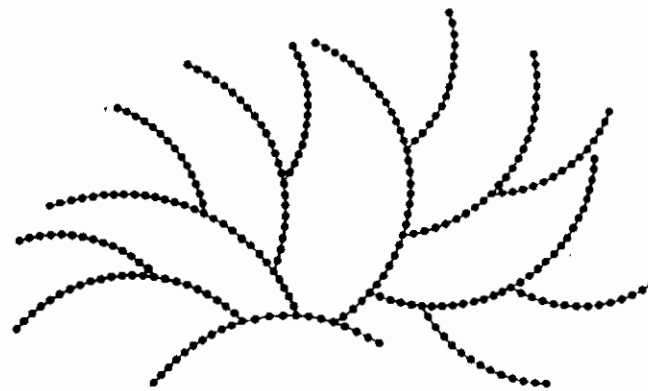
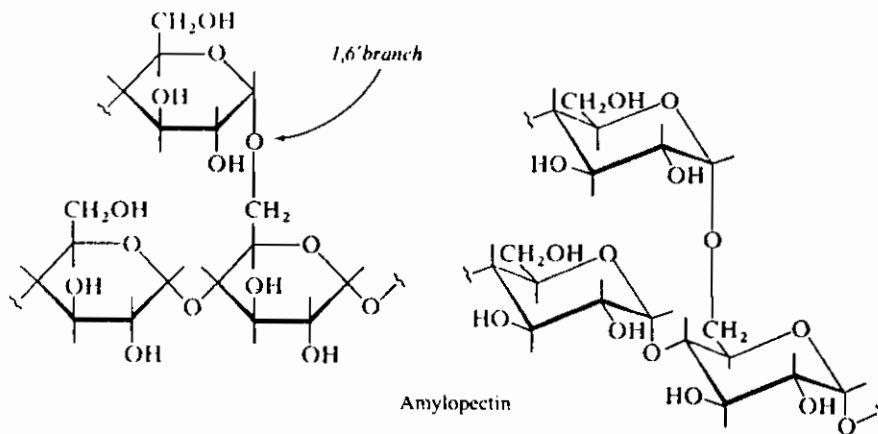


เมื่อหยดสารละลายของไอโอดีนลงไปใน่แป้งโมลอส โมเลกุลของแป้งจะพันรอบโมเลกุลของไอโอดีน (ภาพ 8.11) และเกิดอันตรกิริยาทางอิเล็กตรอนระหว่างแป้งกับไอโอดีน ทำให้เกิดเป็นสีน้ำเงินขึ้น วิธีนี้จึงเป็นวิธีที่ใช้ทดสอบแป้ง



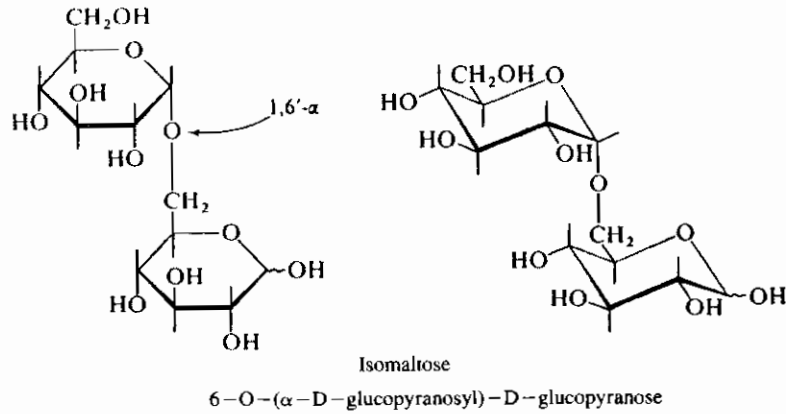
ภาพ 8.11 โมเลกุลของไอโอดีนถูกกักอยู่ในเกลียวของแป้ง

(2) **แป้งเพคติน (amylopectin)** แป้งเพคตินเป็นพอลิแซ็กคาไรด์ที่มีขนาดใหญ่กว่าแป้ง แต่แต่ละโมเลกุลประกอบด้วยกลูโคสอย่างน้อย 1,000 หน่วย โซ่หลักของแป้งเพคตินประกอบด้วย 1,4'- $\alpha$ -D-glucose เช่นเดียวกับแป้ง แต่แป้งเพคตินแตกต่างจากแป้งตรงที่แป้งเพคตินมีโซ่กิ่งแตกออกไปทุก ๆ ประมาณ 24-30 หน่วยกลูโคส (ภาพ 8.12) ตรงกิ่งที่แยกออกไปกลูโคสจะต่อกันแบบ 1,6'- $\alpha$ -glycosidic bond



ภาพ 8.12 โครงสร้างโมเลกุลของแป้งเพคติน (จุดดำแต่ละจุดหมายถึงโมเลกุลของกลูโคส)

เมื่อเอมิโลเพกตินถูกย่อยสลายด้วยน้ำที่เป็นกรดเจือจาง จะให้ D-glucose เพียงชนิดเดียวเท่านั้น แต่ถ้าใช้เอนไซม์ diastase แทนกรดเจือจาง จะได้มอลโทสและไอโซมอลโทส (isomaltose) ซึ่งเป็นไดแซ็กคาไรด์ทั้งคู่ ไอโซมอลโทสเป็นไดแซ็กคาไรด์ที่ต่อกัน แบบ 1,6'- $\alpha$  เป็นชิ้นส่วนจากบริเวณที่มีไซ์กิ่งแตกแขนงออกไป



เอมิโลเพกตินไม่ละลายน้ำ ให้สีม่วงแดงในสารละลายไอโอดีน วิธีนี้จึงเป็นวิธีทดสอบว่ามีเอมิโลเพกตินอยู่ในสารละลายหรือไม่

**8.2.3.3 ไกลโคเจน** ไกลโคเจน (glycogen) คือคาร์โบไฮเดรตที่สะสมในเซลล์ของสัตว์พบมากในตับและกล้ามเนื้อ ไกลโคเจนมีโครงสร้างโมเลกุลเช่นเดียวกับเอมิโลเพกติน แต่ต่างกันตรงที่ไกลโคเจนมีไซ์กิ่งแตกออกไปมากกว่า ไซ์กิ่งจะแตกออกไปทุก ๆ ประมาณ 10-12 หน่วยกลูโคส บางแห่งอาจแตกกิ่งห่างออกไปเพียง 6 หน่วยกลูโคสเท่านั้น ไกลโคเจนให้สีม่วงแดงในสารละลายของไอโอดีน เมื่อถูกแยกสลายด้วยน้ำที่เป็นกรดเจือจางจะแตกตัวให้ D-glucose อย่างเดียว น้ำหนักโมเลกุลของไกลโคเจนประมาณ 1,000,000-5,000,000

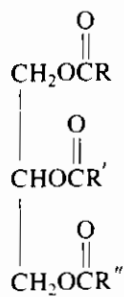
### 8.3 ลิพิด

ลิพิด (lipid) คือ สารอินทรีย์ธรรมชาติจำพวกหนึ่งที่จัดอยู่ในกลุ่มเดียวกันโดยไม่คำนึงถึงชนิดของหมู่ฟังก์ชันนัล สมบัติทางเคมี หรือลักษณะโครงสร้างโมเลกุล แต่สารอินทรีย์เหล่านี้จัดเป็นประเภทลิพิดเพราะมีสมบัติทางกายภาพที่เหมือนกันอยู่อย่างหนึ่งคือ สมบัติการละลาย ลิพิดไม่ละลายน้ำ แต่ละลายได้ดีในตัวทำละลายอินทรีย์ต่อไปนี้ชนิดใดชนิดหนึ่งหรือมากกว่าหนึ่งชนิด ซึ่งได้แก่ ตัวทำละลายไฮโดรคาร์บอน อีเทอร์ คลอโรฟอร์ม เบนซีน หรือตัวทำละลายที่มีสภาพมีขั้วใกล้เคียงกัน

ลิพิดมีอยู่ทั่วไปในสิ่งมีชีวิต มีบทบาทสำคัญหลายอย่างในเนื้อเยื่อของพืชและสัตว์ ลิพิดในมนุษย์ทำหน้าที่เป็นแหล่งสะสมพลังงาน เป็นเชื้อเพลิงในเมแทบอลิซึม เป็นส่วนประกอบของโครงสร้างในเยื่อหุ้มเซลล์ เป็นวิตามิน และเป็นตัวควบคุมเมแทบอลิซึม

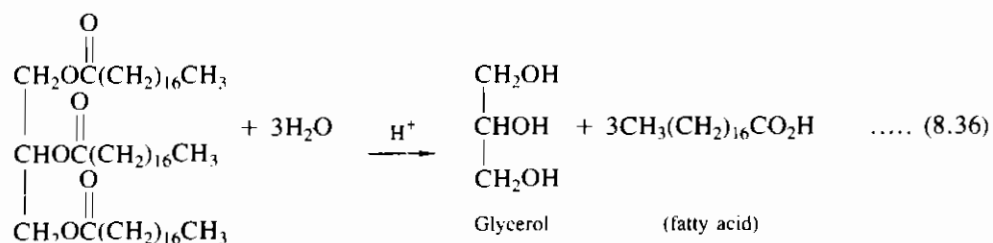
ลิพิดจำแนกเป็นลิพิดที่ไม่ทำปฏิกิริยากับเบส เช่น steroid และลิพิดที่ทำปฏิกิริยากับเบส ได้แก่ ไขมัน (fat) น้ำมัน (oil) และไข (wax) ในที่นี้จะกล่าวถึงเฉพาะลิพิดที่ทำปฏิกิริยากับเบสเท่านั้น

**8.3.1 ไขมันและน้ำมัน** ไขมันและน้ำมันมีสูตรทั่วไปเรียกว่า ไตรกลีเซอไรด์ (triglyceride) หรือไตรเอซิลกลีเซอรอล (triacylglycerol) หรือเรียกสั้น ๆ ว่า กลีเซอไรด์ (glyceride) ซึ่งหมายถึง กลีเซอรอล (glycerol) ที่มีหมู่เอสเทอร์สามหมู่ กลีเซอไรด์ที่เป็นของแข็งที่อุณหภูมิห้องเรียกว่า ไขมัน (fat) ส่วนกลีเซอไรด์ที่เป็นของเหลวที่อุณหภูมิห้องเรียกว่า น้ำมัน (oil) กลีเซอไรด์จากสัตว์มักเป็นไขมัน และกลีเซอไรด์จากพืชมักเป็นน้ำมัน



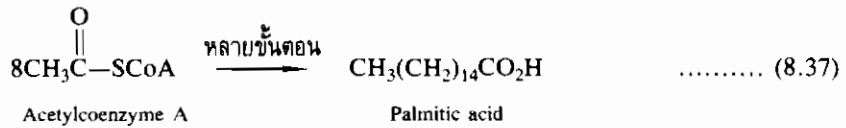
Triglyceride

เมื่อนำไขมันหรือน้ำมันมาแยกสลายด้วยน้ำที่เป็นกรด จะได้กลีเซอรอลและกรดไขมัน (fatty acid) ดังตัวอย่างในสมการ 8.36



ไขมันและน้ำมันจากธรรมชาติมักเป็นกลีเซอไรด์ผสม (mixed glyceride) หมายความว่า เป็นกลีเซอไรด์ที่ประกอบด้วยกรดไขมันที่แตกต่างกัน

กรดไขมันจากธรรมชาติเกือบทุกชนิดมีจำนวนคาร์บอนอะตอมเป็นเลขคู่ เพราะสิ่งมีชีวิตสังเคราะห์ไขมันจากหมู่แอซิติล (acetyl) ซึ่งประกอบด้วยคาร์บอนสองอะตอมอยู่ใน acetyl-coenzyme A ดังสมการ 8.37



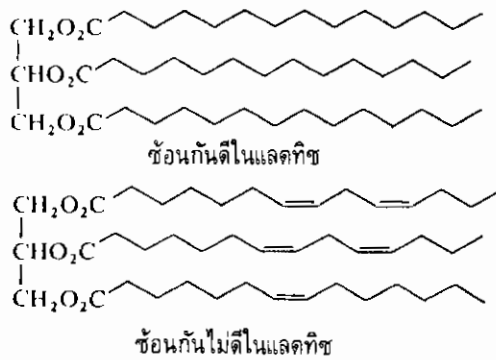
ส่วนที่เป็นไฮโดรคาร์บอนในกรดไขมันมีทั้งชนิดอิ่มตัวและไม่อิ่มตัว (ตาราง 8.4) กรดไขมันไม่อิ่มตัวในธรรมชาติที่มีมากที่สุดคือ กรดโอเลอิก (oleic acid) ซึ่งเป็นกรดไขมันที่มีพันธะคู่หนึ่งพันธะ กรดไขมันไม่อิ่มตัวที่มีพันธะคู่มากกว่าหนึ่งพันธะพบมากในน้ำมันพืชต่าง ๆ

ตาราง 8.4 กรดไขมันบางชนิดและแหล่งที่พบ

ชื่อกรดไขมัน	สูตร	แหล่งที่พบ
<b>กรดไขมันอิ่มตัว</b>		
Butyric	$\text{CH}_3(\text{CH}_2)_2\text{CO}_2\text{H}$	ไขมันในเนื้อมัน
Palmitic	$\text{CH}_3(\text{CH}_2)_{14}\text{CO}_2\text{H}$	ไขมันพืชและสัตว์
Stearic	$\text{CH}_3(\text{CH}_2)_{16}\text{CO}_2\text{H}$	ไขมันพืชและสัตว์
<b>กรดไขมันไม่อิ่มตัว</b>		
Palmitoleic	$\text{CH}_3(\text{CH}_2)_5\text{CH}=\text{CH}(\text{CH}_2)_7\text{CO}_2\text{H}$	ไขมันพืชและสัตว์
Oleic	$\text{CH}_3(\text{CH}_2)_7\text{CH}=\text{CH}(\text{CH}_2)_7\text{CO}_2\text{H}$	ไขมันพืชและสัตว์
Linoleic	$\text{CH}_3(\text{CH}_2)_4\text{CH}=\text{CHCH}_2\text{CH}=\text{CH}(\text{CH}_2)_7\text{CO}_2\text{H}$	น้ำมันพืช
Linolinic	$\text{CH}_3\text{CH}_2\text{CH}=\text{CHCH}_2\text{CH}=\text{CHCH}_2\text{CH}=\text{CH}(\text{CH}_2)_7\text{CO}_2\text{H}$	น้ำมันลินสีด

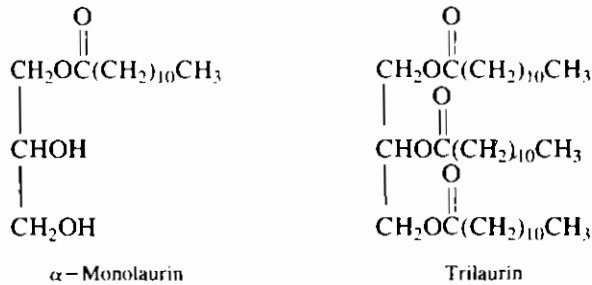
กรดไขมันไม่อิ่มตัวที่เกิดในธรรมชาติมีโครงสร้างที่มีพันธะคู่เป็นแบบซิส (ภาพ 8.13) ซึ่งทำให้ส่วนที่เป็นไฮโดรคาร์บอนของกรดไขมันไม่สามารถซ้อนกันได้สนิท ทำให้มีจุดหลอมเหลวต่ำ ดังนั้นกลีเซอไรด์ที่มีพันธะคู่มาก ๆ จึงเป็นน้ำมัน ส่วนกรดไขมันอิ่มตัวมีโครงสร้างแบบซิกแซกโดยตลอด (ภาพ 8.12) ทำให้โมเลกุลซ้อนกันได้สนิทดี และเกิดแรงดึงดูดแบบแวนเดอร์วาลส์อย่างแรง ดังนั้นกลีเซอไรด์ชนิดอิ่มตัวจึงเป็นไขมันหรือเป็นของแข็ง



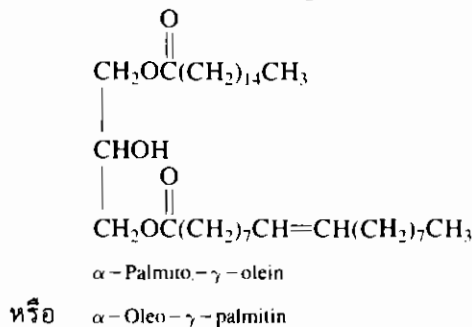


ภาพ 8.13 การเปรียบเทียบโครงสร้างโมเลกุลของกลีเซอไรด์อิ่มตัวและไม่อิ่มตัว

8.3.1.1 การเรียกชื่อ ตำแหน่งของคาร์บอนทั้งสามของกลีเซอรอลในกลีเซอไรด์เรียกว่า ตำแหน่งแอลฟา เบตา และแกมมา ตามลำดับ การเรียกชื่อกลีเซอไรด์ที่ประกอบด้วยกรดไขมันชนิดเดียวกัน ให้ระบุตำแหน่งคาร์บอนในกลีเซอรอลที่มีกรดไขมันเกาะพร้อมทั้งชื่อกรดไขมัน ถ้ามีกรดไขมันเหมือนกันหนึ่งหมู่ สองหมู่ หรือสามหมู่ ให้เติมคำว่า mono หรือ di หรือ tri หน้าชื่อกรดไขมันด้วย ต่อไปให้ตัดคำลงท้ายของชื่อกรด -ic acid ออก แล้วเปลี่ยนเป็น -in แทน ดังตัวอย่างต่อไปนี้



ถ้ากลีเซอไรด์ประกอบด้วยกรดไขมันแตกต่างกัน ให้เรียกชื่อกรดไขมันทีละชื่อ จะเริ่มจากปลายข้างใดก่อนก็ได้ กรดไขมันที่เป็นชื่อหลัก (ชื่อขวาสุด) ให้เปลี่ยนคำลงท้าย -ic acid เป็น -in ส่วนชื่อกรดไขมันอื่น ๆ ให้เปลี่ยนคำลงท้าย -ic acid เป็น -o- แทน พร้อมทั้งระบุตำแหน่งคาร์บอนในกลีเซอรอลที่เกาะอยู่ ดังตัวอย่างต่อไปนี้



8.3.1.2 การวิเคราะห์ไขมันและน้ำมัน ชนิดและคุณภาพของไขมันและน้ำมันสามารถทราบได้โดยอาศัยสมบัติทางกายภาพและสมบัติทางเคมีของไขมันและน้ำมัน การทดสอบทางกายภาพทำได้โดยหาจุดหลอมเหลว จุดแข็งตัว ความหนาแน่น และดัชนีหักเหของแสงในไขมันหรือน้ำมัน การทดสอบทางเคมีซึ่งทำให้ทราบชนิดและคุณภาพของกรดไขมันมีวิธีต่าง ๆ ดังต่อไปนี้

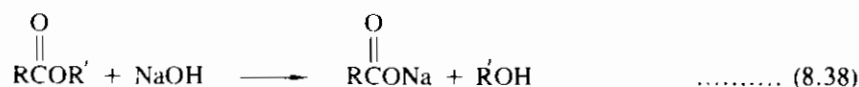
(1) **ค่ากรด (acid value)** คือ จำนวนมิลลิกรัมของโพแทสเซียมไฮดรอกไซด์ที่ทำให้ไขมันหรือน้ำมันจำนวนหนึ่งกรัมเป็นกลาง เป็นตัวเลขที่วัดปริมาณกรดที่แตกออกมาเป็นอิสระทำการทดลองโดยใช้สารละลายของไขมันหรือน้ำมันที่ละลายใน 95% เอทานอลที่ร้อน มีฟีนอล์ฟเทอินเป็นอินดิเคเตอร์ แล้วไทเทรตกับสารละลายมาตรฐาน KOH

(2) **ค่าสะพอนิฟิเคชัน (saponification value)** คือ จำนวนมิลลิกรัมของโพแทสเซียมไฮดรอกไซด์ที่ต้องการทำให้กรดที่แยกสลายจากกลีเซอไรด์เป็นกลาง เมื่อไขมันหรือน้ำมันจำนวนหนึ่งกรัมถูกแยกสลายด้วยน้ำอย่างสมบูรณ์จะทำให้กรดไขมันทั้งหมดแตกตัวออกมา

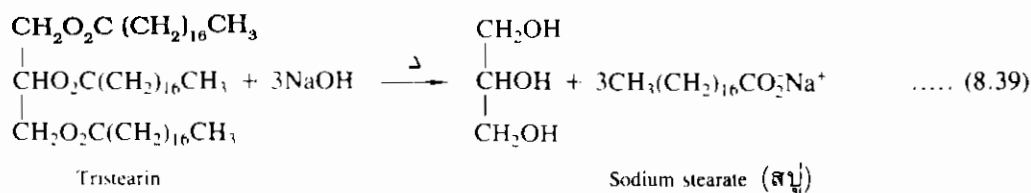
(3) **ค่าไอโอดีน (iodine number)** คือ จำนวนกรัมของไอโอดีนที่ทำปฏิกิริยากับไขมันหรือน้ำมันจำนวนหนึ่งกรัม เป็นตัวเลขที่วัดระดับสภาพไม่อิ่มตัวของกรดไขมัน

### 8.3.1.3 สมบัติทางเคมี

(1) **ปฏิกิริยาสะพอนิฟิเคชัน** คำว่า "saponify" แปลว่า "ทำสบู่" ปฏิกิริยาสะพอนิฟิเคชันคือปฏิกิริยาที่ทำให้เอสเทอร์แยกสลายด้วยน้ำที่เป็นเบส ปฏิกิริยาสะพอนิฟิเคชันของเอสเทอร์ด้วยโซเดียมไฮดรอกไซด์จะให้ผลผลิตเป็นเกลือโซเดียมของกรดคาร์บอกซิลิก ดังสมการ 8.38

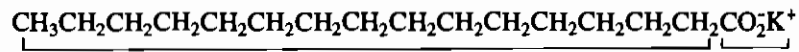


แต่ปฏิกิริยาสะพอนิฟิเคชันของกลีเซอไรด์ด้วยโซเดียมไฮดรอกไซด์ให้ผลผลิตเป็นเกลือโซเดียมของกรดไขมัน ซึ่งเป็นโซ่ยาวมีคาร์บอน 12-18 อะตอมที่เรียกว่า สบู่ ดังสมการ 8.39



สบู่คือเกลือโซเดียมของกรดไขมันหรือเกลือโพแทสเซียมของกรดไขมันซึ่งเป็นโซ่ยาวได้จากปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำของไขมันหรือน้ำมันด้วยโซเดียมไฮดรอกไซด์หรือโพแทสเซียมไฮดรอกไซด์ สบู่ที่สร้างขึ้นใช้เริ่มแรกในสมัยก่อนทำจากไขมันวัวหรือไขมันหมูผสมกับขี้เถ้า

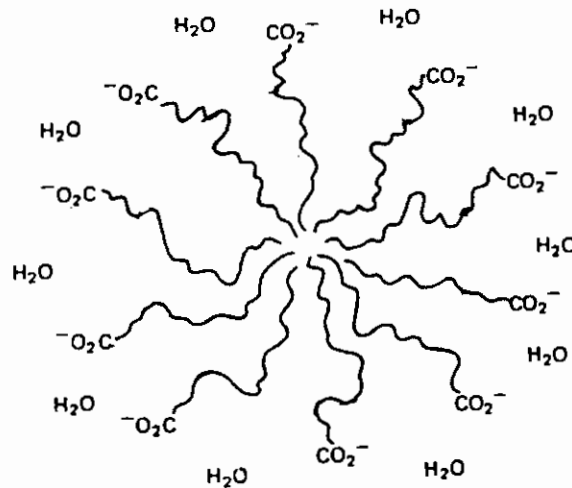
ของไม้ (ขี้เถ้าของไม้มีเกลือแอสลิตต่าง ๆ เช่น  $K_2CO_3$ ) สบู่มีประโยชน์ในการละลายสารอินทรีย์ที่ไม่มีขี้ สบู่มีการละลายสารอินทรีย์ที่ไม่มีขี้ของสบู่สามารถอธิบายได้โดยพิจารณาจากสูตรโครงสร้างของสบู่



nonpolar

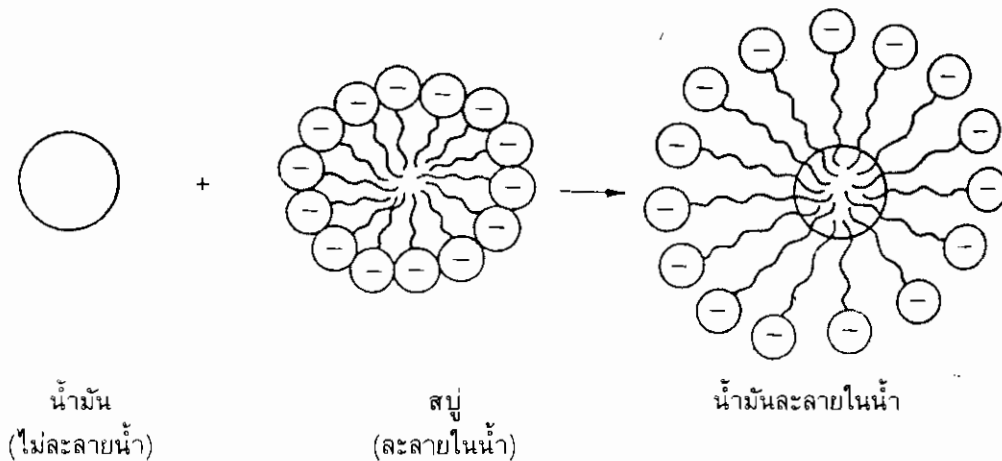
polar

โมเลกุลของสบู่ประกอบด้วยส่วนหัวซึ่งเป็นขั้วลบและส่วนที่เหลือเป็นโซ่ยาวของไฮโดรคาร์บอนที่ไม่มีขี้ ส่วนที่เป็นไฮโดรคาร์บอนไม่ชอบน้ำ (hydrophobic) และละลายได้ในตัวทำละลายที่ไม่มีขี้ (nonpolar) ส่วนหัวซึ่งเป็นไอออนเป็นส่วนที่ชอบน้ำ (hydrophilic) และละลายได้ในน้ำ จากหลักที่ว่า "like dissolves like" เมื่อผสมสบู่กับน้ำ ส่วนหัวของโมเลกุลสบู่สามารถละลายน้ำได้ แต่ส่วนที่เป็นไฮโดรคาร์บอนของโมเลกุลจะไม่ละลายน้ำ ส่วนที่เป็นไฮโดรคาร์บอนของโมเลกุลสบู่จะแสวงหาสภาพแวดล้อมที่ไม่มีขี้เช่นเดียวกัน ดังนั้นส่วนที่เป็นไฮโดรคาร์บอนของสบู่จะมารวมกันกลายเป็นกลุ่มก้อน เรียกว่า ไมเซลล์ (micelle) ดังภาพ 8.14 ดังนั้นไมเซลล์คือโมเลกุลของสบู่จับเป็นร้อย ๆ โมเลกุลมารวมกันเป็นกลุ่มก้อน มีส่วนที่เป็นไฮโดรคาร์บอนซ่อนอยู่ภายในไมเซลล์ และให้ส่วนหัวซึ่งเป็นขั้วลบโผล่ออกมาที่ผิวหน้าของไมเซลล์และสัมผัสกับน้ำ เนื่องจากที่ผิวรอบไมเซลล์มีแต่ประจุลบ ไมเซลล์ทั้งหลายซึ่งมีประจุลบเหมือนกันจึงผลักกัน ทำให้ไมเซลล์ทั้งหลายของสบู่กระจัดกระจายอยู่ในน้ำ



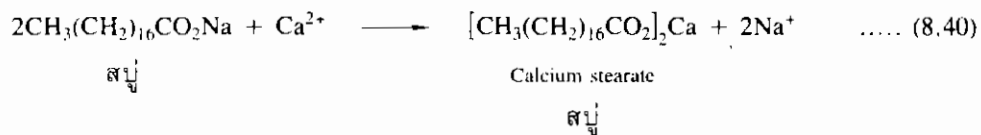
ภาพ 8.14 ไมเซลล์ของสบู่ในน้ำ

เนื่องจากแต่ละโมเลกุลของสบู่มีทั้งส่วนที่ละลายได้ในน้ำและส่วนที่ไม่ละลายในน้ำ จึงทำให้สบู่สามารถกำจัดน้ำมันหรือสิ่งสกปรกที่ไม่มีขั้วหรือไม่ละลายน้ำได้ เพราะสบู่จะใช้ส่วนของโมเลกุลที่เป็นไฮโดรคาร์บอนละลายสิ่งสกปรกชนิดที่ไม่มีขั้วเหล่านั้นและให้เข้าไปอยู่ภายในไมเซลล์ (ภาพ 8.15) การขยี้ผ้าหรือให้ผ้ากึ่งหรือแกว่งอยู่ในเครื่องซักผ้าจะช่วยให้สิ่งสกปรกหลุดออกจากผ้าและละลายอยู่ในไมเซลล์ได้ง่ายยิ่งขึ้น



ภาพ 8.15 กลไกการทำงานของสบู่

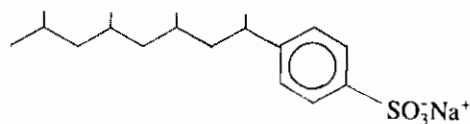
สบู่มีข้อเสียประการหนึ่งคือ เมื่อใช้สบู่ในน้ำกระด้าง ไอออนในน้ำกระด้างซึ่งได้แก่  $Ca^{++}$  และ  $Mg^{++}$  จะทำปฏิกิริยากับสบู่เกิดเป็นตะกอนสีเหลือง ไม่ละลายน้ำ ดังสมการ 8.40



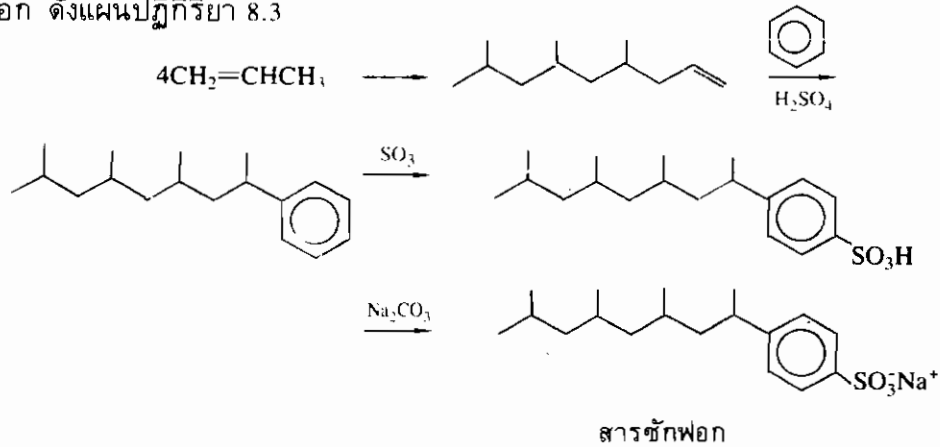
สารซักฟอก (detergent) มีกลไกในการชำระล้างเช่นเดียวกับสบู่ โมเลกุลของสารซักฟอกประกอบด้วยแอลเคนซึ่งไม่มีขั้วเป็นโซ่ยาวและมีหมู่ที่มีขั้วที่ปลายโซ่ข้างหนึ่งเช่นเดียวกับสบู่ แต่ต่างกันที่หมู่ที่มีขั้วของสารซักฟอกเป็นเกลือโซเดียมซัลเฟเนต (sodium sulfonate)

สารซักฟอกมีข้อดีที่ได้เปรียบกว่าสบู่คือ สารซักฟอกสามารถใช้ได้ดีในน้ำกระด้าง เกลือแคลเซียมหรือแมกนีเซียมของแอลเคนซัลเฟเนตสามารถละลายในน้ำได้ ดังนั้นสารซักฟอกจึงไม่เป็นตะกอนในน้ำกระด้าง

สารซักฟอกชนิดแรกที่เกิดขึ้นและใช้กันมาตั้งแต่ปี ค.ศ. 1933 มีสูตรโครงสร้างเป็น alkylbenzenesulfonate ที่มีโซ่กิ่งมาก เช่น

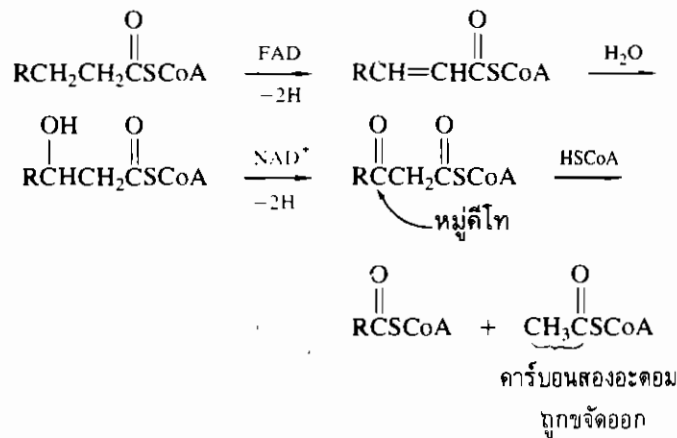


ส่วนที่เป็นแอลคิลของสารชักฟอกในยุคแรกนั้นสังเคราะห์ขึ้นโดยปฏิกิริยาการเกิดพอลิ-เมอร์ของโพรพิลีน และให้หมู่แอลคิลเข้าเกาะกับวงเบนซีนโดยปฏิกิริยาฟรีเดิลคราฟต์แอลคิ-เลชัน ต่อจากนั้นจึงให้ทำปฏิกิริยาซัลฟะเนชัน และในขั้นสุดท้ายเมื่อให้ทำปฏิกิริยากับเบสจะได้ สารชักฟอก ดังแผนปฏิกิริยา 8.3



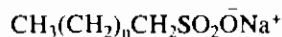
แผนปฏิกิริยา 8.3 ตัวอย่างการเตรียมสารชักฟอก

ข้อเสียประการหนึ่งของสารชักฟอก คือ ก่อให้เกิดปัญหาต่อสิ่งแวดล้อม เพราะจุลินทรีย์ธรรมชาติที่อยู่ในดินสามารถย่อยสลายหมู่แอลคิลที่เป็นโซ่เชิงเส้นตรงเท่านั้น ให้เป็นสารอินทรีย์โมเลกุลเล็ก ๆ ที่ไม่มีอันตราย แต่จุลินทรีย์ธรรมชาติไม่สามารถย่อยสลายหมู่แอลคิลที่มีโซ่กิ่งได้ สาเหตุที่จุลินทรีย์ย่อยสลายได้เฉพาะหมู่แอลคิลที่ไม่มีโซ่กิ่ง ก็เพราะว่าหมู่แอลคิลจะถูกตัดออกที่ละสองคาร์บอนอะตอมโดยหมู่คีโตเอสเทอร์ ถ้ามีโซ่กิ่ง โซ่กิ่งจะเป็นอุปสรรคต่อการสร้างหมู่คีโต และทำให้การย่อยสลายชะงักลงตรงที่มีโซ่กิ่งนั้น การย่อยสลายของหมู่แอลคิลแสดงในปฏิกิริยา 8.4



แผนปฏิกิริยา 8.4 การย่อยสลายหมู่แอลคิล

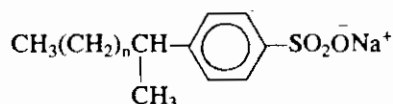
ดังนั้นเพื่อป้องกันไม่ให้สารซักฟอกสะสมอยู่ในดินหรือในแม่น้ำลำคลอง ประเทศสหรัฐอเมริกาจึงได้ห้ามผลิตสารซักฟอกซึ่งมีหมู่แอลคิลเป็นโซ่กิ่งออกมาใช้ ในปี ค.ศ. 1965 ได้มีการผลิตสารซักฟอกชนิดแอลเคนซัลเฟตเชิงเส้นตรงซึ่งมีสูตรทั่วไปคือ  $\text{CH}_3(\text{CH}_2)_n\text{CH}_2\text{SO}_3\text{Na}^+$  สารซักฟอกชนิดนี้สามารถถูกย่อยสลายโดยจุลินทรีย์ได้หมดหรือเกือบหมด ตัวอย่างของสูตรสารซักฟอกได้แก่



Sodium alkyl sulfonate

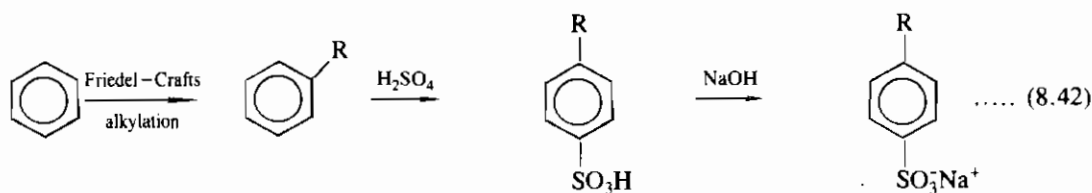
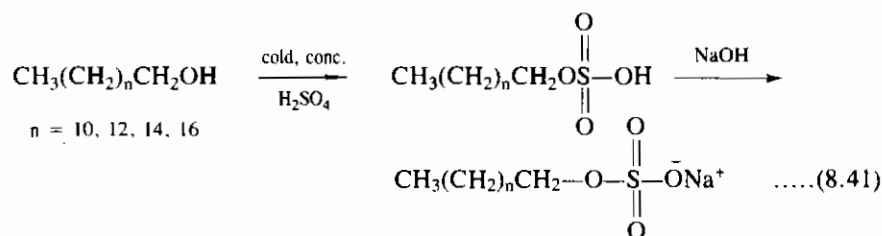


Sodium alkyl sulfate

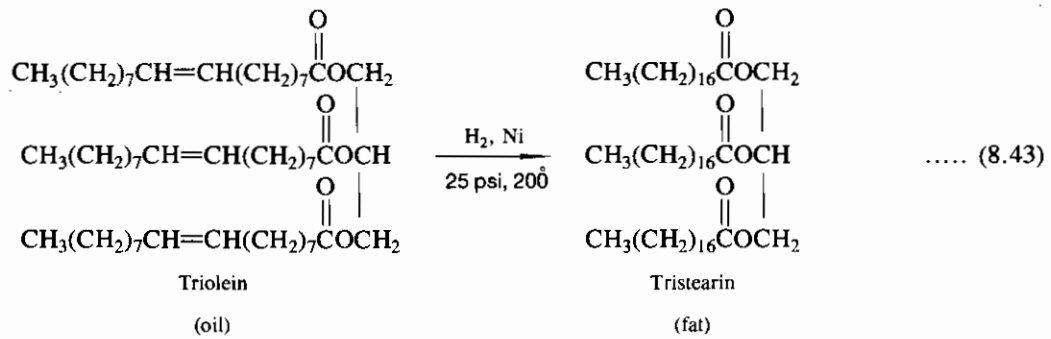


Sodium alkylbenzenesulfonate

การเตรียม sodium alkyl sulfate และ sodium alkylbenzenesulfonate แสดงในสมการ 8.41 และ 8.42 ตามลำดับ

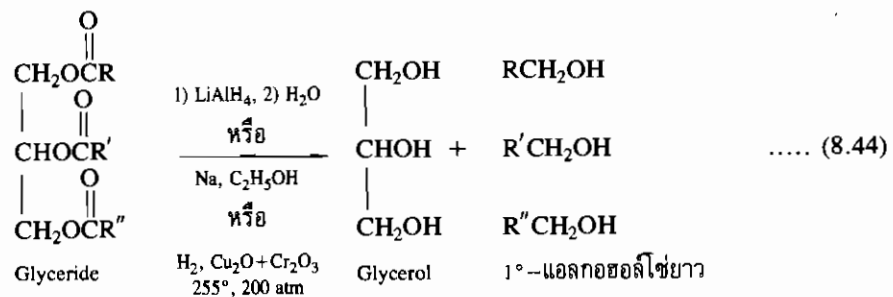


(2) **ปฏิกิริยารีดักชัน** น้ำมันเป็นสารประกอบไม่อิ่มตัว มีสถานะเป็นของเหลว น้ำมันพืชสามารถแปรรูปเป็นไขมันซึ่งมีสถานะของแข็งได้โดยปฏิกิริยาการเติมไฮโดรเจนที่มีตัวเร่ง (catalytic hydrogenation) และมีภาวะปฏิกิริยาไม่รุนแรง กรรมวิธีการทำน้ำมันให้เป็นไขมันใช้แก๊สไฮโดรเจนที่มีความดันต่ำประมาณ 20–40 ปอนด์/ตารางนิ้ว อุณหภูมิประมาณ 175–200° และมีโลหะนิกเกิลเป็นตัวเร่งปฏิกิริยา ดังสมการ 8.43

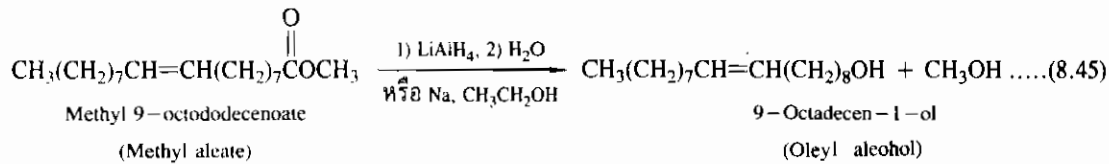


เนื่องจากแก๊สไฮโดรเจนที่ใช้ทำให้น้ำมันกลายเป็นของแข็ง มีความดันต่ำ จึงเกิดแต่ปฏิกิริยาการเติมไฮโดรเจนที่พันธะคู่เท่านั้น โดยไม่เกิดการแตกพันธะ C—O แต่อย่างใด การแตกพันธะ C—O ต้องใช้ภาวะปฏิกิริยารุนแรงมากกว่านี้หลายเท่า ในทางปฏิบัติจะต้องมีการควบคุมปฏิกิริยาการเติมไฮโดรเจนไว้ไม่ให้เกิดอย่างสมบูรณ์ หมายความว่า ควรจะมีพันธะคู่เหลืออยู่บ้าง ถ้าหากเกิดการเติมไฮโดรเจนอย่างสมบูรณ์โดยไม่มีพันธะคู่เหลืออยู่เลย จะทำให้ได้ไขมันที่แข็งเกินไป การเติมไฮโดรเจนลงไปให้น้ำมันเพียงบางส่วน เช่น การเติมไฮโดรเจนลงไปให้น้ำมันข้าวโพด น้ำมันถั่วเหลือง น้ำมันเมล็ดฝ้าย และน้ำมันเมล็ดทานตะวัน เป็นต้น ทำให้น้ำมันเหล่านี้กลายเป็นเนยเทียม (margarine) หรือไขมันประกอบอาหาร (cooking fat) พวกเนยเทียมหรือไขมันประกอบอาหารมักมีราคาไม่แพง เพราะใช้น้ำมันพืชเป็นวัตถุดิบซึ่งหาได้ง่ายและมีราคาถูก จากการศึกษาพบว่าคอเลสเตอรอล (cholesterol) ที่เกาะตามผนังหลอดเลือดอาจมาจากไขมันอิ่มตัว ดังนั้นผู้บริโภคจึงหันมาใช้ไขมันพืชในการปรุงอาหารแทนน้ำมันสัตว์กันมากขึ้น

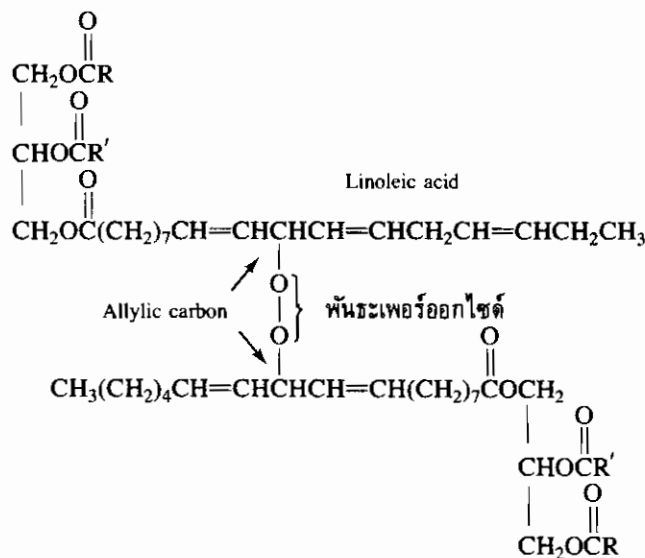
การเติมไฮโดรเจนที่มีภาวะปฏิกิริยารุนแรงหรือใช้  $\text{LiAlH}_4$  และน้ำ/หรือใช้  $\text{Na}$  ในเอทานอล เป็นตัวรีดิวซ์ จะเกิดการแตกหักของพันธะ C—O ทำให้ได้แอลกอฮอล์ (สมการ 8.44) ซึ่งนำไปใช้เตรียมสารซักฟอกได้



เนื่องจากปฏิกิริยาการเติมไฮโดรเจนโดยมีตัวเร่งจะเกิดการเติมไฮโดรเจนที่พันธะคู่ของ C=C ด้วย ถ้าต้องการหลีกเลี่ยงไม่ให้พันธะคู่ C=C ถูกทำลาย ควรใช้โซเดียมในเอทานอล หรือใช้  $\text{LiAlH}_4$  ในอีเทอร์แห้งตามด้วยน้ำแทน ดังสมการ 8.45



(8) **ปฏิกิริยาออกซิเดชัน** น้ำมันชนิดไม่อิ่มตัวจะพบอยู่ในสีทา (paint) และน้ำมันชักเงา (varnish) ด้วย เมื่อเราทาสีหรือทาน้ำมันชักเงา น้ำมันชนิดไม่อิ่มตัวที่อยู่ในสีทาหรือน้ำมันชักเงา จะกลายเป็นของแข็งเคลือบผิวหน้าของวัสดุ เราจึงมักเรียกน้ำมันชนิดไม่อิ่มตัวที่ใช้ในงานประเภทนี้ว่า น้ำมันชักแห้ง (drying oil) แต่แท้ที่จริงแล้วน้ำมันดังกล่าวไม่ได้เกิดการแห้งแต่อย่างใด แต่เกิดจากปฏิกิริยาเคมีระหว่างน้ำมันและแก๊สออกซิเจนในอากาศ น้ำมันลินสีด (linseed) เป็นน้ำมันที่ผสมอยู่ในสีทา เมื่อน้ำมันลินสีดสัมผัสกับแก๊สออกซิเจนในอากาศ จะเกิดพันธะเพอร์ออกไซด์ (peroxide linkage) ระหว่างโมเลกุลของน้ำมันลินสีดนั้น เช่นเดียวกับปฏิกิริยารีดอกซ์ในเซชันในยาง เนื่องจากแอลลิคไฮโดรเจนมีความว่องไวมาก จะเห็นได้ว่าพันธะเพอร์ออกไซด์จะอยู่ระหว่างแอลลิคคาร์บอนของโมเลกุลต่าง ๆ แต่ละโมเลกุลของน้ำมันลินสีดสามารถเกิดพันธะเพอร์ออกไซด์ได้หลายพันธะ เพราะว่า R และ R' มักมีพันธะคู่อยู่ด้วย เมื่อมีการเชื่อมโยงด้วยพันธะเพอร์ออกไซด์มากขึ้น น้ำมันลินสีดจะ “แห้ง” กลายเป็นพอลิเมอร์เคลือบผิววัสดุไว้อย่างแข็งแรง





สีทาประกอบด้วยส่วนผสมที่สำคัญสี่อย่าง คือ

- (1) น้ำมันลินสีด ทำหน้าที่เคลือบผิว
- (2) สี ซึ่งเป็นออกไซด์ของโลหะ ทำให้สีทามีสีต่าง ๆ
- (3) เกลือโคบอลต์หรือแมงกานีสหรือตะกั่วของกรดคาร์บอกซิลิก ทำหน้าที่เร่งปฏิกิริยาให้แห้งเร็วขึ้น

(4) ตัวทำละลายประเภทไฮโดรคาร์บอนซึ่งระเหยง่าย เช่น น้ำมันสน (turpentine) หรือน้ำมันปิโตรเลียม จะช่วยลดความหนืดของสีทา ทำให้ทาสีได้เรียบสม่ำเสมอ

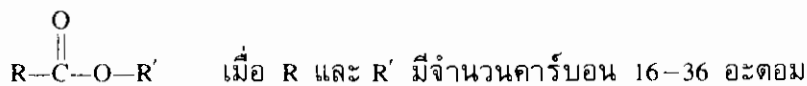
เมื่อทาสีบนวัตถุใด ตัวทำละลายซึ่งเป็นไฮโดรคาร์บอนจะระเหยออกไปก่อน ที่เหลืออยู่คือน้ำมันลินสีด สี และโลหะซึ่งเป็นตัวเร่ง น้ำมันลินสีดจะทำปฏิกิริยากับออกซิเจนในอากาศกลายเป็นสารเคมีเคลือบผิว การเก็บรักษาสีทาไว้ไม่ให้ถูกออกซิเจนและผสมด้วยตัวทำละลายที่เฉื่อยต่อปฏิกิริยา จะทำให้สีทาเก็บไว้ได้ไม่แห้ง

ไขมันและน้ำมันที่มีกลิ่นเหม็นหืนเรียกว่า สารเหม็นหืน (rancid compound) การเหม็นหืนเกิดจากปฏิกิริยาไฮโดรไลซิสหนึ่งในสองปฏิกิริยา คือ ปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำ และปฏิกิริยาออกซิเดชัน

เนยเหลว (butter) ที่เก็บไว้ในที่ชื้นและร้อนจะเกิดการเหม็นหืนได้ เพราะว่าเกิดปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำ ทำให้ได้กรดไขมันที่มีน้ำหนักโมเลกุลต่ำ ๆ แยกตัวออกมาเป็นอิสระ กลิ่นเหม็นหืนเป็นกลิ่นของ butyric acid และ caproic acid (hexanoic acid) เอนไซม์ในเนยชื่อ lipase จะช่วยเร่งปฏิกิริยาให้เกิดเร็วขึ้น การป้องกันเนยเหลวไม่ให้เกิดการเหม็นหืนทำได้โดยการเก็บเนยเหลวไว้ในภาชนะที่มีฝาปิดมิดชิดและในที่เย็น เช่น ในตู้เย็น

ปฏิกิริยาออกซิเดชันมักเกิดกับกลีเซอไรด์ไม่อิ่มตัว กลไกปฏิกิริยายังไม่ทราบแน่ชัด แต่เชื่อว่าเป็นเพอร์ออกไซด์ก่อน โดยที่ออกซิเจนเข้าเกาะที่แอลลิกลไฮโดรเจน ในเวลาต่อมาอาจเกิดการสลายตัวของเพอร์ออกไซด์และมีการแตกของพันธะคู่ด้วย ทำให้เกิดเป็นกรดที่มีน้ำหนักโมเลกุลต่ำแยกตัวออกมาเป็นอิสระ เป็นสาเหตุทำให้เกิดกลิ่นเหม็นหืน เราสามารถทำให้ปฏิกิริยาออกซิเดชันเกิดช้าลงได้โดยการเติมตัวยับยั้งที่เรียกว่า สารต้านออกซิเดชัน (anti-oxidant) ลงไปในอาหารที่มีกลีเซอไรด์ ตัวยับยั้งเช่น วิตามินอี และ ascorbic acid (วิตามินซี) สามารถทำปฏิกิริยากับออกซิเจนได้เร็วกว่ากลีเซอไรด์ จึงช่วยลดการเหม็นหืนได้

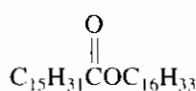
8.3.2 ไข (wax) คือ มอโนเอสเทอร์ธรรมชาติซึ่งประกอบด้วยส่วนที่เป็นกรดคาร์บอกซิลิกซึ่งเป็นไฮดรอกซิลจำนวนคาร์บอนไม่น้อยกว่า 16 อะตอม กับส่วนที่เป็นแอลกอฮอล์ซึ่งเป็นไฮดรอกซิลจำนวนคาร์บอนไม่น้อยกว่า 16 อะตอมเช่นเดียวกัน มีสูตรทั่วไปคือ



ส่วนที่เป็นกรดคาร์บอกซิลิกและส่วนที่เป็นแอลกอฮอล์ในไขจะมีจำนวนคาร์บอนอะตอมเป็นเลขคู่เสมอ เพราะถูกสร้างขึ้นจากกรดไขมันในน้ำมันพืช นอกจากนี้แล้วไขธรรมชาติมักเป็นของผสมที่ประกอบด้วยเอสเทอร์ต่าง ๆ และสิ่งเจือปนอื่น ๆ เช่น กรดที่แตกตัวออกมาเป็นอิสระ แอลกอฮอล์ที่เป็นโซ่ยาว คีโตน และแอลเคน

ไขเป็นของแข็งที่มีจุดหลอมเหลวต่ำ เป็นสารประกอบธรรมชาติที่เคลือบอยู่ตามผิวหนัง เช่น ขน ขนนกของสัตว์ หรือตามผิวใบไม้และผลไม้มากมาย ไขที่ได้จากสัตว์หรือพืชที่สำคัญมีดังนี้

(1) **สเปอ์มะเซตี (spermaceti)** เป็นไขจากหัวปลาวาฬ ประกอบด้วย cetyl palmitate เป็นส่วนใหญ่ (cetyl alcohol คือ 1-hexadecanol) มีจุดหลอมเหลว 42-47° ใช้ทำเครื่องสำอาง เทียนไข เป็นต้น มีสูตรดังนี้

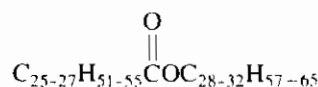


Spermaceti

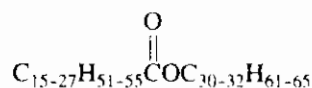
Cetyl palmitate

(1-hexadecyl hexadecanoate)

(2) **ขี้ผึ้ง (beeswax)** เป็นไขจากรังผึ้งซึ่งเป็นเอสเทอร์ผสม ประกอบด้วยส่วนที่เป็นกรดคาร์บอกซิลิกที่มีคาร์บอน 26-28 อะตอม กับส่วนที่เป็นแอลกอฮอล์ที่มีจำนวนคาร์บอน 28-32 อะตอม มีจุดหลอมเหลว 60-82° ใช้ทำลิปสติก ยาขี้ผึ้งรองเท้า เป็นต้น มีสูตรดังนี้



(3) **ไขคาร์โนบะ (carnauba wax)** ได้จากไขที่เคลือบใบปาล์มชนิดหนึ่งในประเทศบราซิล เอสเทอร์ส่วนใหญ่ในไขคาร์โนบะเป็นเอสเทอร์ผสม ประกอบด้วยส่วนที่เป็นกรดคาร์บอกซิลิกซึ่งมีจำนวนคาร์บอน 16-28 อะตอม กับส่วนที่เป็นแอลกอฮอล์ซึ่งมีจำนวนคาร์บอน 30-32 อะตอม มีจุดหลอมเหลวค่อนข้างสูงคือ 80-87° เนื่องจากไขคาร์โนบะค่อนข้างแข็งและกันน้ำได้ดี จึงใช้เป็นส่วนผสมในการทำไขขัดเงารถยนต์ พื้นห้อง รองเท้า และใช้เคลือบเงากระดาษคาร์บอน เป็นต้น ไขคาร์โนบะมีสูตรดังนี้



## คำถามบทที่ 8

- 8.1 เมื่อละลายกรดแอลฟาอะมิโนต่อไปนี้ในน้ำ สารละลายจะเป็นกรด ด่าง หรือเกือบเป็นกลาง
- |                   |               |
|-------------------|---------------|
| (1) glutamic acid | (2) glutamine |
| (3) leucine       | (4) lysine    |
| (5) serine        |               |
- 8.2 มอโนโซเดียมกลูตาเมต (monosodium glutamate, MSG) หรือที่เรียกกันว่า ผงชูรส มีสูตรโครงสร้างเป็นอย่างไร (ควรพิจารณาก่อนว่าหมู่คาร์บอกซิลใดในกรดกลูตามิกเป็นกรดแก่กว่า)
- 8.3 จงแสดงวิธีเตรียมไกลซีน (glycine) จากกรดอะซีติก โดยปฏิกิริยา HVZ
- 8.4 จงแสดงวิธีเตรียมแอละนีน (alanine) จากแอซิแทลดิไฮด์ โดยวิธีสังเคราะห์แบบสเตรกเกอร์
- 8.5 จงแสดงวิธีเตรียมเฟนิลแอละนีน (phenylalanine) โดยวิธีสังเคราะห์แบบกาบรีเอล
- 8.6 จงเตรียมเฟนิลแอละนีนจากโทลูอินและให้เลือกใช้สารประกอบแอลิฟาติกและสารอนินทรีย์ได้ตามต้องการ แต่ใช้วิธีเตรียมต่อไปนี้
- |                               |                                 |
|-------------------------------|---------------------------------|
| (1) ปฏิกิริยา HVZ             | (2) วิธีสังเคราะห์แบบสเตรกเกอร์ |
| (3) วิธีสังเคราะห์แบบกาบรีเอล |                                 |
- 8.7 จงเขียนสูตรโครงสร้างของอินเทอร์มีเดียตจากปฏิกิริยาการเตรียมโพรลีน (proline)
- $$\text{potassium phthalimide} + \text{bromomalonic ester} \longrightarrow \text{A}$$
- $$\text{A} + \text{Br}(\text{CH}_2)_3\text{Br} \xrightarrow{\text{NaOC}_2\text{H}_5} \text{B}(\text{C}_{18}\text{H}_{20}\text{O}_6\text{NBr})$$
- $$\text{B} + \text{potassium acetate} \longrightarrow \text{C}(\text{C}_{20}\text{H}_{23}\text{O}_8\text{N})$$
- $$\text{C} \xrightarrow[2) \text{H}^+, \text{ ความร้อน}]{1) \text{NaOH}, \text{ ความร้อน}} \text{D}(\text{C}_5\text{H}_{11}\text{O}_3\text{N})$$
- $$\text{D} + \text{HCl} \longrightarrow \text{E} (\text{C}_5\text{H}_{10}\text{H}_2\text{NCl}) \longrightarrow \text{โพรลีน}$$

- 8.8 ปฏิกริยาระหว่างไกลซีนกับรีเอเจนต์ต่อไปนี้ จะให้ผลผลิตอะไร
- (1) สารละลาย NaOH ในน้ำ (2) สารละลาย HCl ในน้ำ  
 (3) benzoyl chloride + NaOH ในน้ำ (4) acetic anhydride  
 (5) NaNO<sub>2</sub> + HCl (6) C<sub>2</sub>H<sub>5</sub>OH + H<sub>2</sub>SO<sub>4</sub>
- 8.9 จงเขียนสเตอริโอไอโซเมอร์ทั้งหมดของทรีอะนีน (threonine) ทรีอะนีนซึ่งเป็นกรดแอลฟา-อะมิโนธรรมชาติมีชื่อเรียกเกี่ยวข้องกับชื่อของน้ำตาลเทโทสรธรรมชาติที่ชื่อว่า threose จากประวัติความเป็นมาของชื่อทรีอะนีนท่านคิดว่าทรีอะนีนธรรมชาติควรมีสสูตรโครงสร้างเป็นอย่างไร
- 8.10 ที่อุณหภูมิห้อง N,N-dimethylformamide ให้สัญญาณในเอ็นเอ็มอาร์สเปกตรัมดังนี้
- a singlet,  $\delta$  2.88, 3H  
 b singlet,  $\delta$  2.97, 3H  
 c singlet,  $\delta$  8.02, 1H
- เมื่อเพิ่มอุณหภูมิให้สูงขึ้น สัญญาณ a และ b จะกว้างขึ้นและรวมเข้าด้วยกัน จนในที่สุดที่อุณหภูมิ 170° สัญญาณทั้งสองรวมเป็นสัญญาณเดียวกันที่มีลักษณะเป็นยอดเดี่ยวแหลม จงอธิบายปรากฏการณ์ที่เกิดขึ้น
- 8.11 จงเขียนโครงสร้างของไตรเปปไทด์ : leu-lys-met
- 8.12 จงเขียนโครงสร้างที่เป็นไปได้ทั้งหมดของไตรเปปไทด์ซึ่งประกอบด้วย ala, gly และ phe โดยให้ชื่อย่อของกรดแอลฟาอะมิโนแทนสูตรโครงสร้าง
- 8.13 จากการวิเคราะห์ปริมาณของผลผลิตจากปฏิกิริยาการแยกสลายด้วยน้ำของ *salmine* ซึ่งเป็นพอลิเปปไทด์ชนิดหนึ่ง พบว่ามีปริมาณของกรดแอลฟาอะมิโนต่าง ๆ ดังต่อไปนี้

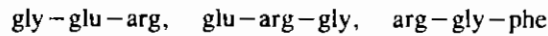
กรดแอลฟาอะมิโน	กรัม/100 กรัม <i>salmine</i>
Isoleucine	1.28
Alanine	0.89
Valine	3.68
Glycine	3.01
Serine	7.29
Proline	6.90
Arginine	86.40

(1) อยากทราบว่ากรดแอลฟาอะมีโนต่าง ๆ เหล่านี้มีอัตราส่วนเป็นเท่าไรใน salmine หรือ มีสูตรเอมพิริคัลเป็นอย่างไร

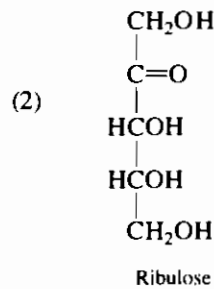
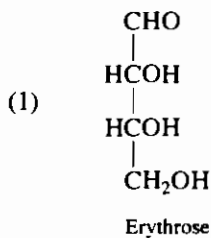
(2) ทำไมน้ำหนักทั้งหมดรวมกันจึงเกินหนึ่งร้อยกรัม

8.14 น้ำหนักโมเลกุลของ salmine ในข้อ 8.13 มีค่าประมาณ 10,000 อยากทราบว่า salmine มีจำนวนกรดแอลฟาอะมีโนอย่างละเท่าใด หรือมีสูตรโมเลกุลเป็นอย่างไรนั่นเอง

8.15 จงหาโครงสร้างของเพนทอะเพปไทด์ซึ่งเมื่อแยกสลายบางส่วนด้วยน้ำให้ไตรเพปไทด์สามเส้นดังต่อไปนี้



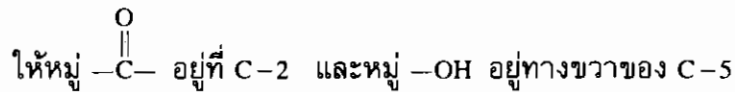
8.16 มอโนแซ็กคาไรด์ต่อไปนี้เป็นมอโนแซ็กคาไรด์ชนิดใด



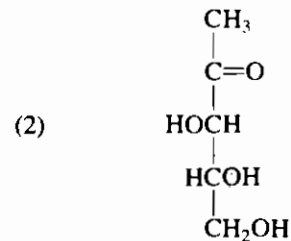
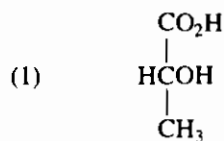
8.17 (1) D-fructose มีกี่ไครัลคาร์บอน

(2) 2-ketohexose มีกี่สเตอริโอไอโซเมอร์

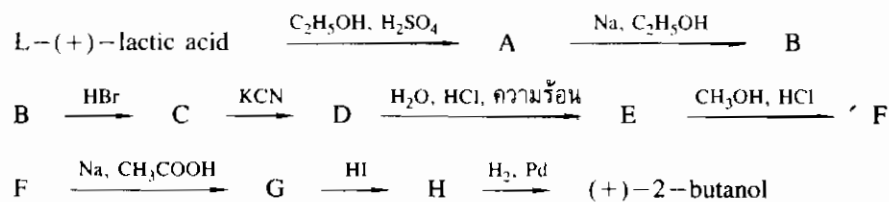
(3) จงเขียนภาพฉายแบบฟิชเชอร์แสดงสเตอริโอไอโซเมอร์ทั้งหมดของ D-fructose โดย



8.18 แต่ละไครัลคาร์บอนของสารประกอบต่อไปนี้ มีโครงแบบ R หรือ S และมีโครงแบบ D หรือ L



8.19 การเปลี่ยน L-(+)-lactic เป็น (+)-2-butanol มีขั้นตอนดังนี้



อยากทราบว่า (+)-2-butanol มีโครงสร้างสมบูรณ์เป็นอะไร

8.20 จงเขียนกลไกปฏิกิริยาแสดงมีวทนะไรเทชันของ D-(+)-glucose ในสารละลายที่เป็นกรด

8.21 จงเขียนสูตรโครงสร้างของผลผลิตที่เกิดจากปฏิกิริยาระหว่าง D-(+)-galactose กับรีเอเจนต์ต่อไปนี้

- (1) hydroxylamine
- (2) phenylhydrazine
- (3)  $\text{CH}_3\text{OH, HCl}$
- (4)  $\text{H}_2, \text{Ni}$

8.22 เมื่อ (-)-fructose ซึ่งเป็นคีโทเฮกโซสทำปฏิกิริยากับเฟนิลไฮดราซีน จะได้ผลผลิตคือไอโซไซนซึ่งเหมือนกับไอโซไซนที่เตรียมได้จาก (+)-glucose หรือจาก (+)-mannose  
 อยากทราบว่าโครงแบบของ (-)-fructose เกี่ยวข้องกับโครงแบบของ (+)-glucose และ (+)-mannose อย่างไร

8.23 จงเขียนสูตรโครงสร้างของ  $\alpha$ -maltose และ  $\beta$ -maltose

8.24 จงเขียนสูตรโครงสร้างของผลผลิตจากปฏิกิริยาต่อไปนี้

- (1)  $\alpha$ -maltose  $\xrightarrow{\text{H}_2\text{O, H}^+}$
- (2)  $\alpha$ -cellobiose  $\xrightarrow{\text{H}_2\text{O, H}^+}$
- (3)  $\beta$ -cellobiose  $\xrightarrow{\text{H}_2\text{O, H}^+}$
- (4)  $\alpha$ -cellobiose  $\xrightarrow{\text{Tollens' reagent}}$

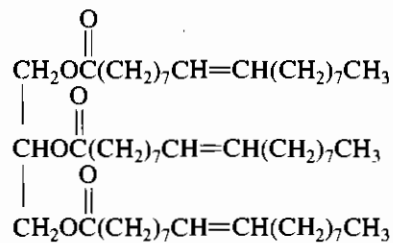
8.25 จงเปรียบเทียบเสถียรภาพระหว่าง  $\beta$ -maltose กับ  $\beta$ -cellobiose ว่าตัวไหนจะเสถียรกว่ากัน เพราะเหตุใด

8.26 จงเขียนสูตรโครงสร้างทั้งหมดหรือเพียงส่วนหนึ่งของผลผลิตซึ่งเกิดจากปฏิกิริยาระหว่างเซลลูโลสกับรีเอเจนต์ต่อไปนี้

- (1) สารละลายร้อนของ  $\text{H}_2\text{SO}_4$  ในน้ำ, ตามด้วยน้ำ
- (2) น้ำร้อน

(3) สารละลายร้อนของ NaOH ในน้ำ

- 8.27 ลิพิดคืออะไร ลิพิดในร่างกายของคนเรามีหน้าที่อะไรบ้าง
- 8.28 กรดไขมันคืออะไร จงยกตัวอย่างไตรกลีเซอไรด์มาหนึ่งชนิด (เขียนสูตรและชื่อ)
- 8.29 ไตรกลีเซอไรด์อิ่มตัวและไม่อิ่มตัวมีสมบัติทางกายภาพอะไรที่แตกต่างกัน
- 8.30 ถ้าพันธะคู่แบบซิสของไตรกลีเซอไรด์ไม่อิ่มตัวชนิดหนึ่งเปลี่ยนไปเป็นพันธะคู่แบบทรานส์ ทำให้สารประกอบใหม่นี้มีจุดหลอมเหลวสูงขึ้นกว่าเดิมและใกล้เคียงกับจุดหลอมเหลวของไตรกลีเซอไรด์เดิมที่ถูกรีดิวซ์เป็นไตรกลีเซอไรด์อิ่มตัว ทำไมจุดหลอมเหลวของไตรกลีเซอไรด์ที่มีพันธะคู่แบบทรานส์ จึงใกล้เคียงกับจุดหลอมเหลวของไตรกลีเซอไรด์ชนิดเดียวกันที่อิ่มตัว
- 8.31 จงเขียนสมการแสดงปฏิกิริยาสะพอนิฟิเคชันของ tristearin
- 8.32 สบู่คืออะไร โมเลกุลของสบู่รวมตัวกันเป็นไมเซลล์ได้อย่างไร
- 8.33 จงเขียนสูตรโครงสร้างของ triolein ถ้า triolein ทำปฏิกิริยาการเติมไฮโดรเจนที่ความดัน 25 ปอนด์/ตารางนิ้ว อุณหภูมิ 200° จะให้ผลผลิตอะไร
- 8.34 จงเขียนสมการแสดงขั้นตอนต่าง ๆ ในการเตรียมจากสารซักฟอกที่มีสูตรทั่วไปเป็นโซเดียมแอลคิลซัลเฟตจาก triolein ซึ่งมีสูตรโครงสร้างดังนี้



☆☆☆☆☆☆☆☆☆☆

