

## บทที่ 5

### ออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชัน

**วัตถุประสงค์** เมื่อนักศึกษาเรียนจบบทนี้แล้ว ควรจะมีความสามารถในการ

1. เขียนคำจำกัดความคำว่าออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชัน พร้อมบอกแหล่งที่เกิดกระบวนการนี้

2. จำแนกประเภทเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ในลูกโซ่การหายใจ และบอกได้ว่าเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์แต่ละประเภทประกอบด้วยตัวพาอิเล็กตรอนใดบ้าง

3. อธิบายศักย์ไฟฟ้ารีดักชันมาตรฐานและพลังงานอิสระ

4. บอกเหตุผลที่การส่งผ่านอิเล็กตรอนเกิดควบคู่กับออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันเสมอ

5. อธิบาย coupling factor I หรือเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ ATPase

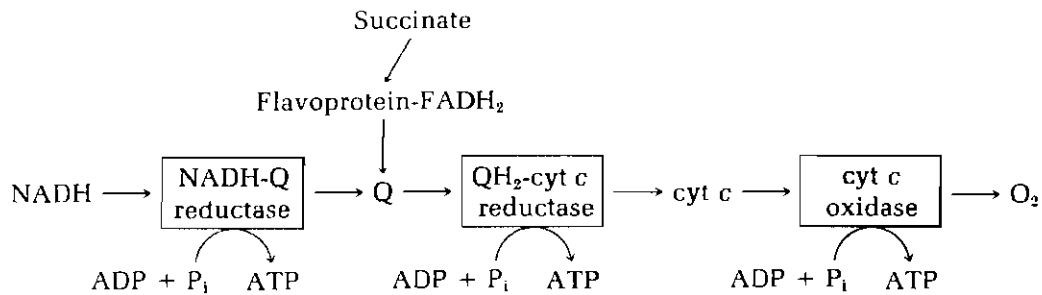
6. บอกแฟคเตอร์ที่มีผลควบคุมอัตราเร็วปฏิกิริยาออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชัน

7. เขียนกลีเซอรอลฟอสเฟตซัดเดิล

8. แสดงการคิดพลังงานที่ได้จากการออกซิไดซ์กลูโคสโดยสมบูรณ์

## บทนำ

NADH และ  $FADH_2$  ที่ได้จากวิถีไกลโคไลซิส วัฏจักรเคร็บส์และกระบวนการเบตาออกซิเดชันของกรดไขมันนั้น เป็นโมเลกุลที่มีพลังงานสูงเนื่องจากมีอิเล็กตรอนคู่หนึ่งซึ่งพร้อมที่จะส่งผ่านไปให้โมเลกุลอื่น ถ้าอิเล็กตรอนเหล่านั้นถูกส่งไปให้โมเลกุลออกซิเจน จะได้พลังงานออกมามากมายและเก็บรักษาไว้ที่พันธะฟอสโฟแอนไฮดริลของ ATP ออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชัน (oxidative phosphorylation) เป็นกระบวนการสร้าง ATP จาก ADP และ  $P_i$  โดยอาศัยพลังงานการส่งผ่านอิเล็กตรอนจาก NADH หรือ  $FADH_2$  ไปตามอนุกรมตัวพาอิเล็กตรอนเพื่อไปยังโมเลกุลออกซิเจน เกิดขึ้นที่เยื่อชั้นในของไมโทคอนเดรีย



รูปที่ 5-1 ลูกโซ่การส่งผ่านอิเล็กตรอนและตำแหน่งที่มีการสร้าง ATP

ลูกโซ่การส่งผ่านอิเล็กตรอน (electron transport chain) อาจเรียกว่า ลูกโซ่การหายใจ (respiratory chain) เป็นการออกซิไดซ์ NADH หรือ  $FADH_2$  เกิดขึ้นควบคู่กันเสมอกับการฟอสฟอริเลชันหรือการสร้าง ATP (รูปที่ 5-1) การออกซิไดซ์หนึ่งโมลของ NADH จะให้พลังงาน 3 ATP การออกซิไดซ์หนึ่งโมลของ  $FADH_2$  จะให้พลังงานเพียง 2 ATP  $FADH_2$  ส่งผ่านอิเล็กตรอนเข้าทางโคเอ็นไซม์ Q จึงผ่านตำแหน่งที่มีการสร้าง ATP เพียงสองแห่งเท่านั้น NADH ส่งผ่านอิเล็กตรอนเข้าทาง NADH-Q reductase ซึ่งอยู่ตอนต้น จึงผ่านตำแหน่งที่มีการสร้าง ATP ทั้งสามแห่ง กระบวนการนี้เป็นแหล่งให้ ATP ที่สำคัญมากสำหรับพวกที่ใช้ออกซิเจน (aerobes) ตัวอย่างเช่น การออกซิไดซ์กลูโคสไปเป็น  $CO_2$  และ  $H_2O$  กระบวนการออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันจะให้พลังงานถึง 90% ของพลังงานที่ได้ทั้งหมด 36-38 ATP

### 5.1 ออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันเกิดขึ้นในไมโทคอนเดรีย

ไมโทคอนเดรียเป็นออร์แกเนลล์ (organelle) รูปไข่ มีอยู่ในยูคาริโอทเซลล์ทุกเซลล์ที่

ใช้ออกซิเจน โครงสร้างประกอบด้วยเยื่อสองชั้น (รูปที่ 5-2) เยื่อชั้นนอก (outer membrane) ซึ่งยอมให้อิออนและโมเลกุลเล็ก ๆ ผ่าน และเยื่อชั้นใน (inner membrane) ที่สารต่าง ๆ ผ่านไปได้ยาก เยื่อชั้นในจะคดงอและโค้งไปมาเพื่อเพิ่มพื้นที่ผิวเรียกว่าคริสตี (cristae) มีช่องว่างระหว่างเยื่อทั้งสองชั้น (intermembrane space) เยื่อชั้นในจะห่อหุ้มส่วนที่เรียกว่ามาทริกซ์ (matrix) เอาไว้

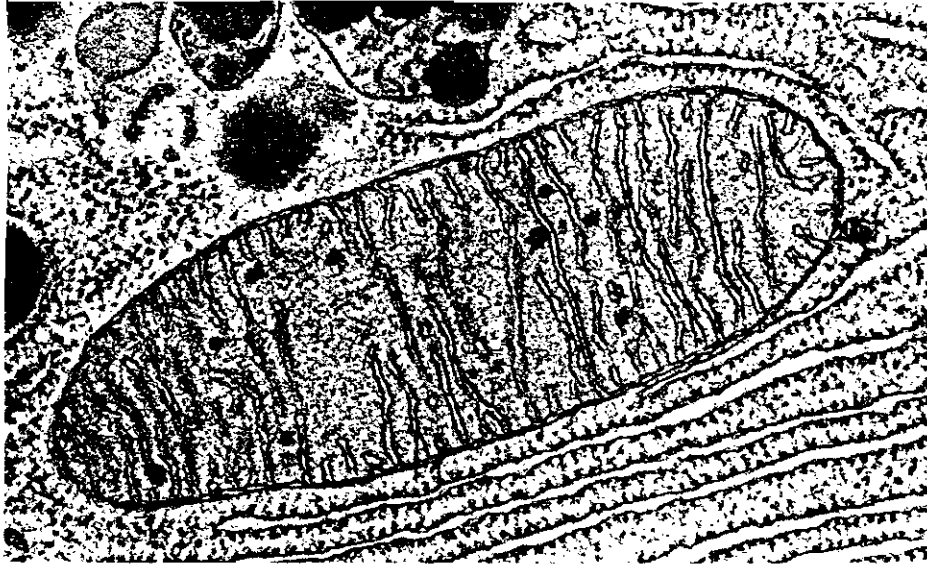
โปรตีนในลูกโซ่การหายใจและโปรตีนที่ใช้ในการฟอสฟอริเลชันต่างก็ยึดติดอยู่กับเยื่อชั้นในของไมโทคอนเดรีย การหายใจจึงเป็นแอคทิวิตีของเซลล์ที่เกี่ยวข้องกับเยื่อชั้นใน อัตราเร็วการหายใจจะขึ้นอยู่กับพื้นที่ผิวหรือจำนวนคริสตีด้วย ตัวอย่างเช่น เซลล์กล้ามเนื้อหัวใจ ซึ่งมีอัตราเร็วการหายใจสูงจะมีจำนวนคริสตีมากและอัดกันแน่น ส่วนเซลล์ตับมีอัตราเร็วการหายใจต่ำกว่ามากจะมีจำนวนคริสตีน้อย ภายในมาทริกซ์มีเอ็นไซม์ที่สำคัญคือเอ็นไซม์ในวัฏจักรเครบส์ (ยกเว้นเอ็นไซม์ succinate dehydrogenase ซึ่งยึดติดอยู่กับเยื่อชั้นใน) และเอ็นไซม์ในกระบวนการเบตาออกซิเดชันของกรดไขมัน ตรงช่องว่างระหว่างเยื่อทั้งสองมีเอ็นไซม์อยู่น้อยมากเป็นบริเวณที่ไม่ค่อยมีแอคทิวิตีเท่าใดนัก

## 5.2 ตัวพาอิเล็กตรอนและเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ในลูกโซ่การหายใจ

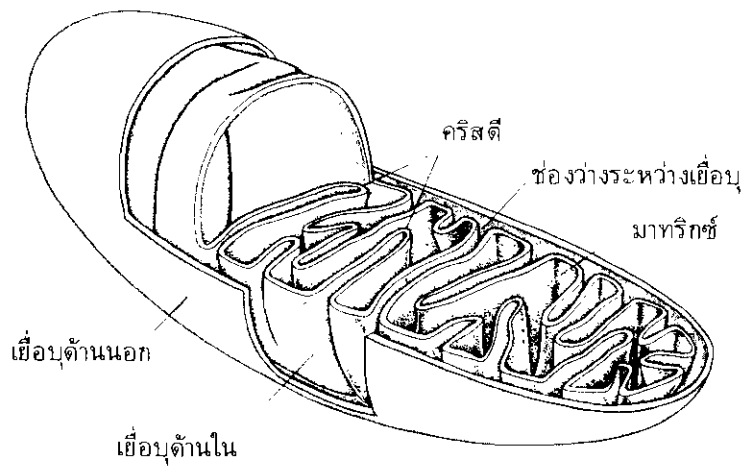
ตัวพาอิเล็กตรอนที่สำคัญได้แก่  $\text{NAD}^+$ , ฟลาวินโคเอ็นไซม์ทั้งหลาย, โคเอ็นไซม์ Q, FeS โปรตีน (iron-sulphur protein หรือ nonheme iron protein), ไซโตโครม (cytochromes), และ Cu(II) สำหรับตัวพาอิเล็กตรอนสามตัวหลังสามารถรับได้ที่ละหนึ่งอิเล็กตรอน ในขณะที่ตัวพาอิเล็กตรอนตัวอื่น ๆ รับได้ที่ละสองอิเล็กตรอนในการออกซิไดซ์แต่ละครั้ง ตัวพาอิเล็กตรอนต่าง ๆ เหล่านี้จะเป็นส่วนหนึ่งของเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ในลูกโซ่การหายใจ

เอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ในลูกโซ่การหายใจแบ่งออกเป็น 4 ชนิด (รูปที่ 5-3) คือ NADH-Q reductase (คอมเพล็กซ์ I), succinate-Q reductase (คอมเพล็กซ์ II),  $\text{QH}_2$ -cytochrome C reductase (คอมเพล็กซ์ III) และ cytochrome C oxidase (คอมเพล็กซ์ IV)

ก)



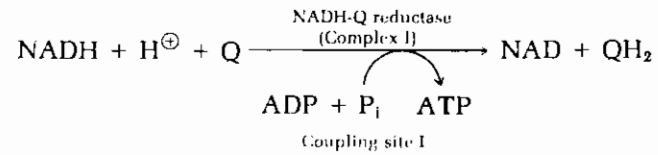
ข)



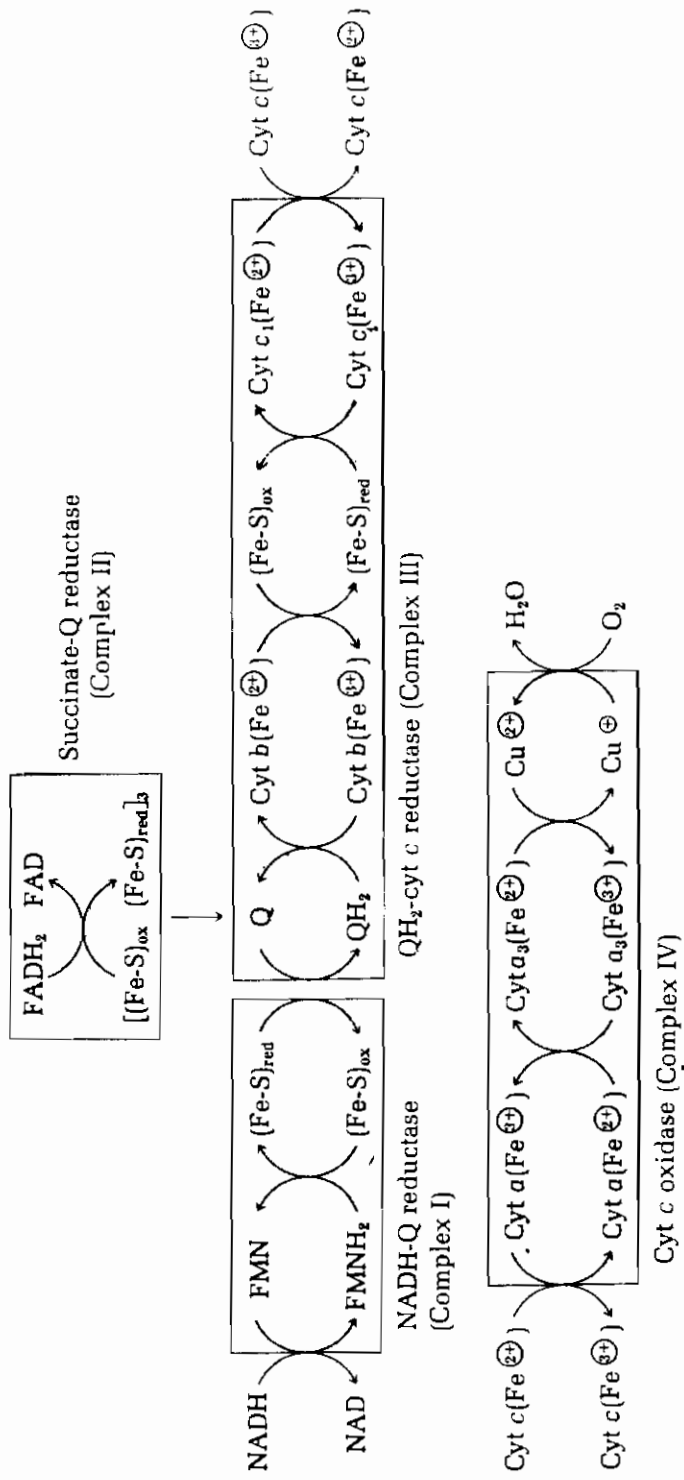
รูปที่ 5-2 ก) ภาพอิเล็กตรอนไมโครกราฟของไมโทคอนเดรียจากอะซินาเซลล์(acinar cell) ของตับอ่อน  
ข) แผนภาพของไมโทคอนเดรีย

1. NADH-Q reductase (คอมเพล็กซ์ I) ตำแหน่งที่มีการสร้าง ATP แห่งที่หนึ่ง

NADH-Q reductase จะทำการโยกย้ายอิเล็กตรอนจาก NADH ไปให้โคเอ็นไซม์ Q พร้อมกับมีการสร้าง ATP จาก ADP และ  $P_i$

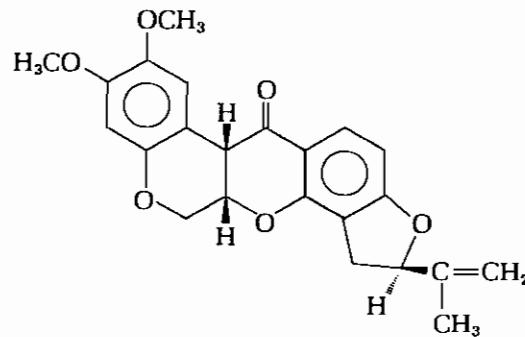


NADH-Q reductase ประกอบด้วย FMN (flavine mononucleotide) FeS โปรตีน โคเอ็นไซม์ Q และลิปิด ขั้นตอนแรก NADH ไปรีดิวซ์ FMN เป็น FMNH<sub>2</sub> จากนั้น FMNH<sub>2</sub> จึงไปรีดิวซ์ FeS โปรตีนอีกต่อหนึ่ง

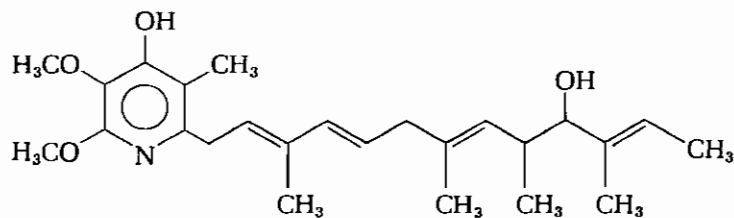


รูปที่ 5-3 เอนไซม์คอมเพล็กซ์ในลูกโซ่การหายใจ

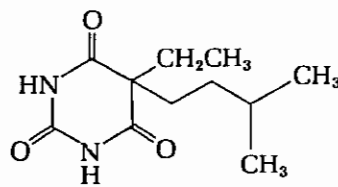
คอมเพล็กซ์ I ถูกยับยั้งโดยสารโรติโนน (rotenone) อะมัยทาล (amytal) และเพียร์ซิดิน A (piericidin A) ทำให้การส่งผ่านอิเล็กตรอนจาก NADH ไปยังโคเอ็นไซม์ Q เกิดขึ้นไม่ได้



Rotenone



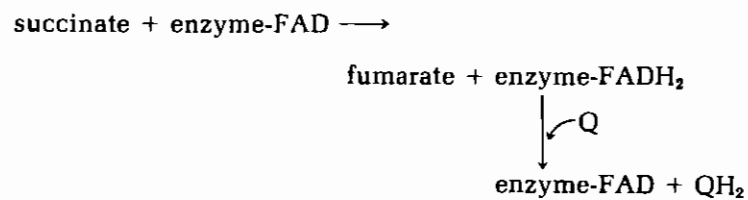
Piericidin A



Amytal

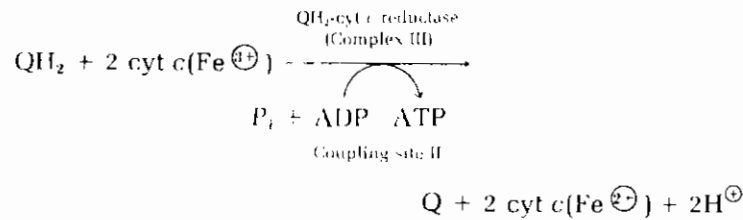
## 2. Succinate-Q reductase (คอมเพล็กซ์ II)

คอมเพล็กซ์ II ทำการโยกย้ายอิเล็กตรอนจากซัคซิเนตไปยัง FAD (flavine adenine dinucleotide) และจาก FAD ไปยังโคเอ็นไซม์ Q การส่งผ่านอิเล็กตรอนขั้นตอนนี้ให้พลังงานออกมาไม่พอเพียงพอที่จะสร้าง ATP



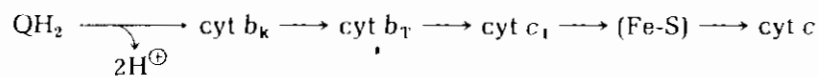
คอมเพล็กซ์ II ประกอบด้วยเอนไซม์ succinate dehydrogenase ไซโตโครม b และ FeS โปรตีน

3.  $\text{QH}_2$ -Cytochrome c reductase (คอมเพล็กซ์ III) ตำแหน่งที่มีการสร้าง ATP แห่งที่สอง



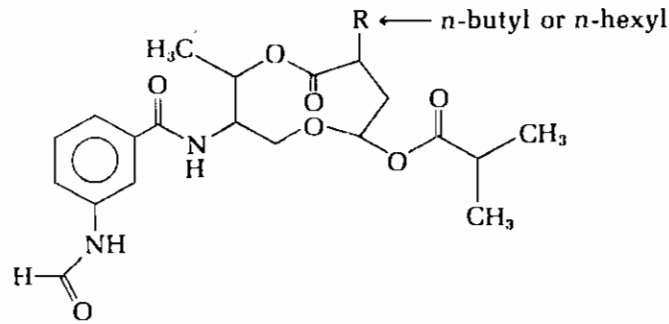
คอมเพล็กซ์ III จะเร่งปฏิกิริยาการโยกย้ายอิเล็กตรอนจากโคเอนไซม์ Q ไปยังไซโตโครม c ให้พลังงานออกมามากพอที่จะสร้าง ATP จาก ADP และ  $\text{P}_i$

$\text{QH}_2$ -Cytochrome c reductase เป็นเอนไซม์คอมเพล็กซ์ที่ประกอบด้วยไซโตโครม b ไซโตโครม c, FeS โปรตีน โคเอนไซม์ Q และลิปิด สำหรับไซโตโครม c มีได้จัดอยู่ในคอมเพล็กซ์ III เพียงแต่รับอิเล็กตรอนแล้วส่งต่อไปให้คอมเพล็กซ์ IV การส่งผ่านอิเล็กตรอนของคอมเพล็กซ์ III เป็นไปตามขั้นตอนข้างล่าง  $\text{cyt } b_k$  คือ  $\text{cyt } b_{560}$   $\text{cyt } b_l$  คือ  $\text{cyt } b_{562}$



แอนติบัยซิน A (Antimycin A) ยาปฏิชีวนะจากเชื้อ *Streptomyces* สามารถยับยั้งการส่งผ่านอิเล็กตรอนจากโคเอนไซม์ Q ไปยังไซโตโครม c

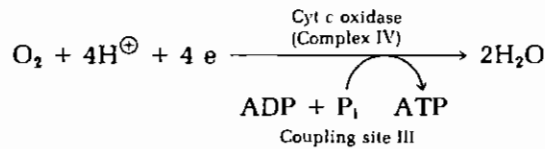




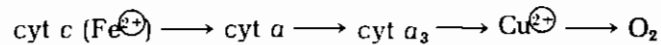
Antimycin A

#### 4. Cytochrome c oxidase (คอมเพล็กซ์ IV) ตำแหน่งที่มีการสร้าง ATP แห่งที่สาม

Cytochrome c oxidase คอมเพล็กซ์สุดท้ายในลูกโซ่การหายใจเร่งปฏิกิริยาการรีดิวซ์โมเลกุลออกซิเจนเป็นน้ำ เกิดควบคู่กันไปกับการสร้าง ATP



Cytochrome c oxidase เป็นโปรตีนที่สำคัญของเยื่อชั้นในของไมโทคอนเดรีย ประกอบด้วยไซโตโครม a ไซโตโครม a<sub>3</sub> และ cu(II) การส่งผ่านอิเล็กตรอนของคอมเพล็กซ์ IV เป็นไปตามขั้นตอนเช่นกัน



คอมเพล็กซ์ IV ถูกยับยั้งได้โดยสารไซยาไนด์ (cyanide) เอซายด์ (azide) และคาร์บอนมอนอกไซด์ (carbon monoxide)

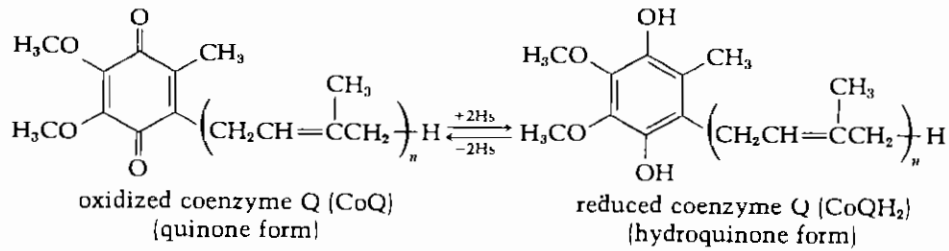
การส่งผ่านอิเล็กตรอนจาก NADH ไปตามลูกโซ่การหายใจ จะต้องผ่านคอมเพล็กซ์ I คอมเพล็กซ์ III และคอมเพล็กซ์ IV ตามลำดับ ได้พลังงาน 3 ATP ต่อออกซิเจนอะตอมที่ถูกรีดิวซ์ หรืออัตราส่วน P/O มีค่าเท่ากับ 3 นั่นเอง ถ้าการส่งผ่านอิเล็กตรอนเริ่มจาก FADH<sub>2</sub>

จะต้องผ่านคอมเพล็กซ์ II คอมเพล็กซ์ III และคอมเพล็กซ์ IV ได้พลังงานแค่ 2 ATP ต่อออกซิเจนอะตอมที่ถูกรีดิวซ์ หรืออัตราส่วน P/O มีค่าเท่ากับ 2 ทั้งนี้เพราะขั้นตอนของคอมเพล็กซ์ II ไม่สามารถสร้าง ATP ได้

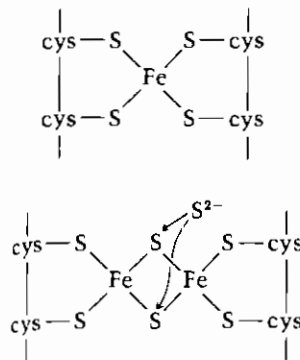
ตารางที่ 5-1 ส่วนประกอบของเอนไซม์คอมเพล็กซ์ทั้งสี่ในลูกโซ่การหายใจ พร้อมตำแหน่งการรวมตัวกับชั้นเมมเบรนที่เยื่อชั้นในของไมโทคอนเดรีย

เอนไซม์คอมเพล็กซ์	นน.โมเลกุล (กิโลดาลตัน)	หมู่โปรสเทติก	ตำแหน่งการรวมตัว	
			ด้านมาทริกซ์ ตรงกลาง	ด้านไซโตพลาสซึม
NADH-Q reductase (คอมเพล็กซ์ I)	850	FMN FeS	NADH	Q
Succinate-Q reductase (คอมเพล็กซ์ II)	97	FAD FeS	succinate	Q
QH <sub>2</sub> -Cytochrome c reductase (คอมเพล็กซ์ III)	280	heme b heme c <sub>1</sub> FeS		Q cyt c
Cytochrome c oxidase (คอมเพล็กซ์ IV)	200	heme a heme a <sub>1</sub> Cu	O <sub>2</sub>	cyt c

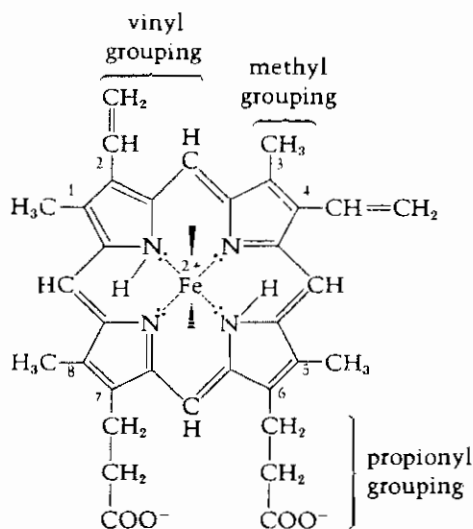
โคเอนไซม์ Q เป็นตัวพาอิเล็กตรอนที่มีโซ่ข้างเป็นไอโซพรีน (isoprene) เดิมเรียกกันว่า ubiquinone เพราะเป็นควิโนน (quinone) ที่พบได้ทั่วไป (ubiquitous) ทั้งในพืช สัตว์ และจุลินทรีย์ โคเอนไซม์ Q มีจำนวนไอโซพรีนต่างกันออกไป โคเอนไซม์ Q ของจุลินทรีย์บางชนิดมีจำนวนไอโซพรีน 6 หน่วย เขียนแบบย่อได้เป็น CoQ<sub>6</sub> โคเอนไซม์ Q ในไมโทคอนเดรียของสัตว์เลี้ยงลูกด้วยนม มีจำนวนไอโซพรีน 10 หน่วย เขียนย่อเป็น CoQ<sub>10</sub> ดังนั้นจึงเขียนรวมเป็น CoQ<sub>n</sub> เมื่อ n เป็นจำนวนของหน่วยไอโซพรีน



FeS โปรตีน เป็นตัวพาอิเล็กตรอนที่เป็นโปรตีน มีเหล็กและกำมะถันในอัตราส่วน 1:1 กำมะถันจะกลายเป็นก๊าซไฮโดรเจนซัลไฟด์ (H<sub>2</sub>S) ได้ ถ้าปรับสภาพสารละลายโปรตีนให้เป็นกรด (pH 1) เรียกอีกชื่อหนึ่งว่า nonheme iron protein FeS โปรตีนตัวแรกที่ค้นพบคือเฟอริดอกซิน (ferredoxin) FeS โปรตีนมีอยู่ทั้งในพืช สัตว์ และจุลินทรีย์เช่นกัน อะตอมของเหล็กจะมีการเปลี่ยนไปมาระหว่าง Fe(II)-Fe(III) FeS โปรตีนมีความสำคัญมากในกระบวนการส่งผ่านอิเล็กตรอน ถึงแม้ว่ายังไม่ทราบหน้าที่ ตำแหน่งที่อยู่ รายละเอียดปฏิบัติการออกซิเดชัน-รีดักชันที่แน่นอนก็ตาม โครงสร้างข้างล่างเป็นการจัดตัวสองแบบในหลาย ๆ แบบของ FeS โปรตีน



ไซโตโครม (cytochrome) เป็นโปรตีนที่มีคุณสมบัติในการพาอิเล็กตรอน พบได้ที่เยื่อหุ้มด้านในของไมโทคอนเดรียของเซลล์ที่ใช้ออกซิเจนทุกชนิด อาจพบที่เอ็นโดพลาสมิกเรติคูลัม (endoplasmic reticulum) ด้วย ไซโตโครมทุกตัวเป็นฮีโมโปรตีน มีฮีโมเป็นหมู่พรอสเทติก ไซโตโครมมีวิวัฒนาการสัมพันธ์กับไมโอกลอบินและโมโนเมอร์ของฮีโมกลอบิน จะต่างกันก็ตรงที่ไซโตโครมมิได้ทำหน้าที่พาออกซิเจนเหมือนไมโอกลอบินและฮีโมกลอบิน อะตอมของเหล็กในหมู่ฮีโมของไซโตโครมจะทำหน้าที่รับส่งอิเล็กตรอน ในปฏิบัติการออกซิเดชัน-รีดักชัน กลับไปมา



รูปที่ 5-4 อิมของไซโตโครม b เป็นชนิดเดียวกันกับอิมของไมโอกลอบิน ฮีโมกลอบิน และเอ็นไซม์ catalase

ตารางที่ 5-2 การเปรียบเทียบโซ่ข้างของอิมในไซโตโครม a ไซโตโครม c กับอิมในไซโตโครม b (รูปที่ 5-4)

ตำแหน่ง	ไซโตโครม a	ไซโตโครม c
1	เหมือนกัน	เหมือนกัน
2	$-\text{CHCH}_2\text{CH}(\text{CH}_2)_3\text{CH}(\text{CH}_2)_3\text{CH}(\text{CH}_3)_2$ <div style="display: flex; justify-content: space-around; width: 100%; margin-top: -10px;"> <div style="text-align: center;"><math>\text{OH}</math></div> <div style="text-align: center;"><math>\text{CH}_3</math></div> <div style="text-align: center;"><math>\text{CH}_3</math></div> </div>	$-\text{CHCH}_3$   S - โปรตีน
3	เหมือนกัน	เหมือนกัน
4	เหมือนกัน	$-\text{CHCH}_3$   S - โปรตีน
5	H (ไฮโดรเจน)	เหมือนกัน
6	เหมือนกัน	เหมือนกัน
7	เหมือนกัน	เหมือนกัน
8	$-\text{C}=\text{O}$ (หมู่ฟอร์มิล)   H	เหมือนกัน

ระหว่าง Fe(II) และ Fe(III) ไซโตโครมในธรรมชาติมีประมาณ 25-30 ชนิด แต่ละชนิดมีโครงสร้างและคุณสมบัติในการดูดกลืนแสงต่างกัน จำแนกเป็นไซโตโครมหมู่ a หรือหมู่ b หรือหมู่ c ไซโตโครม a ไซโตโครม b ไซโตโครม c เหล่านี้มีไซข้างของวงเตตระไพโรล (tetrapyrrole) ในส่วนของฮีมต่างกัน (รูปที่ 5-4 และตาราง 5.2) ไซโตโครมแต่ละหมู่เองก็ยังแบ่งย่อยออกไปอีก เนื่องจากดูดกลืนแสงได้ต่างกัน เช่น ไซโตโครม b, b<sub>1</sub>, b<sub>2</sub>, b<sub>3</sub> ฯลฯ เป็นต้น โครงสร้างไซโตโครมมีการเปลี่ยนแปลงได้ที่สายไซข้างของวงเตตระไพโรลของหมู่ฮีม การแปรเปลี่ยนที่ส่วนประกอบของสายโพลีเปปไทด์ การแปรเปลี่ยนที่วิธีการจับกันระหว่างโพลีเปปไทด์กับหมู่ฮีม การแปรเปลี่ยนเหล่านี้ทำให้มีไซโตโครมหลายชนิด

โมเลกุลไซโตโครมที่ถูกรีดิวซ์แล้วจะให้ค่าการดูดกลืนแสงสูงสุดเป็นสามแถบ แถบ  $\alpha$  แถบ  $\beta$  และแถบ  $\gamma$  ไซโตโครมรูปแบบออกซิไดซ์จะไม่ให้ค่าการดูดกลืนแสงแถบต่าง ๆ เหล่านี้ ไซโตโครมแต่ละตัวให้ค่าศักย์ไฟฟ้ารีดักชันมาตรฐาน (standard reduction potential) แตกต่างกันไป

ในลูกโซ่การหายใจจะพบไซโตโครมห้าตัวคือ ไซโตโครม b, c<sub>1</sub>, c, a และ a<sub>3</sub> ไซโตโครม a และ a<sub>3</sub> รวมตัวกันอยู่ แยกออกจากกันได้ยาก ไซโตโครม a<sub>3</sub> มี Cu(II) ซึ่งจำเป็นมากต่อแอกติวิตี ไซโตโครม aa<sub>3</sub> และ Cu รวมเรียกว่า cytochrome c oxidase เป็นคอมเพล็กซ์ IV ซึ่งเป็นคอมเพล็กซ์สุดท้ายในลูกโซ่การหายใจ เป็นไซโตโครมที่จะไปรีดิวซ์โมเลกุลออกซิเจนโดยตรง การส่งผ่านอิเล็กตรอนแต่ละครั้งเกี่ยวข้องกับทั้ง  $\text{Fe(II)} \rightleftharpoons \text{Fe(III)}$  และ  $\text{Cu(I)} \rightleftharpoons \text{Cu(II)}$

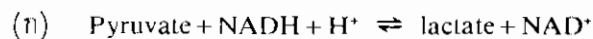
### 5.3 ศักย์ไฟฟ้ารีดักชันมาตรฐานและพลังงานอิสระที่เกิดขึ้น

ในทางเคมีไฟฟ้า (electrochemistry) สารใดก็ตามที่ให้ค่าศักย์ไฟฟ้ารีดอกซ์ (redox potential) เป็นค่าลบ หมายถึงว่าสารนั้นมีสัมพรรคภาพต่ำ (lower affinity) ต่ออิเล็กตรอน สารใดให้ค่าศักย์ไฟฟ้ารีดอกซ์เป็นค่าบวก สารนั้นมีสัมพรรคภาพสูง (higher affinity) ต่ออิเล็กตรอน ทั้งนี้เมื่อเปรียบเทียบกับตัวมาตรฐานคือไฮโดรเจน ในลูกโซ่การหายใจ NADH เป็นตัวรีดิวซ์ที่ดี ให้ค่าศักย์ไฟฟ้ารีดอกซ์เป็นลบ ขณะเดียวกันโมเลกุลออกซิเจนเป็นตัวออกซิไดซ์ที่ดี ให้ค่าศักย์ไฟฟ้ารีดอกซ์เป็นบวก

ตารางที่ 5-3 ค่าศักย์ไฟฟ้ารีดักชันมาตรฐาน (standard reduction potential,  $E'_0$ ) ของบางปฏิกิริยา ที่ pH 7.0, 25°C เมื่อ n เป็นจำนวนอิเล็กตรอนที่เคลื่อนย้าย

Oxidant	Reductant	n	$E'_0$ (V)
$\alpha$ -Ketoglutarate	Succinate + CO <sub>2</sub>	2	-0.67
Acetate	Acetaldehyde	2	-0.60
Ferredoxin (oxidized)	Ferredoxin (reduced)	1	-0.43
2 H <sup>+</sup>	H <sub>2</sub>	2	-0.42
NAD <sup>+</sup>	NADH + H <sup>+</sup>	2	-0.32
NADP <sup>+</sup>	NADPH + H <sup>+</sup>	2	-0.32
Lipoate (oxidized)	Lipoate (reduced)	2	-0.29
Glutathione (oxidized)	Glutathione (reduced)	2	-0.23
Acetaldehyde	Ethanol	2	-0.20
Pyruvate	Lactate	2	-0.19
Fumarate	Succinate	2	0.03
Cytochrome b (+3)	Cytochrome b (+2)	1	0.07
Dehydroascorbate	Ascorbate	2	0.08
Ubiquinone (oxidized)	Ubiquinone (reduced)	2	0.10
Cytochrome c (+3)	Cytochrome c (+2)	1	0.22
Fe (+3)	Fe (+2)	1	0.77
$\frac{1}{2}$ O <sub>2</sub> + 2 H <sup>+</sup>	H <sub>2</sub> O	2	0.82

ปฏิกิริยาต่าง ๆ และค่า  $E'_0$  ในตาราง 5.3 สามารถไปคำนวณหาค่าพลังงานอิสระที่เปลี่ยนไปได้ ตัวอย่างเช่น ปฏิกิริยาการรีดิวซ์ไพรูเวตด้วย NADH



ศักย์ไฟฟ้ารีดักซ์ของ NAD<sup>+</sup>:NADH เท่ากับ -0.32 โวลต์ ค่าศักย์ไฟฟ้ารีดักซ์ของไพรูเวต:แลคเตตเท่ากับ -0.19 โวลต์ จะเขียนแยกเป็นแต่ละครึ่งปฏิกิริยาตามแบบ: ตัว

ออกซิไดซ์ + อิเล็กตรอน → ตัวรีดิวซ์ ได้ตั้งนี้คือ



สมการ (ข) - (ค) ได้ปฏิกิริยา (ก) ตามต้องการ ให้ค่า  $\Delta E'_0$  เท่ากับ +0.13 โวลต์ นำไปคำนวณหาค่าพลังงานอิสระของการเกิดที่สภาวะมาตรฐาน (standard free energy change) ได้จากสูตร

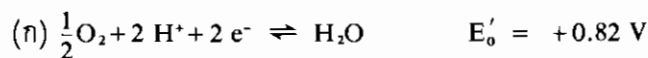
$$\Delta G^{\circ'} = -nF\Delta E'_0$$

เมื่อ n เป็นจำนวนอิเล็กตรอนที่เคลื่อนย้าย F เป็นค่า faraday เท่ากับ 23.062 กิโลแคลอรีต่อโวลต์ต่อโมล  $\Delta E'_0$  หน่วยเป็นโวลต์ ในการรีดิวซ์ไพรูเวท ค่า n = 2

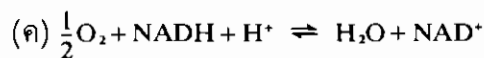
$$\begin{aligned} \Delta G^{\circ'} &= -2(23.062 \frac{\text{กิโลแคลอรี}}{\text{โวลต์ โมล}})(0.13 \text{ โวลต์}) \\ &= -5.99 \text{ กิโลแคลอรี/โมล} \\ &= -6 \text{ กิโลแคลอรี/โมล} \end{aligned}$$

ปฏิกิริยาได้ให้ค่า  $\Delta E'_0$  เป็นบวกจะเป็นปฏิกิริยาที่คายพลังงาน (exergonic reaction) ที่สภาวะมาตรฐาน

อีกตัวอย่างหนึ่งคือการคิดพลังงานที่ได้จากลูกโซ่การหายใจ พลังงานนี้ช่วยผลักดันให้เกิดกระบวนการออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันขึ้น เป็นพลังงานที่ได้จาก NADH หรือ FADH<sub>2</sub> ไปรีดิวซ์โมเลกุลออกซิเจนเป็นน้ำ จากสมการครึ่งปฏิกิริยาทั้งสองเขียนได้ว่า



สมการ (ก) - (ข) จะได้ปฏิกิริยา (ค) ให้ค่า  $\Delta E'_0 = +1.14$  โวลต์

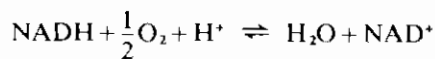


พลังงานอิสระที่ได้จากปฏิกิริยานี้คือ

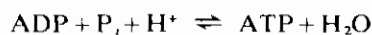
$$\begin{aligned} \Delta G^{\circ'} &= -nF\Delta E'_0 \\ &= -2(23.062 \frac{\text{กิโลแคลอรี}}{\text{โวลต์ โมล}})(1.14 \text{ โวลต์}) \\ &= -52.6 \text{ กิโลแคลอรี/โมล} \\ &= -53 \text{ กิโลแคลอรี/โมล} \end{aligned}$$

## 5.4 ออกซิเดชันและฟอสฟอริเลชันเกิดควบคู่กันได้อย่างไร

พลังงานที่ได้จากการส่งผ่านอิเล็กตรอนจาก NADH ไปยังโมเลกุลออกซิเจนมีค่าเท่ากับ -53 กิโลแคลอรี/โมล



พลังงานที่ใช้ในการสังเคราะห์ ATP เท่ากับ 7.3 กิโลแคลอรี/โมล โดยเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ ATPase ที่เยื่อหุ้มด้านในของไมโทคอนเดรีย ที่เรียกชื่อเอ็นไซม์เช่นนี้เพราะตอนแรกที่มีการค้นพบ เอ็นไซม์นี้ทำหน้าที่ไฮโดรไลซ์ ATP



การออกซิไดซ์ NADH เกิดควบคู่กับการฟอสฟอริเลชันของ  $\text{ADP} + \text{P}_i$  ไปเป็น ATP ได้อย่างไรนั้น มีการอธิบายโดยใช้สมมติฐานต่าง ๆ คือ

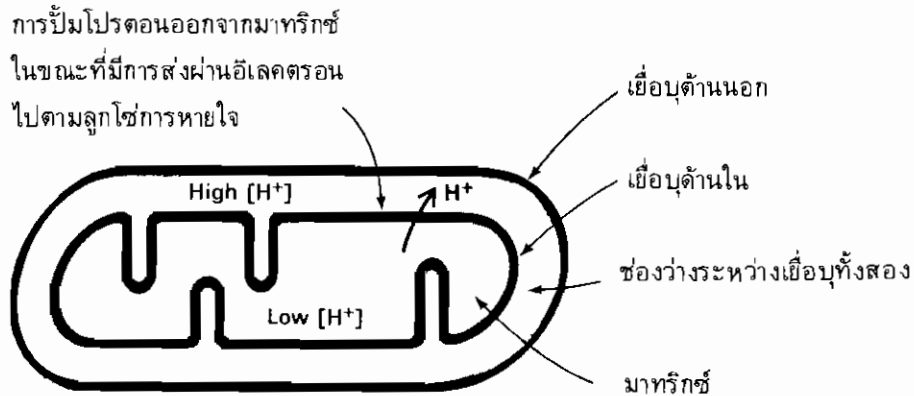
1. **สมมติฐาน chemical-coupling** กล่าวว่าในการเคลื่อนย้าย อิเล็กตรอนจากตัวพาอิเล็กตรอนหนึ่งไปยังตัวพาอิเล็กตรอนถัดไปนั้น จะให้อินเตอร์มีเดียทที่มีพลังงานสูง (พลังงานอิสระการไฮโดรไลซ์เป็นค่าลบมาก ๆ) อินเตอร์มีเดียทนี้จะเป็นตัวให้พลังงานแก่ปฏิกิริยา  $\text{ADP} + \text{P}_i \rightleftharpoons \text{ATP}$  จากการวิจัยกว่ายี่สิบปีที่ผ่านมายังไม่ปรากฏว่ามีการค้นพบอินเตอร์มีเดียทพลังงานสูงนี้แต่อย่างใด

2. **สมมติฐาน conformation-coupling** กล่าวว่าในการส่งผ่านอิเล็กตรอนไปตามลูกโซ่การหายใจจะให้พลังงานออกมา พลังงานนี้ไปมีผลต่อพันธะอย่างอ่อน เช่น พันธะไฮโดรเจน แรงไฮโดรโฟบิก ฯลฯ ยังผลให้คอนฟอร์เมชันของโปรตีนที่เป็นตัวพาอิเล็กตรอน หรือของเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ ATPase เปลี่ยนแปลงไป พลังงานที่แฝงอยู่ในโมเลกุลเหล่านี้จะถูกใช้ในการสร้าง ATP จาก  $\text{ADP} + \text{P}_i$  พร้อมทั้งมีการใช้พลังงาน คอนฟอร์เมชันของโปรตีนต่าง ๆ จะกลับสู่สภาพที่มีพลังงานต่ำอย่างเดิม สมมติฐานนี้เน้นไปที่พันธะนอน-โควาเลนต์ซึ่งเป็นพันธะอย่างอ่อนจำนวนมาก เป็นตัวส่งผ่านพลังงานให้แก่การสังเคราะห์ ATP ในขณะที่สมมติฐาน chemical-coupling เน้นไปที่พันธะโควาเลนต์พันธะเดียวในอินเตอร์มีเดียทพลังงานสูง เป็นตัวถ่ายทอดพลังงานให้แก่การสังเคราะห์ ATP

3. **สมมติฐาน chemiosmotic-coupling** P.Mitchell ตั้งสมมติฐานนี้ขึ้นมาในปี ค.ศ. 1961 โดยไม่เกี่ยวข้องกับอินเตอร์มีเดียทพลังงานสูงหรือการกระตุ้นโปรตีนแต่อย่างใด มีหลักฐานสนับสนุนสมมติฐานนี้หลายประการด้วยกัน



สมมุติฐาน chemiosmotic-coupling กล่าวว่า การส่งผ่านอิเล็กตรอนและการสังเคราะห์ ATP เกิดขึ้นในขณะที่มีโปรตอนเกรเดียนต์ (proton gradient) หรือความแตกต่างของปริมาณโปรตอนระหว่างสองข้างของเยื่อหุ้มด้านในของไมโทคอนเดรีย (รูปที่ 5.5) เนื่องจากในขณะที่มีการส่งผ่านอิเล็กตรอนไปตามลูกโซ่การหายใจ จะมีการปั๊มเอาโปรตอนออกจากมาทริกซ์ (M-side) ไปยังด้านไซโตซอล (C-side) ของเยื่อหุ้มด้านในของไมโทคอนเดรีย ทำให้ความเข้มข้นของโปรตอนทางด้านไซโตซอลของเยื่อก่อนข้างสูง ศักย์ไฟฟ้ามีค่าเป็นบวก เมื่อโปรตอนเคลื่อนกลับมายัง



รูปที่ 5-5 โปรตอนเกรเดียนต์ที่เกิดขึ้นระหว่างสองข้างของเยื่อหุ้มด้านในของไมโทคอนเดรีย ในขณะที่มีการส่งผ่านอิเล็กตรอนไปตามลูกโซ่การหายใจ

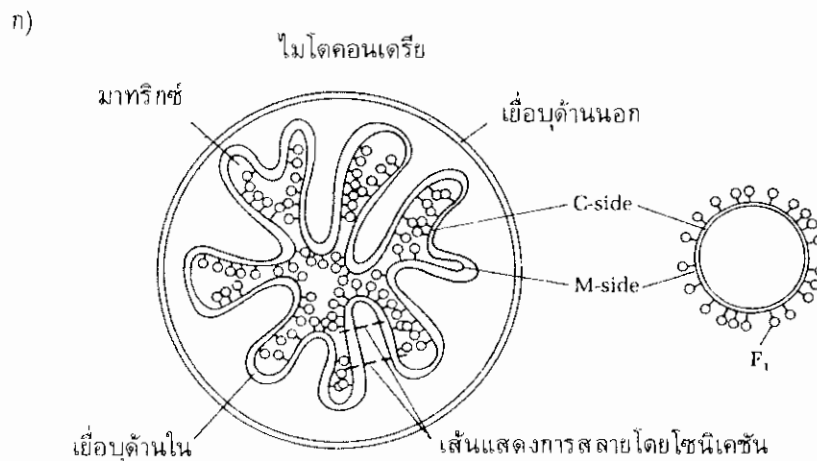
ด้านมาทริกซ์โดยผ่าน Proton channel (หรือ  $F_0$  channel) ทำให้เกิดการสังเคราะห์ ATP ขึ้น มีผู้เสนอความเห็นว่าการเคลื่อนกลับของโปรตอนทาง proton channel นั้นผ่าน ATPase อาจจะเปลี่ยนแปลงคอนฟอร์เมชันของ ATPase ไปในทางที่กระตุ้นให้มีการสังเคราะห์ ATP หรืออาจจะเกิดปฏิกิริยาโดยตรงระหว่าง ADP, P<sub>i</sub> และ H<sup>+</sup> ก็เป็นไปได้ ยังไม่ทราบแน่ชัดแต่มีหลักฐานยืนยันและสนับสนุนว่าโปรตอนเกรเดียนต์ทำให้เกิดการสังเคราะห์ ATP ได้แน่นอน และถ้าสลับเกรเดียนต์ให้ด้านไซโตซอลของเยื่อหุ้มด้านในเป็นต่างกว่าด้านมาทริกซ์บ้าง จะเกิดการไฮโดรไลซ์ ATP แทนที่จะเป็นการสังเคราะห์ ATP

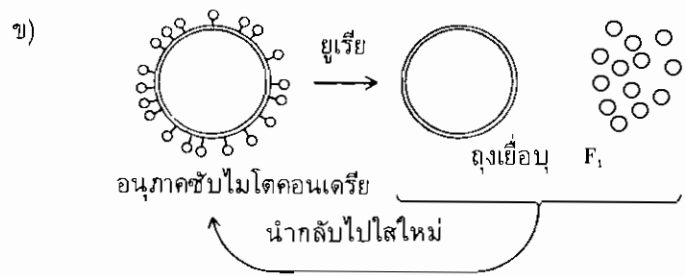
Uncouplers เป็นโมเลกุลสารจำเพาะที่มีผลยับยั้งเฉพาะปฏิกิริยาฟอสฟอริเลชัน โดยการส่งผ่านอิเล็กตรอนยังเป็นไปตามปกติ สารเหล่านั้นได้แก่ 2,4-dinitrophenol, dicoumarol, carbonylcyanide, phenylhydrazones, salicylanilides, arsenate ส่วนตัวยับยั้งที่มีผลยับยั้งทั้งการส่งผ่านอิเล็กตรอนและปฏิกิริยาฟอสฟอริเลชันนั้นได้แก่ oligomycin, ruifamycin, aurovertin, triethyltin

## 5.5 เอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ ATPase หรือ coupling factor 1

ถ้านำไมโทคอนเดรียไปผ่านกระบวนการโซนิเคชัน (sonication) โดยใช้คลื่นอัลตราโซนิก (ultrasonic waves) จะให้อนุภาคขั้วไมโทคอนเดรีย (submitochondrial particles) ลักษณะเป็นถุงเล็กๆ (รูปที่ 5.6 และ 5.7) เชื่อมุด้านในของไมโทคอนเดรียกลับด้านหัน M-side ออกนอก และ C-side อยู่ข้างใน M-side ของอนุภาคขั้วไมโทคอนเดรียมีก้านยาวยื่นออกไปแล้วมีตุ่มกลมๆ อยู่ตรงปลายเต็มไปหมด ตุ่มกลมๆ นี้มีเส้นผ่าศูนย์กลางประมาณ 85 อังสตรอม เมื่อใช้ยูเรียไปขจัดตุ่มกลมทั้งหลายออกจากอนุภาค อนุภาคเหล่านั้นจะยังคงส่งผ่านอิเล็กตรอนได้แต่เกิดปฏิกิริยาฟอสฟอริเลชันไม่ได้ แสดงว่าตุ่มกลมนี้มีหน้าที่สังเคราะห์ ATP เมื่อนำตุ่มกลมนี้กลับไปใส่ให้อนุภาค ปรากฏว่าอนุภาคขั้วไมโทคอนเดรียนั้นเกิดปฏิกิริยาฟอสฟอริเลชันได้ใหม่ ยิ่งเป็นการสนับสนุนว่าตุ่มกลมนี้มีบทบาทสำคัญในการสังเคราะห์ ATP เมื่อแรกที่ค้นพบเอ็นไซม์นี้ทำหน้าที่ไฮโดรไลซ์ ATP จึงเรียกว่าเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ ATPase หรืออีกชื่อหนึ่งว่า coupling factor 1 จากสมมุติฐาน chemiosmotic-coupling พบว่า coupling factor 1 จะสังเคราะห์ ATP เวลาที่มีโปรตอนเกรเดียนต์เกิดขึ้น และทำหน้าที่ไฮโดรไลซ์ ATP เวลาที่ไม่เกิดโปรตอนเกรเดียนต์

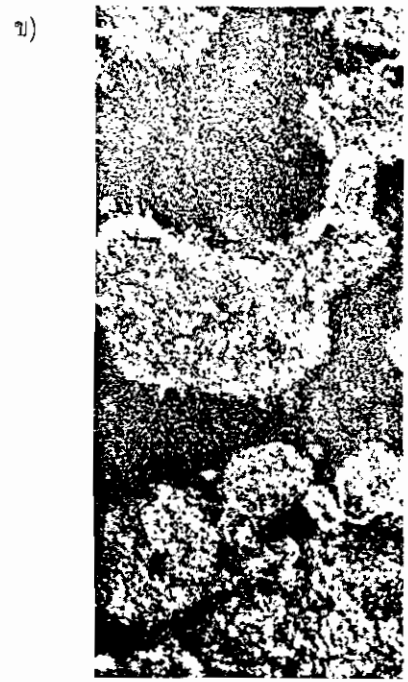
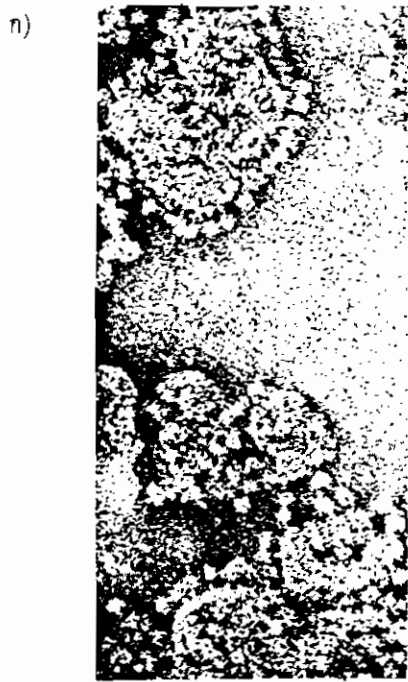
coupling factor 1 หรือเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ ATPase ประกอบด้วยส่วนที่เป็น  $F_1$  มีบริเวณเร่งสำหรับสังเคราะห์ ATP อยู่ในตุ่มกลมทางด้านมาทริกซ์ ส่วนที่เป็น  $F_0$  ทำหน้าที่เป็น proton channel อยู่ในตัวเชื่อมุด้านใน ระหว่าง  $F_1$  และ  $F_0$  เป็นก้านยาวต่อถึงกัน ภายในมีโปรตีนหลายชนิด





รูปที่ 5-6 ก) การสลายไมโทคอนเดรียเป็นอนุภาคชั้นไมโทคอนเดรียด้วยวิธีการโซนิเคชัน

ข) ยูเรียขจัด F<sub>1</sub> ออกจากอนุภาคดังกล่าว ทำให้ปฏิกิริยาฟอสฟอริเลชันเกิดขึ้นไม่ได้ แต่เมื่อนำ F<sub>1</sub> กลับไปใส่ให้อนุภาคใหม่ก็สามารถสังเคราะห์ ATP ได้ดังเดิม



ค)



ง)



รูปที่ 5-7 ภาพอิเล็กตรอนไมโครกราฟของ

ก) อนุภาคซีบีไมโทคอนเดรีย

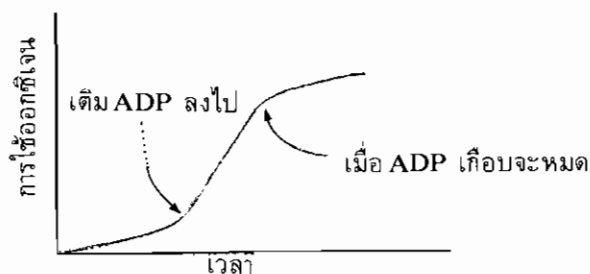
ค) กระจุก F<sub>1</sub> ที่แยกออกมา

ข) อนุภาคที่ขจัดกระจุก F<sub>1</sub> ออกแล้ว

ง) อนุภาคที่ใส่ F<sub>1</sub> กลับเข้าไปใหม่

## 5.6 อัตราเร็วปฏิกิริยาออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชัน

การส่งผ่านอิเล็กตรอนหรือการออกซิไดซ์เกิดควบคู่กับปฏิกิริยาฟอสฟอริเลชันเสมอ ถ้าหาก ADP ไม่เกิดฟอสฟอริเลชันไปเป็น ATP ก็จะไม่มีการส่งผ่านอิเล็กตรอนไปตามลูกโซ่การหายใจ แพลตเตอร์ที่สำคัญที่สุดในการวัดอัตราเร็วของปฏิกิริยา คือ ปริมาณ ADP การใช้ออกซิเจนของเนื้อเยื่อจะเพิ่มสูงขึ้นอย่างรวดเร็วเมื่อปริมาณ ADP เพิ่มขึ้น และกลับเข้าสู่ปรกติเมื่อ ADP ถูกเปลี่ยนไปเป็น ATP (รูปที่ 5-8)



รูปที่ 5-8 การควบคุมการหายใจ การส่งผ่านอิเล็กตรอนไปยังออกซิเจนจะเกิดขึ้นก็ต่อเมื่อ ADP เกิดฟอสฟอริเลชันไปเป็น ATP

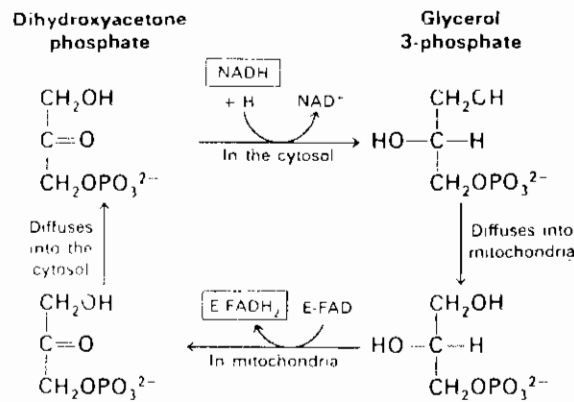
การควบคุมอัตราเร็วปฏิกิริยาออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันโดยปริมาณ ADP นี้เรียกว่า การควบคุมการหายใจ (respiratory control) ในทางสรีรวิทยาเมื่อมีการใช้พลังงานหรือ ATP มาก ปริมาณ ATP ลดต่ำลงในขณะที่ปริมาณ ADP เพิ่มสูงขึ้น ดังนั้นปฏิกิริยาออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันจึงเกิดควบคู่ไปกับการใช้ ATP จะไม่มีการเคลื่อนย้ายอิเล็กตรอนออกจากโมเลกุลสารต่าง ๆ และไม่มีการส่งผ่านอิเล็กตรอนเหล่านั้นไปตามลูกโซ่การหายใจจนกว่าจะมีความต้องการ ATP เกิดขึ้น

ADP และ ATP เป็นโมเลกุลที่มีประจุ ไม่สามารถผ่านเข้าออกเยื่อชั้นในของไมโทคอนเดรียได้โดยเสรี ต้องอาศัยตัวพาจำเพาะคือ ATP-ADP translocase เป็นการขนส่งโมเลกุลแบบ facilitated exchange diffusion ในขณะที่พา ADP เข้าก็ต้องพา ATP ออกจากมาทริกซ์ (หรือในทางตรงข้าม) โปรตอนเกรเดียนต์ที่เกิดขึ้นจะช่วยผลักดันการขนส่งโมเลกุล ADP ควบคู่กับ ATP ของ translocase ATP-ADP translocase ถูกยับยั้งโดย atractyloside ซึ่งเป็นไกลโคไซด์จากพืช และโดย bongkreikic acid ยาปฏิชีวนะจากเชื้อรา ตัวยับยั้งเหล่านี้จึงสามารถมีผลยับยั้งปฏิกิริยาออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันด้วย เพราะ ADP ผ่านเข้าไปในไมโทคอนเดรียไม่ได้

### 5.7 อิเล็กตรอนจาก NADH ในไซโตพลาสซึมเข้าสู่ไมโทคอนเดรียโดยทางกลีเซอรอลฟอสเฟตชัตเทิล (glycerol phosphate shuttle)

NADH ในไซโตพลาสซึมได้มาจากการออกซิไดซ์กลูโคสโดยวิธีไกลโกลิซิส อิเล็กตรอนของโมเลกุล NADH นี้เข้าไมโทคอนเดรียโดยตรงไม่ได้ ต้องอาศัยกลีเซอรอลฟอสเฟตเป็นตัวพา (รูปที่ 5-9) ปฏิกิริยาแรกในซิตเดิลเอ็นไซม์ glycerol-3-phosphate dehydrogenase ในไซโตซอลทำการโยกย้ายอิเล็กตรอนจาก NADH ไปยังไดไฮดรอกซีอะซีโตนฟอสเฟต (dihydroxyacetone

phosphate, DHAP) เพื่อเปลี่ยนเป็นกลีเซอรอล-3-ฟอสเฟต โมเลกุลกลีเซอรอล-3-ฟอสเฟตนี้สามารถผ่านเยื่อหุ้มไมโทคอนเดรียได้ และถูกออกซิไดซ์กลับไปเป็น DHAP ใหม่โดยเอ็นไซม์ glycerol-3-phosphate dehydrogenase ในไมโทคอนเดรีย ใช้ FAD เป็นโคเอ็นไซม์ ดังนั้นอิเล็กตรอนจาก NADH ในไซโตซอลจึงอยู่ที่โมเลกุล FADH<sub>2</sub> ในไมโทคอนเดรีย DHAP ผ่านเยื่อหุ้มของไมโทคอนเดรียออกสูไซโตซอลได้ ทำให้วัฏจักรนี้ครบวงจร



รูปที่ 5-9 กลีเซอรอลฟอสเฟตชัตเติล

FADH<sub>2</sub> ในไมโทคอนเดรียส่งผ่านอิเล็กตรอนเข้าสู่ลูกโซ่การหายใจตรงโคเอ็นไซม์ Q เพื่อไปยังโมเลกุลออกซิเจนต่อไป ผ่านตำแหน่งที่มีการสังเคราะห์ ATP เพียงสองแห่ง ดังนั้น 1 โมลของ NADH จากไซโตซอลจะให้ ATP เพียง 2 โมลสำหรับกลีเซอรอลฟอสเฟตชัตเติล ชัตเติลนี้พบในกล้ามเนื้อเนื้อสำหรับบิน (flight muscle) ของพวกแมลง

สัตว์เลี้ยงลูกด้วยนมมีมาเลท-แอสพาเตทชัตเติล (malate-aspartate shuttle) ซึ่งซับซ้อนและประสิทธิภาพสูงกว่ากลีเซอรอลฟอสเฟตชัตเติล เพราะ 1 โมลของ NADH จากไซโตซอลจะให้ ATP 3 โมล การส่งผ่านอิเล็กตรอนผ่านชัตเติลนี้จะเกิดขึ้นเมื่ออัตราส่วนของ NADH/NAD<sup>+</sup> ในไซโตซอลสูงกว่าอัตราส่วน NADH/NAD<sup>+</sup> ในมาทริกซ์ของไมโทคอนเดรียเท่านั้น จะไม่ขอกกล่าวรายละเอียดของมาเลท-แอสพาเตทชัตเติลไว้ในที่นี้

## 5.8 การคิดพลังงานที่ได้จากการออกซิไดซ์กลูโคสโดยสมบูรณ์

การออกซิไดซ์กลูโคสโดยสมบูรณ์นั้นนับรวมกระบวนการต่อไปนี้คือ

1. การเปลี่ยนกลูโคสเป็นไพรูเวทที่สภาวะไม่ใช้ออกซิเจนในไซโตซอล (วิถีไกลโคไลซิส)
2. ไพรูเวทเข้าสู่ไมโทคอนเดรียซึ่งเป็นสภาวะที่มีออกซิเจน แล้วเปลี่ยนเป็นอะเซทิลโคเอ

3. อะเซทิลโคเอเข้าวัฏจักรเครบส์

4. NADH ในไซโตซอลที่ได้จากข้อ 1) NADH และ FADH<sub>2</sub> ในไมโทคอนเดรียที่ได้จากข้อ 2) และข้อ 3) ส่งผ่านอิเล็กตรอนเข้าสู่ห่วงโซ่การหายใจ

ปฏิกิริยาสุทธิการออกซิไดซ์กลูโคสโดยสมบูรณ์ได้พลังงานทั้งหมด 36-38 ATP (ตารางที่ 5-4)

การออกซิไดซ์กลูโคสอย่างสมบูรณ์ภายใต้สภาวะมาตรฐานให้พลังงาน 686 กิโลแคลอรี ดังสมการข้างล่าง



การที่เก็บสะสมพลังงานได้ 38 ATP ก็นับว่าประสิทธิภาพสูงพอควร เพราะพลังงานอิสระการไฮโดรไลซ์ ATP เท่ากับ -7.3 กิโลแคลอรี จึงคิดเป็นการเก็บได้ 38 (-7.3) เท่ากับ 277 กิโลแคลอรี คิดเป็นพลังงานที่เก็บไว้ได้  $\frac{277 \times 100}{686} = 40\%$  ของพลังงานทั้งหมด

ตารางที่ 5-4 พลังงานที่ได้ทั้งหมดจากการออกซิไดซ์กลูโคสโดยสมบูรณ์

ปฏิกิริยาเรียงตามลำดับขั้นตอน	ATP/โมลกลูโคส
1. วิถีไกลโคไลซิส กลูโคส → ไพรูเวท (ในไซโตซอล)	
กลูโคส → กลูโคส-6-ฟอสเฟต	-1
ฟรุกโตส-6-ฟอสเฟต → ฟรุกโตส-1, 6-ไดฟอสเฟต	-1
2[1, 3-ไดฟอสโฟกลีเซอเรท ⇌ 3-ฟอสโฟกลีเซอเรท]	+2
2[ฟอสโฟอินอลไพรูเวท → ไพรูเวท]	+2
จากปฏิกิริยาของเอ็นไซม์ glyceraldehyde-3-phosphate DH ให้ 2 NADH	
2. ไพรูเวท → อะเซทิลโคเอ (ในไมโทคอนเดรีย)	
จากปฏิกิริยาของเอ็นไซม์ pyruvate DH complex ให้ 2 NADH	
3. อะเซทิลโคเอเข้าวัฏจักรเครบส์ (ในไมโทคอนเดรีย)	
2[ไอโซซิเตรท → α-คีโตกลูตาเรท] ให้ 2 NADH	
2[α-คีโตกลูตาเรท → ซัคซินิลโคเอ] ให้ 2 NADH	
2[ซัคซินิลโคเอ → ซัคซินเนท] ให้ 2 GTP	+2

2[ซัคซิเนต → พีวมาเรท] ให้ 2 FADH<sub>2</sub>

2[มาเลท → ออกซาโลอะซีเตท] ให้ 2 NADH

รวม 6 NADH และ 2 FADH<sub>2</sub>

4. ออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชัน (ลูกโซ่การหายใจในไมโทคอนเดรีย)

2 NADH จากข้อ 1) เข้าลูกโซ่การหายใจทางกีสีเซอร์ออลฟอสเฟตซัดเติล	+ 4
{ ถ้าเข้าทางมีมาเลท-แอสพาเตทซัดเติล	+ 6 }
2 NADH จากข้อ 2) เข้าลูกโซ่การหายใจ	+ 6
6 NADH จากข้อ 3) เข้าลูกโซ่การหายใจ	+ 18
2 FADH <sub>2</sub> จากข้อ 3) เข้าลูกโซ่การหายใจ	+ 4

---

รวมพลังงานที่ได้ทั้งหมด 36 ATP/โมลกลูโคส ถ้าผ่านกีสีเซอร์ออลฟอสเฟตซัดเติล\*

รวมพลังงานที่ได้ทั้งหมด 38 ATP/โมลกลูโคส ถ้าผ่านมาเลท-แอสพาเตทซัดเติล\*\*

---



## บทสรุป

ออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันเป็นกระบวนการสร้าง ATP จาก ADP และ  $P_i$  โดยอาศัยพลังงานการส่งผ่านอิเล็กตรอน จาก NADH หรือ  $FADH_2$  ไปยังโมเลกุลออกซิเจนในลูกโซ่การหายใจ เกิดขึ้นที่เยื่อชั้นในของไมโทคอนเดรีย การออกซิไดซ์ NADH ให้พลังงาน 3 ATP การออกซิไดซ์  $FADH_2$  ให้พลังงาน 2 ATP เอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ในลูกโซ่การหายใจมี 4 ชนิด คือ NADH-Q reductase (คอมเพล็กซ์ I) ประกอบด้วย FMN, FeS โปรตีน, โคเอ็นไซม์ Q และลิปิด ถูกยับยั้งโดยสารโรติโนน อะมัยทาล และเพียร์ริซิดิน A Succinate-Q reductase (คอมเพล็กซ์ II) ประกอบด้วย FAD, FeS โปรตีน และไซโตโครม b  $QH_2$ -Cytochrome c reductase (คอมเพล็กซ์ III) ประกอบด้วยไซโตโครม b ไซโตโครม  $c_1$  FeS โปรตีน โคเอ็นไซม์ Q และลิปิด ถูกยับยั้งโดยยาปฏิชีวนะแอนติไมซีซิน A Cytochrome c oxidase (คอมเพล็กซ์ IV) ประกอบด้วยไซโตโครม  $aa_3$  และ Cu(II) ถูกยับยั้งโดยไซยาไนด์ เอซายด์ และคาร์บอนมอนนอกไซด์ การทำงานของเอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ I, III และ IV ให้พลังงานออกมามากพอที่จะสังเคราะห์ ATP ได้ ไซโตโครมซึ่งเป็นตัวพาอิเล็กตรอนที่เป็นโปรตีนมีในธรรมชาติหลายชนิด แต่ละชนิดต่างที่โครงสร้างและการดูดกลืนแสง ในลูกโซ่การหายใจจะพบเพียงไซโตโครม b ไซโตโครม  $c_1$  ไซโตโครม c ไซโตโครม  $aa_3$

ตัวพาอิเล็กตรอนต่าง ๆ มีค่าศักย์ไฟฟ้ารีดักชันมาตรฐาน ( $E'_0$ ) แตกต่างกันไป ในการส่งผ่านอิเล็กตรอนแต่ละครั้งถ้ารู้ค่า  $\Delta E'_0$  รู้จำนวนอิเล็กตรอนที่เคลื่อนย้าย สามารถคำนวณหาค่าพลังงานอิสระของการเกิดที่สภาวะมาตรฐานได้จากสูตร  $\Delta G'^0 = -nF\Delta E'_0$  การส่งผ่านอิเล็กตรอนทำให้เกิดปฏิกิริยาฟอสฟอริเลชันควบคู่ไปด้วย ทั้งนี้ถ้าอธิบายตามสมมติฐาน chemical-coupling การส่งผ่านอิเล็กตรอนจะได้พลังงานเก็บสะสมไว้ที่พันธะโควาเลนต์ของอินเดออร์มิเดียทพลังงานสูง แล้วจึงถ่ายทอดพลังงานต่อไปให้การสังเคราะห์ ATP การอธิบายตามสมมติฐาน Conformational-coupling การส่งผ่านอิเล็กตรอนจะให้พลังงานเก็บสะสมไว้ที่พันธะนอน-โควาเลนต์จำนวนมากในโมเลกุลโปรตีน จากนั้นจึงถ่ายทอดพลังงานให้การสังเคราะห์ ATP ส่วนสมมติฐาน chemiosmotic-coupling อธิบายว่าการส่งผ่านอิเล็กตรอนและการสังเคราะห์ ATP เกิดขึ้นในขณะที่โปรตีนเกรเดียนต์ มีการปั๊มโปรตอนจากด้านมาทริกซ์ไปสู่ด้านไซโตซอลของเยื่อชั้นในของไมโทคอนเดรีย และเมื่อโปรตอนเคลื่อนกลับมายังด้านมาทริกซ์โดยผ่าน  $F_0$  channel จะเกิดการสังเคราะห์ ATP ขึ้น สมมติฐานนี้มีหลักฐานสนับสนุนหลายประการ uncoupler เช่น 2, 4-dinitrophenol มีผลยับยั้งเฉพาะปฏิกิริยาฟอสฟอริเลชัน ตัวยับยั้ง เช่น oligomycin มีผลยับยั้งทั้งการส่งผ่านอิเล็กตรอนและปฏิกิริยาฟอสฟอริเลชัน

เอ็นไซม์ คอมเพล็กซ์ ATPase หรือ coupling factor 1 ประกอบด้วย  $F_1$  ซึ่งเป็นตุ่มกลมอยู่ด้านมาทริกซ์ มีบริเวณเร่งสำหรับสังเคราะห์ ATP  $F_0$  เป็น proton channel อยู่ที่ตัวเยื่อชั้นใน ระหว่าง  $F_1$  และ  $F_0$  เป็นก้านยาวต่อถึงกันภายในมีโปรตีนหลายชนิด coupling factor 1 จะสังเคราะห์ ATP เวลาเกิดโปรตอนเกรเดียนต์ และไฮโดรไลซ์ ATP เวลาไม่มีโปรตอนเกรเดียนต์ ปริมาณ ADP จะเป็นตัวควบคุมอัตราเร็วปฏิกิริยาออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชัน การเข้าของ ADP หรือการออกของ ATP ที่เยื่อชั้นในของไมโทคอนเดรีย อาศัยตัวพาจำเพาะ ATP-ADP translocase เป็นการขนส่งโมเลกุลแบบ facilitated exchange diffusion อาศัยแรงผลักดันจากโปรตอนเกรเดียนต์ที่เกิดขึ้น การขนส่งถูกยับยั้งโดย atractyloside และ bongkreikic acid

อิเล็กตรอนในไซโตซอลเข้าสู่ไมโทคอนเดรียได้สองทางคือ ทางกลีเซอรอลฟอสเฟต-ซัดเติลซึ่งพบในพวกแมลง และมาเลท-แอสพาเตทซัดเติลในสัตว์เลี้ยงลูกด้วยนม กลีเซอรอลฟอสเฟตซัดเติลนั้น DHAP จะรับอิเล็กตรอนจาก NADH ในไซโตซอลกลายเป็นกลีเซอรอลฟอสเฟตเข้าสู่ไมโทคอนเดรีย ได้พลังงานแค่ 2 ATP/NADH ส่วนมาเลท-แอสพาเตทซัดเติลให้พลังงาน 3 ATP/NADH การออกซิไดซ์กลูโคสโดยสมบูรณ์นับตั้งแต่ต้นกระบวนการไกลโคไลซิสไปจนกระทั่งการส่งผ่านอิเล็กตรอนเข้าสู่การหายใจ ได้พลังงาน 36 ATP/โมลกลูโคสถ้า NADH ในไซโตซอลเข้าไมโทคอนเดรียทางกลีเซอรอลฟอสเฟตซัดเติล และจะได้พลังงาน 38 ATP/โมลกลูโคสถ้า NADH ในไซโตซอลเข้าไมโทคอนเดรียทางมาเลท-แอสพาเตทซัดเติล

## คำถามท้ายบท

1. ออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันคืออะไร เกิดขึ้นที่ไหนภายในเซลล์
2. ลูกโซ่การหายใจหรือลูกโซ่การส่งผ่านอิเล็กตรอนคืออะไร สัมพันธ์กับออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันอย่างไร
3. เอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ในลูกโซ่การหายใจแบ่งเป็นกี่ชนิด อะไรบ้าง แต่ละชนิดทำหน้าที่อะไร ถูกยับยั้งด้วยสารใดบ้าง
4. อธิบายระบบไซโตโครมที่พบในลูกโซ่การหายใจ
5. จงบอกสูตรที่ใช้หาค่าพลังงานอิสระของการเกิดที่สภาวะมาตรฐาน
6. สารที่เป็นตัวรีดิวซ์ที่ดีต้องมีค่าศักย์ไฟฟ้ารีดอกซ์เป็นอย่างไร
7. สมมุติฐานที่ใช้อธิบายการเกิดออกซิเดชันควบคู่ฟอสฟอริเลชันมีอะไรบ้าง แต่ละสมมุติฐานอธิบายโดยใช้หลักการใด สมมุติฐานข้อไหนมีหลักฐานสนับสนุนค่อนข้างมาก
8. เอ็นไซม์คอมเพล็กซ์ ATPase หรือ coupling factor I มีความสำคัญอย่างไร
9. อัตราเร็วปฏิกิริยาออกซิเดทีฟฟอสฟอริเลชันขึ้นอยู่กับอะไร
10. อิเล็กตรอนจาก NADH ในไซโตพลาสซึมเข้าสู่ไมโทคอนเดรียได้ที่ทาง ทางใดบ้าง ทางไหนมีประสิทธิภาพสูงกว่ากัน บอกเหตุผลประกอบ
11. คีตพลังงานที่ได้จากการเผาผลาญโมเลกุลกลูโคสโดยสมบูรณ์ เปรียบเทียบกันระหว่างมาเลท-แอสพาเตทซัดเดิลกับกลีเซอรอลฟอสเฟตซัดเดิล
12. เขียนกลีเซอรอลฟอสเฟตซัดเดิล